

## 【抗“非典”专栏】

文章编号: 1000-7423(2003)-04-0256-01

## 加强人兽共患病研究势在必行

刘述先

中图分类号: R53

文献标识码: A

在最近抗击传染性非典型肺炎(“非典”)的斗争中,我国政府发挥强有力的作用,始终把人民的身体健康和生命安全放在第一位,迅速果断地采取一系列措施,有效地控制了疫情。但是,由于“非典”是一种尚未被人类完全认识的新型传染病,在疫病发生的初期,也出现过对这场疫情的严重性认识不足,科学研究介入不够,防治措施不力等问题,使防治“非典”工作在一段时间内处于被动的局面。反思防治“非典”取得的重要进展和存在的不足,人们要问从“非典”防治引出的启示是什么?启示有各方面的。但从公共卫生角度出发,面对我国医药卫生部门只熟悉常规的人与人之间传染的典型肺炎及其防治,而在突发的从动物传染给人的传染性非典型肺炎面前,则显得力不从心的现实,启示我们在当前改革开放大好形势下,我国传染病防治任务刻不容缓,加强人兽共患病的研究势在必行。

人兽共患病(zoonosis)是指在人类与脊椎动物之间自然传播的疾病。目前,世界上已发现人兽共患病 200 余种,占传染病很大一部分。其中比较重要的细菌性(包括衣原体,立克次体和真菌)50 余种,病毒性 50 余种,寄生虫性(包括原虫类,吸虫类,线虫类,绦虫类等)60 余种。这些疾病严重威胁着人类的健康和农牧业的发展。人兽共患病不仅种类繁多,对人类的危害程度也极大,如鼠疫这种人兽共患病曾造成世界 3 次大流行、上亿人死亡;又如结核病在各国也是“十痨九死”;日本血吸虫病的流行曾使我国美丽富饶的江南水乡变成“千村薜荔人遗矢,万户萧疏鬼唱歌”的无人村。而这些被消灭或基本消灭的人兽共患病,近年来又有死灰复燃的报告,结核病和血吸虫病就是例子。而且类似于“非典”的新病种还会陆续发现和证实,最近西半球罕见病毒“猴痘”在美国人群的传播,死亡率可高达 10%。据统计 20 世纪末新发现的传染病达 32 种之多,病原体大部分都是新确认的,但也有老病新种(如 O139、O157 等)。随着科学技术的发展,检测手段的进步,原来在人兽蔓延的疫病不断地被发现和证实。随着经济发展的需要,城市化进程加快。因开垦,基建,森林砍伐,建造铁路、公路使自然疫源地开发加速,使某些特定的地理环境如原始森林,大沙漠,湖泊沼泽地等的自然疫源性疾病的病原体、传播媒介、动物宿主在人类进入这种环境后而发生改变,增加了人兽共患病流行的机会。如狂犬病、沙拉病毒病、汉坦病毒病、鼠疫、钩端螺旋体病、旋毛虫病和棘球蚴病等。微生物可随着环境的改变而发生变异,包括从无毒变为有毒,从动物宿主到适应人类宿主的变异等,如埃博拉病毒,人类免疫缺陷病 HIV 病毒/非洲绿猴 SIV 病毒以及牛海绵状脑病毒,大肠杆菌 O157 等。动物界是人类疾病病原体的巨大贮存库,绝大多数人兽共患病的主要传染源和储存宿主均为动物。动物的迁徙和动物群体密度的波动,人类周围的家畜(禽)、观赏动物,宠物以及食用野生动物等都给土源性和食源性人兽共患病的传播流行创造了机会,如弓形虫病,华支睾吸虫病,猪(牛)绦虫病和囊尾蚴病等。此外,人们风

俗与饮食不良习惯的变化,使人类与野生动物关系日趋密切,加上环境污染,特别是人兽排泄物的污染等等。

综上所述,可以看出人兽共患病是病原广泛,宿主众多,传播途径多样化,涉及国家农、林、牧、副、渔各方面而广泛存在于人类和动物的传染病。

从“非典”防治引出的启示应该不光是加强某种新传染病如“非典”的深入研究,更应着眼于那些存在并流行着、不断给人类制造瘟疫或是将不断被发现和证实的自然疫源性的和非自然疫源性的人兽共患病。本着“立足当前放眼长远,统筹兼顾思考卫生事业健康发展方向,为全面建设和完善我国的公共卫生和疾病防治体系打好基础”的指导思想,特作以下建议。

1 成立统一的人兽共患病指挥部(类似于当前的防非指挥部或以往的中央血防办,地病办的机构),统一研究,规划,组织,协调我国对跨学科、跨部门,跨地区的人兽共患病,按轻、重、缓、急开展预防控制和科学研究。亦可下设中国人兽共患病专家委员会。与联合国世界卫生组织(WHO)和联合国粮农组织(FAO)于 1950 年成立的人兽共患病专家委员会对应,以利于互通信息,互相联络,相互交流,采取统一步调地开展预防和控制人兽共患病。在专家委员会的统一联络、协调下,对正在严重流行的或是预测有重大流行可能的人兽共患病开展协作研究,对我国和 WHO/FAO 或 WHO/TDR 共同感兴趣的重大科研项目,应逐步纳入国际资助协作项目(如 WHO/TDR, EEC, NIH, 欧美各国政府和民间基金会等的资助项目)。

2 建立国家级人兽共患病重点实验室,或是分别建立国家级微生物,病毒病,寄生虫病重点实验室。改变目前机构重叠,力量分散,研究内容低水平重复的状况。在现有各部、委不同科研部门,大学和系统下的微生物所,病毒所,寄生虫病所,可在国家重点实验室的安排协调下,在自己优势领域内开展研究工作。

3 开展对全国人兽共患病普查,摸清我国现有的人兽共患病疫情及分布,有利于国家制定有效的预防控制措施。此外,有利于对国外输入的人兽共患病病原、媒介、宿主的识别和鉴定。在条件成熟时,可进一步考虑建立国家人兽共患病病原、传播媒介、贮存宿主库或标本档案馆,及从分子水平(如基因组,包括蛋白质组技术的应用等)和细胞水平对各病种的研究数据,资料,进展报告等进行展示陈列。

4 开展病原学,传播机制,流行规律以及制定有效的预防控制措施的实验室和现场研究。建立并应用数学模型对新发生的人兽共患病的流行规律以及流行发生及预后的预测等开展研究。之后,组建我国人兽共患病预测预报部门。根据从全国各方面收集的流行病学资料(血清流行病学,数学流行病学等)、数据及各种参数变化(如西部开发,长江三峡水利工程,全球气候变暖对生态环境造成的影响等),象中央气象台一样,预测和预报人兽共患病的流行以及对正在流行的人兽共患病的预后预测,从而在国家突发公共卫生事件应急机制体系中发挥重要作用。

作者单位:中国疾病预防控制中心寄生虫病预防控制所,世界卫生组织疟疾、血吸虫病和丝虫病合作中心,卫生部寄生虫病学重点实验室,上海 200025

(收稿日期: 2003-08-02 编辑: 富秀兰)