

人 CuZn-SOD 的分子改造及 在毕赤酵母中的表达

曲和之, 杜姗姗, 郝东云, 张雷, 黄露, 王晓平

(吉林大学分子酶学工程教育部重点实验室, 长春 130021)

摘要 为了改善人 CuZn-SOD 的酶学性质, 在借鉴人细胞外超氧化物歧化酶的特性基础上, 利用分子生物学技术, 在人 CuZn-SOD 的 C 末端加入肝素亲和肽构建了人 CuZn-SOD 工程酶, 并在毕赤酵母中获得表达, 经纯化的工程酶具有较强的肝素亲和性。

关键词 人铜锌超氧化物歧化酶; 肝素亲和性; 分子改造; 工程酶

中图分类号 Q784

文献标识码 A

文章编号 0251-0790(2008)07-1390-03

所有需氧生物在利用氧气时都会产生活性氧自由基(ROS), 它们与核酸、蛋白和不饱和脂肪酸等生物大分子发生反应, 破坏其结构与功能, 进而对机体造成损伤。现代医学认为, ROS 与人类衰老和许多疾病具有密切的关系^[1~3]。超氧阴离子自由基(O_2^-)是生物体内合成的第一个氧自由基, 是其它 ROS 的前体, 具有重要的生物学意义。超氧化物歧化酶(Superoxide dismutase, SOD)是广泛存在于动物、植物和微生物中的一种金属酶^[4], 可以有效地清除 O_2^- , 保护机体不受氧化伤害。因此, 研究超氧化物歧化酶具有重要的理论意义和潜在的应用价值。

人铜锌超氧化物歧化酶(hCuZn-SOD)是存在于人细胞质中的一类含 Cu 和 Zn 原子的 SOD 酶类。它可以清除细胞内的 O_2^- , 避免细胞受到活性氧伤害。但是该酶的半衰期较短, 只有 6~10 min, 极大地限制了其在临床上的应用。研究发现, 人体中有一种 CuZn-SOD 同工酶, 由于其含有肝素亲和位点使得其半衰期大大增加^[5]。我们在 hCuZn-SOD 的 C 末端接上人肝素亲和肽, 构建了人 CuZn-SOD 工程酶, 以增加其在生物体内的半衰期和稳定性。

1 实验部分

1.1 试剂与仪器

DEAE-Sepharose Fast Flow, Sephadryl S-100 H. R, Heparin-Sepharose 预装柱为 Amersham 产品; 引物由上海生工公司合成; 所需要酶均购自大连 TaKaRa 公司; *pichia pastries* GS115(His4, Mut⁺), pPIC9 vector 为 Invrogen 产品; 所用试剂均为国产分析纯。

PCR 仪(Biometra 公司); Spectrophotometer Shimadzu UV-2550(日本岛津公司); 高速冷冻离心机(美国 NKM 公司, J2-21M); 恒温摇床(美国 Forma Scientific 公司); Arthur McView(美国 Perkin Elmer 公司); MicroPulser(美国 BioRad 公司)。

1.2 实验过程

1.2.1 目的基因的构建 利用 PCR 方法(引物 5'TGCCTGCAGGCCAC GAAGGCCGTG3' 和 5'CGCG-GATCCTTGGCGATCCGAATC3')将 hCuZn-SOD 全基因从质粒 pBV-SOD(本实验室构建)中钓出, 经 *Pst* I 与 *Bam* H I 双酶切, 与载体 pUC18(*Pst* I / *Bam* H I)连接, 获得重组质粒 pUCSOD, 转入 JM109 中。将合成的肝素亲和位点(5'GCGATCGCGAGGGTCCGGTCTCTGGGGCGGAGGAGGAGCTGGTGGC3' 和 5'CGGAATTCTTAGAGACGACGGCGCGACGACGCCACCACCTCCTCC3')退火补齐; 用 *Mbo* I 和 *Eco* R

收稿日期: 2007-09-28.

联系人简介: 王晓平, 女, 副教授, 主要从事功能蛋白质的基因工程方面研究。E-mail: wangxiaoping@jlu.edu.cn

I 双酶切, 连入 pUCSOD (*Bam*H I / *Eco*R I) 中, 获得重组质粒 pUCHBSOD, 转化入 JM109 中.

1.2.2 目的基因转入 *pichia* 酵母 利用 PCR 方法(引物 5'CCGCTCGAGAAAAGAGCG ACCAAGGC-CGTC3' 和 5'CGGAATTCTTAGCGACGGCGGCG3') 钻取 HBSOD 基因, 经 *Eco*R I 与 *Xba* I 双酶切, 连入 pPIC9 (*Eco*R I / *Xba* I) 中, 获得重组质粒 pPIC9HBSOD. 将重组质粒 pPIC9HBSOD 用 *Sac* I 酶切, 电转化入 *pichia pastries* GS115 中.

1.2.3 目的蛋白的表达 挑取 pPIC9HBSOD 阳性转化子接种于 MGY 培养基中, 于 30 °C 摆床培养至 $OD_{600} = 2 \sim 6$, 收集细胞. 用 MM 培养基重悬, 于 30 °C 培养至 $OD_{600} = 1.0$, 诱导表达 72 h. 每隔 24 h 补加甲醇至终质量分数为 0.5%.

1.2.4 目的蛋白的纯化 大量培养工程菌, 收获诱导 72 h 后的培养液, 采用热变性除去部分杂蛋白, 以 20 mmol/L, pH = 7.0 的磷酸缓冲液透析除盐. 用经过 20 mmol/L, pH = 7.0 的磷酸缓冲液平衡完全的 DEAE-Sepharose Fast Flow 分离柱(1 cm × 20 cm)分离, 并用含有 0.5 mol/L NaCl 的缓冲液洗脱目的蛋白; 将含有目的蛋白的洗脱液浓缩至 3 mL, 用经过 10 mmol/L 含有 0.15 mol/L NaCl, pH = 7.4 的磷酸缓冲液平衡的 Sephadryl S-100 H. R. 分子筛柱分离, 分段收集并检测蛋白峰的酶活. 以上操作均在 4 °C 下进行.

1.2.5 纯度、酶活及蛋白质浓度的检测 重组酶的浓度采用 Lowry 法检测^[6], 采用邻苯三酚自氧化法检测酶活性^[7], 利用 SDS-PAGE 检验蛋白纯度.

2 结果与讨论

2.1 目的基因的构建

将构建的目的基因用质量分数为 1.0% 的琼脂糖电泳验证, 结果如图 1 所示. 目的基因的大小应为 548 bp. 将其定向克隆于 pUC19, 转入 JM109 中, 重组子经上海生工公司测序, 测得基因序列结果与设计相符.

2.2 目的蛋白的表达纯化

收集诱导表达 72 h 后的 GS115 菌液上清液, 浓缩后经 SDS-PAGE 电泳检验, 结果如图 2(A) 所示. 重组蛋白表观分子量约为 21800, 电泳图谱经凝胶扫描显示, 工程酶占可溶性总蛋白的 15% 左右.

大量培养工程菌, 收集上清液, 经过热变性及 DEAE-Sepharose Fast Flow 与 Sephadryl S-100 H. R. 分子筛纯化, 得到电泳纯的 HBSOD 酶[图 2(B)], 亚基分子量为 21800.

人源 SOD 具有较强的耐热性^[8], 加热至 70 °C 时仍能保持较高活性. 收集培养液上清液, 浓缩后加

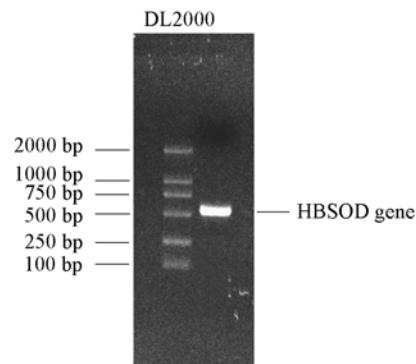


Fig. 1 Analysis of HBSOD gene on a 1.0% (mass fraction) agarose gel

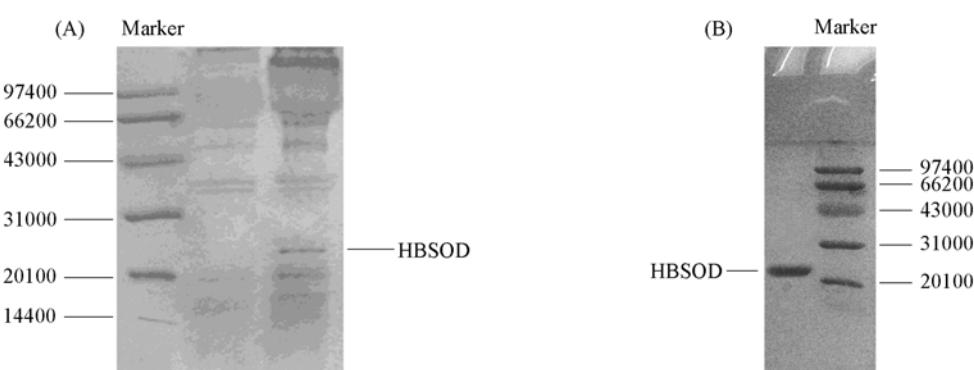


Fig. 2 HBSOD on a 12% SDS-PAGE

(A) Analysis of the expressed HBSOD on a 12% SDS-PAGE; (B) identification of the purified HBSOD.

热至 70 °C, 保温 15 min, 离心, 可除去大量杂蛋白。结果表明, 所构建的工程酶保留了原酶的耐热性。

2.3 酶活性和肝素亲和性检测

对纯化的重组酶活性进行检测, 结果如表 1 所示。

Table 1 Purification protocol for HBSOD

Method	Total protein/mg	Total activity/U	Specific activity/(U · mg ⁻¹)	Yield(%)	Purification(fold)
Crude Extract	466.0	158400	339.91	—	—
Heat Denaturation	266.0	130920	492.18	84.9	1.45
DEAE-Sepharose	17.5	55280	3158.86	32.9	9.29
Sepharyl S-100	6.5	27640	4252.30	17.4	12.51

hCuZn-SOD 中 Cu 原子对维持 SOD 的活性具有重要意义。为了使表达的 HBSOD 具有较高的活性, 在培养基中添加终浓度为 3 mmol/L Cu 离子和 30 μmol/L Zn 离子。

HBSOD 的另一个重要的性质就是具有肝素亲和性。将 HBSOD 经 Heparin-Sepharose 柱(1 mL 预装柱), 用含有 NaCl 的磷酸盐缓冲液进行线性梯度洗脱, NaCl 的洗脱浓度则反映肝素亲和性的强弱^[9]。实验结果显示, 其洗脱液 NaCl 的浓度范围在 0.4 ~ 0.5 mol/L 之间。说明 C 端加人肝素的 hCuZn-SOD 具有较强的肝素亲和性。

参 考 文 献

- [1] Heistad D. D. Arterioscler Thromb Vasc Biol. [J], 2006, **26**(4): 689—695
- [2] Ames B. N., Shigenaga M. K., Hagen T. M. Proc. Natl. Acad. Sci. USA[J], 1993, **90**: 7915—7922
- [3] Crow J. P., Beckman J. S. Adv. Exp. Med. Biol. [J], 1996, **387**: 147—161
- [4] McCord J. M., Fridovich I. J. Biol. Chem. [J], 1969, **244**(22): 6056—6063
- [5] Karlsson K., Sandstrom J., Edlund A., et al. Free Rad. Biol. Med. [J], 1993, **14**: 185—190
- [6] Lowry O. H., Rosebrough N. J., Farr A. L., et al. J. Biol. Chem. [J], 1951, **193**: 256—275
- [7] Marklund S. L., Marklund G. Eur. J. Biochem. [J], 1974, **47**: 469—474
- [8] Tibell L., Aasa R., Marklund S. L. Arch. Biochem. Biophys. [J], 1993, **304**: 429—433
- [9] Marklund S. L. Proc. Natl. Acad. Sci. USA[J], 1982, **79**: 7634—7638

Molecular Modification and Expression of Human CuZn Superoxide Dismutase in *pichia pastries*

QU He-Zhi, DU Shan-Shan, HAO Dong-Yun, ZHANG Lei, HUANG Lu, WANG Xiao-Ping*

(Key Laboratory for Molecular Enzymology and Engineering, Ministry of Education,
Jilin University, Changchun 130021, China)

Abstract CuZn Superoxide dismutase(CuZn-SOD) is the enzyme that can catalyze the removal of superoxide radicals, which are generated in a variety of biological oxidations. It is a ubiquitous enzyme and provides a defense against oxygen toxicity. To dismutate superoxide radical effectively in and around vascular endothelial cells, we constructed a fusion gene encoding a hybrid SOD(namely HBSOD) consisting of human CuZnSOD and a C-terminal basic peptide that binds to heparin-like proteoglycans. The fusion gene was expressed successfully in *pichia pastries*. The purified HBSOD exhibited a normal SOD activity. The protein also possessed a high binding affinity to heparin proteoglycans.

Keywords Human CuZn superoxide dismutase; Heparin-affinity; Molecular modification; Engineering enzyme

(Ed.: H, J, Z)