

# 1 株嗜碱放线菌的生理学特性研究及其鉴定<sup>\*</sup>

张永光, 唐蜀昆, 李文均, 徐丽华, 姜成林

(云南大学 云南省微生物研究所, 教育部微生物资源开放研究重点实验室, 云南 昆明 650091)

**摘要:** 对从青海茶卡盐湖岸土样中分离到的 1 株生理较特殊的嗜碱放线菌 YIM80305 的生长 pH 范围, 不同碱性物质 KOH, K<sub>2</sub>CO<sub>3</sub>, NaOH, Na<sub>2</sub>CO<sub>3</sub> 对其生长的影响, 耐 NaCl, KCl 特性进行了研究。同时从形态, 细胞壁类型, 16S rDNA 等方面进行了鉴定。结果发现 YIM80305 对 Na<sup>+</sup> 碱性物质有一定依赖性, 对 K<sup>+</sup> 敏感, YIM80305 可能是 *Streptomyces* 属的 1 个新种。

**关键词:** 嗜碱放线菌; Na<sup>+</sup> 依赖性; 16S rDNA

**中图分类号:** Q 939    **文献标识码:** A    **文章编号:** 0258 - 7971(2003)06 - 0549 - 04

嗜碱放线菌是极端环境中的放线菌的 1 个特殊类群, 其定义, 可参照嗜碱菌的定义<sup>[1]</sup>, 它们可以产生多种碱性酶<sup>[2]</sup>和生物活性物质, 如抗生素<sup>[3,4]</sup>和酶的抑制剂<sup>[5]</sup>。由于其产物的特殊性和广阔应用前景, 引起了国际上许多微生物学者的广泛关注。

较早报道嗜碱放线菌是日本的 Mikami<sup>[6]</sup>, 随后嗜碱放线菌的分类和应用有一些报道。嗜碱放线菌能够生长在碱性环境, 意味着具有特殊的营养需求、培养条件及生理机制。有关嗜碱细菌生理学报道有许多, 但有关嗜碱放线菌的目前尚未见报道。嗜碱放线菌如何适应碱性环境, 与嗜碱细菌在生理特性上有什么差别, 都是我们所不了解的, 这极大地限制了我们对嗜碱放线菌新物种的发现, 限制了我们对其资源的开发利用。

为了了解不同碱性物质及盐是否对其生长产生影响, 我们初步研究 YIM80305 的生长 pH 范围, 不同碱性物质 (KOH, K<sub>2</sub>CO<sub>3</sub>, NaOH, Na<sub>2</sub>CO<sub>3</sub>) 对其生长的影响, 及对 NaCl, KCl 的耐性。研究发现 YIM80305 具有特殊生理特性, 意味着可能是新物种, 并从形态, 细胞壁类型, 16S rDNA 全序列对 YIM80305 进行了鉴定。

## 1 材料与方法

### 1.1 菌株来源 菌株 YIM80305 为 2001 年从青

海茶卡盐湖岸土样中分离到的 1 株嗜碱放线菌, 分离培养基为土壤浸汁培养基, 用 NaOH 调至 pH10。

#### 1.2 生理学实验

1.2.1 pH 实验 选用麦芽膏-酵母膏琼脂培养基 (ISP2) 为基础培养基。所用的缓冲液如下: pH6.0, 7.0, 8.0 用 0.1 mol/L KH<sub>2</sub>PO<sub>4</sub> - 0.1 mol/L NaOH, pH9.0, 10.0 用 0.1 mol/L NaHCO<sub>3</sub> - 0.1 mol/L Na<sub>2</sub>CO<sub>3</sub>, pH11.0 用 0.05 mol/L Na<sub>2</sub>HPO<sub>4</sub> - 0.1 mol/L NaOH, pH12.0 用 0.2 mol/L KCl - 0.2 mol/L NaOH. 28℃ 液体培养, 10 d 观察 1 次, 至 30 d。实验重复 2 次。

1.2.2 不同碱性物质对生长的影响 基础培养基灭菌后, 分别用饱和 NaOH, Na<sub>2</sub>CO<sub>3</sub>, KOH, K<sub>2</sub>CO<sub>3</sub> 溶液调至相应的 pH 值, 倒平板。接种, 28℃ 培养, 每 10 d 观察 1 次, 至 30 d。实验重复 2 次。随后做进一步试验, 即在用 KOH, K<sub>2</sub>CO<sub>3</sub> 调节的不同 pH 值 (pH8.0 ~ 12.0) 基础培养基上, 分别添加质量分数为 1.0%, 2.0%, 3.0% 的 NaCl, 28℃ 培养, 每 10 d 观察 1 次, 至 30 d。实验重复 2 次。

1.2.3 耐盐性实验 基础培养基中分别添加质量分数为 3%, 5%, 7%, 10%, 15%, 20% 的 NaCl, KCl, 后用 NaOH 调至 pH10, 倒平板。接种, 28℃ 培养, 每 7 d 观察 1 次, 至 21 d。实验重复 2 次。

\* 收稿日期: 2003-01-09

基金项目: 国家科技部基础研究重大项目(2001CCC00600); 云南省自然科学基金资助项目(2001C0001Q; 2000C0014M)。

作者简介: 张永光(1976-), 男, 河南人, 硕士生, 主要从事极端环境放线菌的系统分类学研究。

### 1.3 菌株鉴定方法

1.3.1 形态观察 用酵母膏 - 麦芽膏琼脂、Horikoshi 嗜碱菌基础培养基<sup>[2]</sup>埋片培养, 28 培养 28 d, 每 7 d 取 1 次片。用光学显微镜 Olympus-BH-2 和电子显微镜 EP mol/L A8705 观察形态。

1.3.2 细胞壁类型分析 采用 Hasegawa<sup>[7]</sup>与王平改进的快速薄层层析法 (Thin layer chromatography, TLC)<sup>[8]</sup> 进行全细胞氨基酸及全细胞水解液糖型的分析。

1.3.3 16S rDNA 的 PCR 扩增及其序列测定和分析 基因组总 DNA 按微波炉法<sup>[9]</sup>提取, 16S rDNA 的扩增参照 Cui 等方法<sup>[10]</sup>。16S rDNA 的扩增所使用引物是:

Primer A: (对应于 *E. coli* 16S rRNA 5' 8 ~ 27f) 5' - A GA GTT TGA TCC TGG CTC AG - 3';

Primer B: (对应于 *E. coli* 16S rRNA 3' 1 523 ~ 1 504) 5' - TTA AGG TGA TCC A GC CGC A - 3'.

扩增产物经纯化后, 用 ABI PRISM™ 377XL DNA Sequencer (Applied biosystems) 测序。将所测的 16S rDNA 序列与 GenBank 数据库中调集出相关种和相关属的 16S rDNA 序列比较, 构建系统发育树。序列排对用 Clustalx 程序包进行, 1 000 次重复抽样自举分析, 进化距离矩阵按 Neighbour-joining<sup>[11]</sup>方法进行, 用 TreeView 程序画进化树。

## 2 结果与讨论

2.1 生理学特性 YIM80305 的生长范围为 pH 7

~ 12, 最适 pH 为 9 ~ 10。在用 NaOH 调节的基础培养基上生长范围为 pH 7 ~ 12, 用 Na<sub>2</sub>CO<sub>3</sub> 的为 pH 7 ~ 11, 但在用 KOH, K<sub>2</sub>CO<sub>3</sub> 的基础培养基上其生长范围为 pH 7 ~ 8, 在 pH 8 以上则不能生长。进一步实验发现, YIM80305 在添加有 1%, 2%, 3% NaCl 的用 KOH 调节 pH 的基础培养基上, 其生长范围为 pH 7 ~ 11, 在 K<sub>2</sub>CO<sub>3</sub> 调节的则为 pH 7 ~ 9。在添加有少量 NaCl 的用 KOH, K<sub>2</sub>CO<sub>3</sub> 调节的基础培养基上, 其生长范围比没有添加 NaCl 的增大了许多, 添加 NaCl 对 YIM80305 生长有促进作用。显然 YIM80305 对 Na<sup>+</sup> 有依赖性, 特别是在高碱性环境中。

YIM80305 耐受 NaCl 范围为 0 ~ 5%, 最适质量分数为 3%, 不耐受 KCl, 有 KCl 存在则不能生长。YIM80305 对 K<sup>+</sup> 敏感, K<sup>+</sup> 可能会抑制它的生长。

### 2.2 菌种鉴定结果

2.2.1 形态特征 菌株 YIM80305 基丝丰富, 有分枝, 不断裂; 有少量气丝, 产生孢子链, 其形态见图 1。

2.2.2 细胞壁类型 菌株 YIM80305 的细胞壁组分中只含有 LL-DAP, 无特征性糖, 即细胞壁 I 型。

2.2.3 16S rDNA 全序列的相似性比较和系统发育分析 所测菌株 YIM80305 的 16S rDNA 核苷酸序列为 1 489 bp。将所测序列与从 GenBank 数据库中的已知相关种进行比较, 所选菌株及其序列号如表 1 所示, 选定 *Streptosporangium roseum* 为外群, 构建以 16S rDNA 全序列为为基础的系统发育树 (图 2)。

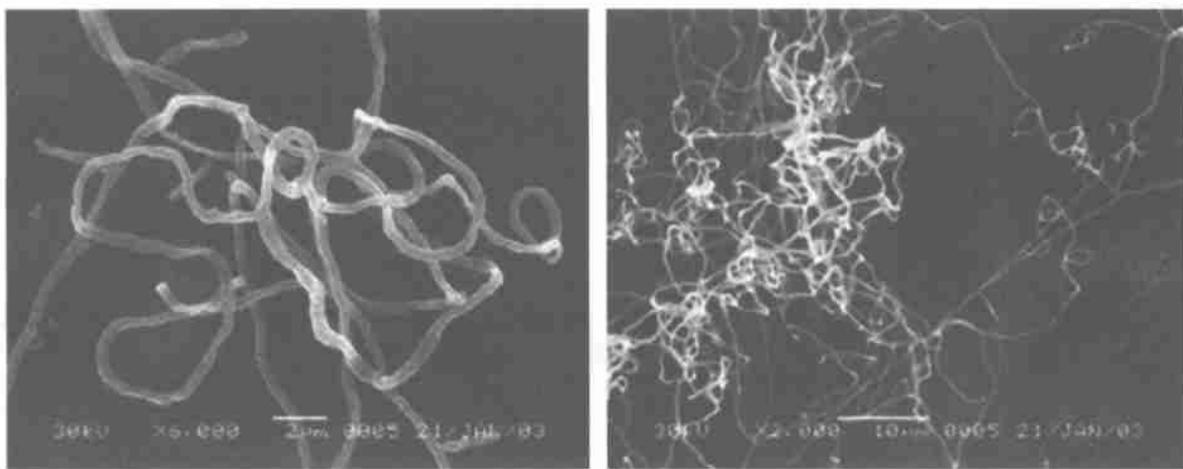


图 1 嗜碱链霉菌 YIM80305 的形态学特征

Fig. 1 Morphological characteristics of alkaliphilic *Streptomyces* sp. YIM80305

表1 从 GenBank 中调出与 YIM80305 相近的菌株

Tab. 1 Strains related phylogenetically to YIM80305

菌 种	菌株号	登录号
<i>Streptomyces</i> sp.	YIM80305 <sup>T</sup>	A Y236339
<i>Streptomyces thermodiastaticus</i>	NAR 85 <sup>T</sup>	AJ001434
<i>Streptomyces mashuensis</i>	DSM40221 <sup>T</sup>	X79323
<i>Streptomyces thermoviolaceus</i>	DSM40443 <sup>T</sup>	Z68096
<i>Streptomyces thermocarboxydovorans</i>	DSM44296 <sup>T</sup>	U94489
<i>Streptomyces rutgersensis</i>	DSM40077 <sup>T</sup>	Z76688
<i>Streptomyces gougerotii</i>	DSM40324 <sup>T</sup>	Z76687
<i>Streptomyces intermedius</i>	DSM40372 <sup>T</sup>	Z76686
<i>Streptomyces kasugaensis</i>	MB273 - C4 <sup>T</sup>	AB024442
<i>Streptomyces somaliensis</i>	DSM40738 <sup>T</sup>	AJ007403
<i>Streptosporangium roseum</i>	DSM43021 <sup>T</sup>	X89947

在系统进化树上, YIM80305, *Streptomyces mashuensis*, *Streptomyces kasugaensis* 3 株菌构成一个分支, YIM80305 与这 2 株菌的 16S rDNA 全序列的同源性分别为 97.17 %, 96.97 %, 表明这 3 株菌在系

统进化上是非常接近的。另一分支上的 7 株菌与菌株 YIM80305 的 16S rDNA 同源性均在 96.28 % ~ 97.23 % 之间, 与 YIM80305 的 16S rDNA 全序列同源性最大的是 *Streptomyces thermodiastaticus* (97.23 %)。但 YIM80305 同 *Streptomyces thermodiastaticus* 不在同一分支上, 尽管它与 *Streptomyces mashuensis* 的同源性 (97.17 %) 小于它同 *Streptomyces thermodiastaticus* 的同源性, 但 YIM80305 同 *Streptomyces mashuensis* 在进化上比 *Streptomyces thermodiastaticus* 更接近一些。YIM80305 是从青海茶卡盐湖岸土样中分离到的嗜碱放线菌, 最高生长温度为 37 °C, pH 范围为 pH 7 ~ 12, 而 *Streptomyces thermodiastaticus* 是 1 株嗜高温菌, 可在 55 °C 生长, pH 6 可以生长, pH 10 不生长。2 株菌分布在 2 个不同的分支上, 系统进化上相差较大, 它们的生理特性差异也可证实这一点。

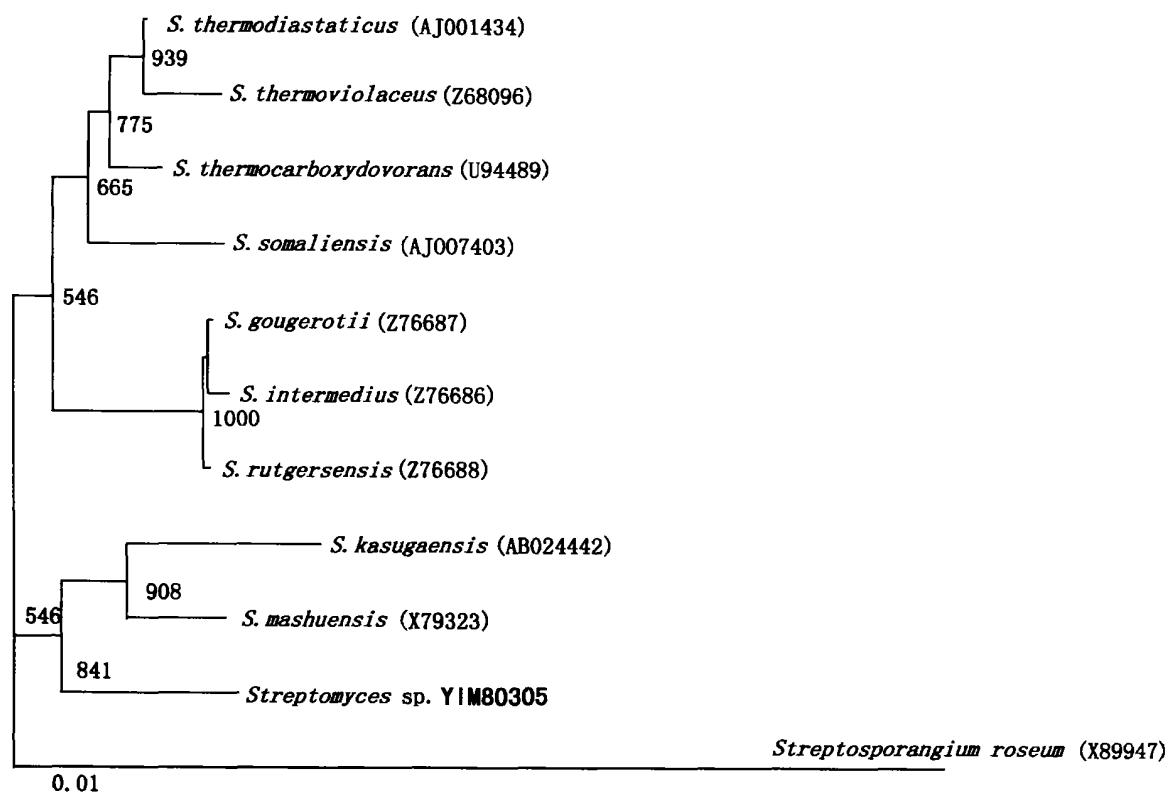


图 2 依据 16S rDNA 序列构建的菌株 YIM80305 的系统发育树

Fig. 2 Phylogenetic tree based on 16S rDNA sequence showing the positions of YIM80305 and related strains

2.3 讨论 不同碱性物质对 YIM80305 的生长有影响, NaCl, KCl 对其生长也有影响。在碱性条件下 YIM80305 对 Na<sup>+</sup> 有一定的依赖性, 对 K<sup>+</sup> 敏感, K<sup>+</sup>

能抑制它的生长。嗜碱放线菌对 Na<sup>+</sup> 依赖性的现象, 以前国内外未见报道, 这种嗜碱放线菌对 Na<sup>+</sup> 的依赖性可能同嗜碱 *Bacillus* sp. 一样, Na<sup>+</sup> 在嗜碱

*Bacillus* sp. 的嗜碱性中起着决定作用<sup>[12]</sup>。

从 YIM80305 的形态特征,细胞壁类型,及 16S rDNA 序列分析结果,可以确定其属于 *Streptomyces* 属。YIM80305 与 *Streptomyces mashuenensis* 在系统发育的关系,比与嗜高温菌 *Streptomyces thermodiastaticus* 的更接近一些,但两者差异为 2.83%。链霉菌是细菌域中数量最大的 1 个属,一般认为 *Streptomyces* 属菌株的 16S rDNA 序列的同源性小于 98% 即可,不必局限于新种必需满足 16S rDNA 序列的同源性小于 97%<sup>[13]</sup>,但必须有充分理由。因此 YIM80305 可能是 *Streptomyces* 属的 1 个新种,要确定为新种还有待于进一步研究。

## 参考文献:

- [1] TSUJIBO H , SATO T , INUI M , et al. Intracellular accumulation of phenazine antibiotics produced by an alkaliphilic actinomycete . Taxonomy, isolation and identification of the phenazine antibiotics [J]. Agric Biol Chem ,1988 ,52 (2) :301 —306.
- [2] HORIKOSHI K. Alkaliphiles: some applications of their products for biotechnology [J]. Microbil Mol Biol Rev , 1999 ,63 (4) :735 —750.
- [3] TSUJIBO H , SA KAMOTO T , MIYAMOTO K , et al. Isolation of cytotoxic substance , Kalafungi from an alkaliphilic actinomycetes , *Nocardiopsis dassonvillei* subsp *prasina*[J ]. Chem Pharm Bull ( Tokyo ) ,1990 ,38 (8) : 2 299 —2 300.
- [4] BAHN Y S , PARK J M , BAI D H , et al. YUA001 , a novel aldose reductase inhibitor isolated from alkaliphilic *Corynebacterium* sp YUA25 , . Taxonomy, fermentation, isolation and characterization[J ]. J Antibiot ,1998 ,
- [5] KRULWICH T A , GUFFANTI A A. Alkalophilic bacteria[J ]. Annu Rev Microbiol ,1989 ,26 :663 —677.
- [6] MIKAMI Y , MIYASHITA K , ARAI T. Diaminopimelic acid profiles of alkalophilic and alkaline-resistant strains of actinomycetes [J ]. J Gen Microbiol ,1982 ,128 (8) : 1 709 —1 712.
- [7] HASEGAWA T , TA KIZAWA M , TANIDA S. A rapid analysis for chemical grouping of aerobic actinomycetes [J ]. J Gen Appl Microbiol ,1983 ,29 :319 —322.
- [8] 王平. 测定放线菌菌体中氨基酸和单糖的快速方法——薄层层析法 [J ]. 微生物学通报 ,1986 ,13 :228 —230.
- [9] ORSINI M , ROMANO S V. A microwave-based method for nucleic acid isolation from environmental samples [J ]. Letters in Applied Microbiology ,2001 ,33 (1) :17 —20.
- [10] CUI X L , MAO P H , ZENG M , et al. *Streptimonosporea salina* gen nov , sp nov , a new member of the family *Nocardiopsaceae* [J ]. Int J Sys Evol Microbiol ,2001 ,51 : 357 —363.
- [11] SAITOU N , NEI M. The Neighbor-joining method:a new method for reconstructing phylogenetic tree [J ]. Mol Biol Evol ,1987 ,4 (4) :406 —425.
- [12] KRULWICH T A , ITO M , GUFFANTI A A. The Na<sup>+</sup> dependence of alkaliphily in *Bacillus* sp [J ]. Biochimica et Biophysica Acta ,2001 ,1 505 : 158 —168.
- [13] STACKERBRANDT E , GOEBEL B M. Taxonomic note:a place for DNA - DNA reassociation and 16S rDNA sequence analysis in the present species definition in bacteriology [J ]. Int J Sys Bacteriol ,1994 ,44 (4) :846 —849.

## Studies on physiological characteristics and identification of an alkaliphilic actinomycete

ZHANG Yong-guang , TANG Shu-kun , LI Wen-jun , XU Li-hua , JIANG Cheng-lin  
 (Yunnan Institute of Microbiology , Yunnan University , The Key Laboratory for  
 Microbial Resources of Ministry of Education , P. R. China , Kunming 650091 , China)

**Abstract :**pH , affects of different alkaline materials KOH , K<sub>2</sub>CO<sub>3</sub> , NaOH , Na<sub>2</sub>CO<sub>3</sub> on the growth , and NaCl , KCl tolerance of one alkaliphilic actinomycete YIM80305 were studied. The strain , which was isolated from the sample in Chaka Salt Lake , Qinghai Province has typically physiological characteristics. YIM80305 was identified by the morphology , cell wall type , 16S rDNA sequence analysis. Results showed that YIM80305 is Na<sup>+</sup>-obligately dependent , and show K<sup>+</sup>-sensitivity. And YIM80305 is a member of *Streptomyces*.

**Key words :**alkaliphilic actinomycetes ;Na<sup>+</sup>-obligately dependent ;16S rDNA