[文章编号] 1000-4718(2019)07-1254-07

miR-10b 通过下调 KLF10 促进高糖诱导的 肾小管上皮细胞 EMT*

张黎黎, 吕 军, 杨 荟, 付 莎, 李劲高, 黄 蓉, 宛 霞, 徐安平[△] (中山大学孙逸仙纪念医院肾内科,广东广州 510210)

[摘 要] 目的: 探讨微小 RNA-10b(miR-10b)在高糖诱导的肾小管上皮细胞上皮-间充质转化(EMT)中的作用及相关机制。方法:通过 RT-qPCR 法分析 2 型糖尿病合并肾纤维化患者肾组织中 miR-10b 的表达量;利用高糖刺激人肾小管上皮细胞 HK-2 建立 EMT 模型,RT-qPCR 法检测 miR-10b 在 EMT 不同阶段的表达水平。在 HK2 细胞中分别转染 miR-10b 模拟物(mimic)和抑制物(inhibitor) 24 h 后,再给予高糖刺激,相差显微镜观察细胞形态学改变,Western blot 法检测纤连蛋白(fibronectin)和 N-钙黏蛋白(N-cadherin)等 EMT 标志蛋白的表达。通过在线数据库 miRBase 对 miR-10b 的作用靶点进行预测,并利用双萤光素酶报告基因实验进行验证。结果:与癌旁正常肾组织相比,2 型糖尿病合并肾纤维化患者肾组织中 miR-10b 的表达明显增加(P<0.01)。在高糖刺激诱导的 HK-2 细胞 EMT 中,miR-10b 的表达呈现时间依赖性上调(P<0.01)。转染 miR-10b inhibitor 可抑制高糖诱导的 HK-2 细胞形态学改变以及 EMT 标志蛋白 fibronectin、SLUG、N-cadherin 和 SNAI1 表达的上调。在线数据库预测 KLF10 的3'-UTR 可以与 miR-10b 结合,该结果被双萤光素酶报告基因实验证实。同时,KLF10 过表达可以逆转高糖诱导的肾小管上皮细胞的形态学改变以及 fibronectin 和 N-cadherin 等 EMT 标志蛋白。进一步研究显示,miR-10b 是通过抑制 KLF10表达,从而激活 TGF-β/Smad3 通路发挥作用。结论: miR-10b 可通过下调 KLF10表达促进高糖诱导的肾小管上皮细胞 EMT。

[关键词] 微小 RNA-10b; 上皮-间充质转化; KLF10; 肾小管上皮细胞; TGF-β/Smad3 信号通路 [中图分类号] R363.2; R587.2 [文献标志码] A doi:10.3969/j.issn.1000-4718.2019.07.017

miR-10b promotes high glucose-stimulated epithelial-mesenchymal transition of renal tubular epithelial cells by repressing KLF10 expression

ZHANG Li-li, LÜ Jun, YANG Hui, FU Sha, LI Jin-gao, HUANG Rong, WAN Xia, XU An-ping

(Department of Nephrology, Sun Yat-sen Memorial Hospital, Sun Yat-sen University, Guangzhou 510210, China. E-mail: anpxu@163.com)

[ABSTRACT] AIM: To explore the effect and the underlying mechanisms of microRNA-10b (miR-10b) on high glucose-stimulated epithelial-mesenchymal transition (EMT) of renal tubular epithelial cells. METHODS: The expression level of miR-10b was examined by RT-qPCR in the kidney tissues of the type 2 diabetes patients with kidney fibrosis. The EMT model of HK-2 cells was induced by high glucose stimulation and the miR-10b expression in the process was detected by RT-qPCR. The morphological changes of the HK-2 cells were observed using a microscope. EMT markers, such as fibronectin and N-cadherin, were examined by Western blot. The online database predicted that the 3'-UTR of KLF10 bound to miR-10b and their direct interaction was confirmed by dual luciferase report assay. RESULTS: Compared with the para-carcinoma normal tissues, the expression level of miR-10b was up-regulated in the tissues of type 2 diabetes patients with kidney fibrosis (P < 0.01). In high glucose-stimulated HK-2 cells, the expression level of miR-10b was increased in a time-dependent manner (P < 0.01). miR-10b inhibitor reversed the morphological changes and the increases expression of the EMT markers including fibronectin, SLUG, N-cadherin and SNAI1 induced by high glucose stimulation. Online database showed miR-10b was able to bind with the 3'-UTR in the promoter region of KLF10, thus negatively regulating its expression. Meanwhile, over-expression of KLF10 inhibited the EMT induced by high glucose. Inhibition of TGF- β /Smad3 activation was observed during the process of KLF10-repressed EMT. CONCLUSION: miR-10b promotes high

[[]收稿日期] 2018-10-08 [修回日期] 2018-12-20

^{* [}基金项目] 广东省公益研究与能力建设专项资助项目(No. 2014A020212062)

[△] 通讯作者 Tel: 020-81332585; E-mail: anpxu@163.com

glucose-stimulated epithelial-mesenchymal transition of renal tubular epithelial cells may through repressing KLF10 expression.

[KEY WORDS] MicroRNA-10b; Epithelial-mesenchymal transition; KLF10; Renal tubular epithelial cells; TGF- β /Smad3 signaling pathway

一直以来,肾纤维化被认为是多种慢性肾疾病 进展至终末期肾病的病理损伤过程,它与肾功能障 碍和最终器官衰竭密切相关,但是目前仍然没有有 效干预手段以阻止肾纤维化的发生和发展^[1-2]。尽 管投入了大量的研究工作,肾纤维化是如何产生的 仍颇具争议性[2-3],而其中肾小管上皮-间充质转化 (epithelial-mesenchymal transition, EMT) 是导致肾纤 维化发生的机制之一^[4]。在 EMT 过程中,上皮细胞 会失去自身的特性而获得基质细胞的特点,如细胞 形态改变;波形蛋白(vimentin)和 α -平滑肌肌动蛋白 (α-smooth muscle actin, α-SMA)等表达增加, 细胞迁 移能力增强;E-钙黏蛋白(E-cadherin)表达减少,细 胞间连接下降;细胞外基质蛋白,如纤连蛋白(fibronectin, FN)等表达增加^[5]。几乎每一种肾损伤都 会不同程度地诱导肾小管上皮细胞经历 EMT 的不 同阶段从而导致纤维化,但是 EMT 是如何参与肾纤 维化的进程及其具体分子机制尚知之甚少,这意味 着对 EMT 的充分了解将会使我们为肾纤维化更好 地提出有效的干预策略。

最近有研究表明一些特异的微小 RNA (micro-RNA,miRNA,miR)在组织的纤维化进程中扮演着至 关重要的角色^[6-7]。miRNA 是一类由长约 20~25 nt 的单链非编码 RNA,它主要通过抑制靶基因的翻译 在转录后水平调控靶基因的表达^[8]。miR-10 前体家 族成员编码了一系列短非编码 RNA,它们广泛参与 到基因的调控过程中^[9],其中,miR-10b 是维甲酸诱 导的细胞分化事件中的关键调控子^[10]。除此之外, miR-10b 也被证实可以通过促进细胞的增殖、侵袭以 及迁移等过程参与肿瘤生成,包括低级别胶质瘤和 乳腺癌等^[11-13],这些事件与 EMT 有很多共同的调控 分子,比如生长分化因子 15 (growth differentiation factor 15, GDF15)可以同时促进转移和 EMT^[14];Ski 可以参与细胞的侵袭和 EMT^[15],基于以上研究,我 们推测 miR-10b 很可能在 EMT 进程中发挥着重要的 作用,且其潜在的机制也有待深入研究。

在本研究中,我们检测了2型糖尿病合并肾纤 维化患者肾组织样本中的 miR-10b 表达水平,并在 体外实验中研究了 miR-10b 是否参与了高糖诱导的 肾小管上皮细胞的 EMT,并对其相关机制进行了探 索,以期为糖尿病肾病肾纤维化的有效治疗提供潜 在的候选靶点。

材料和方法

1 实验试剂

胎牛血清 (fetal bovine serum, FBS)和 DMEM-F12 培养基购自 Gibco; SuperReal PreMix 试剂盒购自 北京天根公司; RNAiso Plus 试剂盒、TRIzol 试剂盒和 M-PER 试剂盒购自 Life Technologies; Lipofectamine 2000 转染试剂和 Lipofectamine RNAiMAX 试剂盒购 自 Thermo Fisher Scientific; BCA 法蛋白定量试剂盒 购自江苏碧云天公司; miR-10b 模拟物(mimic)和抑 制物(inhibitor)购自广东瑞博生物公司; 抗 FN、 SLUG、KLF10和 β-actin 抗体购自 Abcam; 抗 N-cadherin、p-Smad3和转化生长因子 β(transforming growth facton-β, TGF-β)抗体购自 CST; 抗 SNAI1抗 体购自 Proteintech; 双萤光素酶报告基因检测试剂盒 购自 Promega。

2 临床样本

10 例癌旁肾组织来自病理科留存的肾癌切除术 后癌旁正常肾组织(经病理科检验为正常肾组织); 10 例肾病患者肾组织来自于经肾穿刺检测的2 型糖 尿病合并肾纤维化患者肾组织,该项实验经过患者 知情同意。实验经过中山大学孙逸仙纪念医院伦理 委员会批准。

3 方法

3.1 细胞培养与高糖诱导肾小管上皮细胞 EMT 模型的建立 人永生化肾小管上皮细胞 HK-2 购自ATCC。细胞在含 10% 胎牛血清的 DMEM-F12 培养体系中进行培养,培养环境为 5% CO₂、95% 相对湿度,Thermo 3111 型 37 ℃恒温密闭式细胞培养箱中。采用 30 mmol/L D-葡萄糖分别作用于 HK-2 细胞 0、12、24 和 48 h,建立高糖诱导肾小管上皮细胞 EMT 模型。

3.2 瞬时转染实验 HK-2 细胞接种于 35 mm 培养 皿中,静置贴壁后以 Lipofectamine RNAiMAX 转染 KLF10 过表达质粒、miR-10b mimic 和 inhibitor,乱序 RNA 片段作为对照,12 h 后更换含 10% FBS 的 DMEM-F12 培养基并给予高糖刺激相应时间。具体 步骤如下:先向 250 μL Opti-MEM 培养基中加入相 应浓度片段,再向 250 μL Opti-MEM 培养基中加入 Lipofectamine RNAiMAX 5 μL,然后将上述稀释好的 Lipofectamine RNAiMAX 和 miR-10b mimic 或 inhibitor 片段混合,室温静置 5 min;将混合物滴加到所需转染培养皿中(培养基体积为 2.5 mL),最终培养体系为 3 mL。

3.3 RT-qPCR 实验 对于组织:取适量样本组织加 入1 mL RNAiso Plus 至匀浆器进行匀浆,液体澄清后 转移至1.5 mL离心管中,室温静置5 min 后,按照说 明书提取组织总 RNA。对于细胞:当细胞生长至对 数期时,以每孔2×10⁵ 密度接种于6孔板中,贴壁后 给予相应处理。处理结束后除去上清,按照说明书 每孔中加入1 mL TRIzol 试剂提取细胞 RNA。总 RNA 经 Qubit 2.0 荧光计测定浓度后,以1 μg 总 RNA 进行逆转录反应, PCR 参数为 42 ℃ 60 min, 70 ℃ 10 min 以终止逆转录反应。cDNA 按照 SuperReal PreMix 试剂盒说明书操作,与引物一起进行实时定 量 PCR 实验。miRNA-10b 的上游引物序列为 5'-ACATCATACCCTGTAGAACCGAA-3', 下游引物序 列为5'-GATTGGATGTTCTCCACAGTCTC-3': U6 的 上游引物序列为 5'-GCTTCGGCACATATACTA-AAAT-3', 下游引物序列为5'-CGCTTCACGAATTT-GCGTGTCAT-3'。设置 PCR 参数为:95 ℃ 10 min; 95 ℃ 10 s、62 ℃ 30 s、72 ℃ 30 s 进行 40 个循环,缓 慢升温至 95 ℃。反应结束后,按照 2^{-ΔΔC}法计算 miR-10b的相对表达量。

3.4 Western blot 法检测蛋白表达 HK-2 细胞接种 于 35 mm 培养皿中,经过各组处理至相应时间后去 除上清,预冷 PBS 轻柔洗涤 3 次。每孔加入 200 µL 细胞裂解液,按照 M-PER 试剂盒说明书提取细胞总 蛋白,之后利用 BCA 法试剂盒测定蛋白浓度。蛋白 定量至相同浓度后,取蛋白样品 20 µg,加入 5 × SDS 蛋白上样缓冲液并在沸水中煮 5 min 使蛋白彻底变 性。之后行 SDS-PAGE 分离;湿转法转移到 PVDF 膜。5% 脱脂奶粉室温封闭 1 h 后加入稀释后的 I 抗 (抗体稀释液为 5% BSA),4 ℃ 孵育过夜;次日用 TBST 洗涤 3 次,每次 5 min,加入相应 II 抗室温孵育 1 h,TBST 洗涤 3 次后利用化学发光法显色拍照。

3.5 双萤光素酶报告基因实验 将*KLF10* 基因3'-UTR 克隆至 pGL3 质粒以构建 pGL3-KLF10 野生型 载体和突变型载体。HK-2 细胞接种于 12 孔板中, 静置贴壁后以 Lipofectamine 2000 按照实验设计共转 染 pGL3-KLF4 野生型载体或突变型载体以及 miR-10b 模拟物。24 h 后,根据双萤光素酶报告基因实验 试剂盒说明书利用 Synergy H1 型多功能酶标仪检测 萤火虫萤光素酶活性,以海肾萤光素酶活性作为内 参照。

4 统计学处理

使用 GraphPad Prism 6 软件进行实验数据统计

分析。所有实验均进行 3 次或者 3 次以上,数据采 用均数 ±标准差(mean ± SD)表示。两组或多组定 量资料在满足正态分布和方差齐的条件下,分别采 用双侧 t 检验和单因素方差分析(one-way ANOVA) 方法。以 P < 0.05 为差异具有统计学意义。

结 果

1 miR-10b 在肾纤维化组织中高表达

癌旁正常肾组织和2型糖尿病合并肾纤维化 患者肾组织中 miR-10b 表达的分析结果显示,在2 型糖尿病合并肾纤维化患者肾组织样本中,miR-10b 的表达水平较正常对照组显著增加(P<0.01),见 图1。



Figure 1. The expression level miR-10b was up-regulated in the tissues from type 2 diabetes patients with kidney fibrosis. The relative expression level of miR-10b in paracarcinoma normal tissues (PC) and type 2 diabetes patients with kidney fibrosis (KD) tissues were detected by RT-qPCR. Mean \pm SD. n = 10. ** P < 0.01 vs PC group.

图 1 在 2 型糖尿病合并肾纤维化患者肾组织中 miR-10b 的 表达增加

2 miR-10b 在高糖刺激的 HK-2 细胞中高表达

30 mmol/L D-葡萄糖分别作用于 HK-2 细胞 0、 12、24 和 48 h 后,可时间依赖性地促进 miR-10b 的 表达,其中刺激 24 h 和 48 h 后,miR-10b 的表达较正 常对照组显著上调(*P* < 0.01),见图 2A。进一步利 用 30 mmol/L 甘露醇作用于 HK-2 细胞 48 h,miR-10b 的表达并没有改变,见图 2B。结果说明,本研究 排除了渗透压改变,miR-10b 表达上调是高糖引起 的。

3 下调 miR-10b 抑制高糖诱导的肾小管上皮细胞 EMT

HK-2 细胞转染 miR-10b inhibitor 24 h 后,给予 30 mmol/L D-葡萄糖刺激 48 h,观察细胞形态变化和 EMT 标志蛋白表达改变。结果显示,正常对照(normal control, NC)组 HK-2 细胞呈现鹅卵石形状,高糖 (high glucose,HG)组细胞表现为成纤维细胞样的长 条形,而 miR-10b inhibitor 预处理可以抑制由高糖刺 激诱导的细胞形态学改变,见图 3A。同时,与 NC 组

相比,高糖刺激可诱导 EMT 的分子标志蛋白 fibronectin、SLUG、N-cadherin 和 SNAI1 上调(P < 0.01);与 高糖组相比,miR-10b inhibitor 预处理可抑制高糖诱 导的 EMT 分子指标表达(P < 0.01),见图 3B。



Figure 2. The expression level of miR-10b was up-regulated in high glucose-stimulated HK-2 cells in a time-dependent manner (A), however, 30 mmol/L mannitol had none affect on miR-10b expression (B). The relative expression of miR-10b in each treatment group was detected by RT-qPCR. Mean \pm SD. n = 3. ** P < 0.01 vs 0 h group.





Figure 3. Downregulation of miR-10b inhibited high glucose-induced EMT in renal tubular epithelial cells. A: the morphological changes of HK-2 cells were observed by microscope (scale bar = 20 μ m); B: the expression levels of indicated EMT markers were detected by Western blot. Mean ± SD. n = 4. ** P < 0.01 vs NC group; *P < 0.05, **P < 0.01 vs HG group.

· 1258 ·

4 miR-10b 可直接作用于 KLF10 并抑制其表达

通过在线数据库 miRBase 对 miR-10b 的靶点进 行预测,结果显示 KLF10(Krüppel-like transcription factor 10)是 miR-10b 的一个结合靶点,见图 4A。进 一步在 HK-2 细胞转染 miR-10b mimic 或 inhibitor,检 测 KLF10 表达水平,结果显示在转染 miR-10b mimic 之后,KLF10 的表达显著下降(P < 0.01);而在转染 miR-10b inhibitor 后,KLF10 的表达明显增加(P < 0.01),见图 4B、C。为了进一步验证 KLF10 是否为 miR-10b 的直接作用靶点,在 pGL3 载体中克隆入

A Predicted binding region of KLF10 and miR-10b Hsa-miR-10b 3' UAAGGGGAUCUUAGCUUAGACA ||||||| Position 294-300 5' ...GGUAGCACAGAUUUUGAAUCUGU... of KLF10 3' UTR Mutant 5' ...GGUAGCACAGAUUUUGUUCCUGU...



Figure 4. miR-10b directly targeted KLF10 mRNA and negatively regulated its expression. A: schematic representation of KLF 3'-UTR showing putative miR-10b binding site; B and C: miR-10b mimic inhibited KLF10 expression, whereas inhibitor augmented KLF10 expression; D: relative luciferase activity of KLF10-WT and KLF10-mutant. Mean ± SD. n = 3. △△P < 0.01 vs NC group. KLF10 3'-UTR 的野生型和突变型,结果显示,在共转染 pGL3-KLF10 野生型质粒与 miR-10b 前体质粒时,萤光强度被明显抑制(P < 0.01);而与 miR-10b 结合区域被突变后,萤光强度与正常水平类似,见图 4D。这些结果提示 miR-10b 可直接作用于 KLF10 并抑制其表达。

5 KLF10 过表达抑制高糖诱导的肾小管上皮细胞 EMT

为研究 KLF10 对肾小管上皮细胞 EMT 的直接 作用,用 KLF10 过表达质粒转染 HK-2 细胞,24 h 后 再用高糖刺激 48 h,分析 KLF10 对 EMT 的影响,结 果显示,KLF10 过表达可以逆转由高糖诱导的 HK-2 细胞的形态学改变,见图 5A,并显著抑制 fibronectin、 SLUG、N-cadherin 和 SNAI1 的表达(*P* < 0.01),见图 5B。这些结果提示 KLF10 过表达抑制肾小管上皮细 胞的 EMT。



Figure 5. KLF10 over-expression reversed high glucose-induced EMT in HK-2 cells. A: the morphological changes of HK-2 cells were examined by microscope (scale bar = $20 \ \mu m$); B: the expression levels of EMT markers were detected by Western blot. Mean ± SD. n = 3. ** $P < 0.01 \ vs$ control group; ^{##} $P < 0.01 \ vs$ HG group.

图 5 过表达 KLF10 可以逆转高糖刺激诱导的 HK2 细胞 EMT

6 KLF10 过表达抑制 TGF-β/Smad3 激活

Western blot 结果显示,高糖可诱导 TGF-β/ Smad3 通路激活,而 KLF10 过表达抑制高糖诱导的 TGF-β/Smad3 通路激活(P<0.01),见图 6A,该结果 与图 5 结果共同说明 KLF10 通过抑制 TGF-β/Smad3 信号通路,抑制肾小管上皮细胞 EMT。接下来,进一 步研究 miR-10b 对 EMT 的促进作用是否由 KLF10/ TGF-β/Smad3 通路所介导,直接在 HK-2 细胞中转染 miR-10b mimic 可显著增强 TGF-β/Smad3 通路活性, 而 KLF10 过表达可逆转 miR-10b 的作用 (P < 0.01),见图 6B。以上结果共同说明 miR-10b 促进高 糖诱导的肾小管上皮细胞 EMT 的作用是通过 KLF10/TGF-β/Smad3 信号通路介导的。



Figure 6. KLF10 over-expression inhibited EMT by suppression of TGF-β/Smad3 signaling pathway. A: KLF10 over-expression reversed high glucose-stimulated TGF-β/Smad3 activation; B: KLF10 over-expression inhibited miR-10 mimic-induced TGF-β/Smad3 activation. Mean ± SD. n = 3. ** P < 0.01 vs control group; ^{##}P < 0.01 vs NC group; ^{ΔΔ}P < 0.01 vs miR-10b mimic group.</p>

图 6 KLF10 过表达通过抑制 TGF-β/Smad3 信号通路逆转 EMT

讨 论

研究表明肾小管上皮细胞 EMT 在肾纤维化过 程中扮演着重要的角色^[16],除此之外,众多研究者在 多种模型中也发现抑制 EMT 可以有效减轻肾纤维 化的发生^[17-19]。这些研究背景从不同层面表明了 EMT 在肾纤维化过程中的重要性。在这些研究中, miRNAs 在 EMT 事件中所扮演的角色一直受到人们 的关注。本研究发现在高糖诱导的 HK-2 细胞纤维 化过程中 miR-10b 表达上调,且抑制 miR-10b 能部 分抑制高糖诱导的 HK-2 细胞纤维化。进一步研究 发现 KLF10 是 miR-10 参与高糖诱导的 HK-2 细胞纤 维化过程中的直接靶点,miR-10b 是通过下调 KLF10 来完成促进高糖诱导的 HK2 细胞纤维化的。KLF10 是一个含有锌指蛋白结构域的转录因子,*TGF-β* 是 它一个早期应答基因^[20]。大量研究表明 TGF-β/ Smad3 在肾纤维化的 EMT 中扮演着重要的角 色^[20-22]。因此本研究探讨 KLF10 是否通过 TGF-β/ Smad3 通路影响肾小管上皮细胞 EMT。我们发现 miR-10b 可以通过抑制 KLF10 的表达从而促进 EMT 进程;同时,miR-10b 表达也促进 TGF-β/Smad3 的激 活。同样在肺癌细胞 A549 的研究中表明 KLF10 可 以通过占据促 EMT 转录因子 SLUG 启动子中的 GC 高含量区域,从而抑制 HDAC1 的招募导致 SLUG 的 下调表达,这些事件协同作用阻碍了 EMT 的进 程^[23]。与此结果一致,在本研究中,我们发现 KLF10 的上调表达可以抑制包括 SLUG 在内的一些促 EMT 转录因子的表达,同时也可抑制 EMT 的发生。除此 之外,KLF10的高表达也可以抑制促 EMT 转录因子 SNAI1 的表达。但是 KLF10 是通过何种作用机制使 得它们的表达受到影响还需要我们进一步证明。总 而言之,我们的结果证明了 KLF10 是 miR-10b 介导 的 EMT 事件中不可缺少的一环。

综上所述,我们的研究表明 miR-10b 可通过直

· 1260 ·

接抑制 KLF10 的表达从而促进高糖刺激的肾小管上 皮 EMT。miR-10b 在糖尿病肾病肾纤维化的诊断与 治疗中有望成为一个有潜力的候选靶点。

[参考文献]

- [1] Hu J, Wang W, Zhang F, et al. Hypoxia inducible factor- 1_{α} mediates the profibrotic effect of albumin in renal tubular cells[J]. Sci Rep, 2017, 7(1):15878.
- [2] Rastaldi MP. Epithelial-mesenchymal transition and its implications for the development of renal tubulointerstitial fibrosis[J]. 2006, 19(4):407-412.
- [3] Grande MT, Súnchez-Laorden B, López-Blau C, et al. Snaill-induced partial epithelial-to-mesenchymal transition drives renal fibrosis in mice and can be targeted to reverse established disease [J]. Nat Med, 2015, 21 (9):989-997.
- [4] Cruz-Solbes AS, Youker K. Epithelial to mesenchymal transition (EMT) and endothelial to mesenchymal transition (EndMT): Role and implications in kidney fibrosis
 [J]. Results Probl Cell Differ, 2017, 60:345-372.
- [5] Wang Y, Le Y, Xue JY, et al. Let-7d miRNA prevents TGF-β1-induced EMT and renal fibrogenesis through regulation of HMGA2 expression [J]. Biochem Biophys Res Commun, 2016, 479(4):676-682.
- [6] Cheng G. Circulating miRNAs: roles in cancer diagnosis, prognosis and therapy [J]. Adv Drug Deliv Rev, 2015, 81:75-93.
- [7] Tang O, Chen XM, Shen S, et al. MiRNA-200b represses transforming growth factor-β1-induced EMT and fibronectin expression in kidney proximal tubular cells[J]. Am J Physiol Renal Physiol, 2013, 304(10):F1266-F1273.
- [8] Ma J, Zhang L, Hao J, et al. Up-regulation of microRNA-93 inhibits TGF-β1-induced EMT and renal fibrogenesis by down-regulation of Orai1[J]. J Pharmacol Sci, 2018, 136(4):218-227.
- [9] Tehler D, Høyland-Kroghsbo NM, Lund AH. The miR-10 micro-RNA precursor family [J]. RNA Biol, 2011, 8 (5):728-734.
- [10] Meseguer S, Mudduluru G, Escamilla JM, et al. Micro-RNAs-10a and -10b contribute to retinoic acid-induced differentiation of neuroblastoma cells and target the alternative splicing regulatory factor SFRS1 (SF2/ASF) [J]. J Biol Chem, 2011, 286(6):4150-4164.
- [11] Ciafrè SA, Galardi S, Mangiola A, et al. Extensive modulation of a set of microRNAs in primary glioblastoma[J]. Biochem Biophys Res Commun, 2005, 334(4):1351-1358.

- [12] Pal R, Greene S. microRNA-10b is overexpressed and critical for cell survival and proliferation in medulloblastoma[J]. PLoS One, 2015, 10(9):e0137845.
- [13] Eissa S, Matboli M, Shehata HH, et al. MicroRNA-10b and minichromosome maintenance complex component 5 gene as prognostic biomarkers in breast cancer [J]. Tumour Biol, 2015, 36(6):4487-4494.
- [14] Li C, Wang J, Kong J, et al. GDF15 promotes EMT and metastasis in colorectal cancer [J]. Oncotarget, 2016, 7 (1):860-872.
- [15] Yang H, Zhan L, Yang T, et al. Ski prevents TGF-β-induced EMT and cell invasion by repressing SMAD-dependent signaling in non-small cell lung cancer [J]. Oncol Rep, 2015, 34(1):87-94.
- [16] Kanlaya R, Khamchun S, Kapincharanon C, et al. Protective effect of epigallocatechin-3-gallate (EGCG) via Nrf2 pathway against oxalate-induced epithelial mesenchymal transition (EMT) of renal tubular cells[J]. Sci Rep, 2016, 6:30233.
- [17] Sun Z, Ma Y, Chen F, et al. miR-133b and miR-199b knockdown attenuate TGF-β1-induced epithelial to mesenchymal transition and renal fibrosis by targeting SIRT1 in diabetic nephropathy[J]. Eur J Pharmacol, 2018, 837: 96-104.
- [18] Loeffler I, Wolf G. Epithelial-to-mesenchymal transition in diabetic nephropathy: fact or fiction [J]. Cells, 2015, 4 (4):631-652.
- [19] Zhao Y, Yin Z, Li H, et al. MiR-30c protects diabetic nephropathy by suppressing epithelial-to-mesenchymal transition in db/db mice[J]. Aging Cell, 2017, 16(2): 387-400.
- [20] Zoni E, van der Pluijm G, Gray PC, et al. Epithelial plasticity in cancer: unmasking a microRNA network for TGF-β-, Notch-, and Wnt-mediated EMT[J]. J Oncol, 2015, 2015;198967.
- [21] Katsuno Y, Lamouille S, Derynck R. TGF- β signaling and epithelial-mesenchymal transition in cancer progression[J]. Curr Opin Oncol, 2013, 25(1):76-84.
- [22] Elmansuri AZ, Tanino MA, Mahabir R, et al. Novel signaling collaboration between TGF-β and adaptor protein Crk facilitates EMT in human lung cancer [J]. Oncotarget, 2016, 7(19):27094-27107.
- [23] Mishra VK, Subramaniam M, Kari V, et al. Krüppel-like transcription factor KLF10 suppresses TGFβ-induced epithelial-to-mesenchymal transition via a negative feedback mechanism[J]. Cancer Res, 2017, 77(9):2387-2400.

(责任编辑:陈妙玲, 宋延君)