

谷胱甘肽 S- 转移酶 M1 基因缺失与子宫内膜异位症易感性的关系

彭冬先¹袁可援利¹袁立文²袁扬芳¹袁林敬明³第一军医大学珠江医院¹妇产科袁中心实验室袁药剂科袁¹广东广州 510282

摘要 目的 探讨谷胱甘肽 S- 转移酶 M1(GSTM1)基因遗传缺失与子宫内膜异位症易感性的关系。方法 采用 PCR 技术对 76 例经腹腔镜或手术证实为内异症的患者 (内异症组) 和 80 例非内异症的妇科手术患者 (对照组) 的 GSTM1 基因型进行检测。结果两组均为广东籍汉族妇女。GSTM1 空白基因型频率在内异症组和对照组中分别为 65.8% 和 46.3%。 $\chi^2=6.03$, $P<0.05$ 。结论 GSTM1 空白基因型的个体患内异症的风险是 GSTM1 非空白基因型个体的 2.24 倍。 $R=2.24$, $95\% \text{ CI}=1.17 \sim 4.27$ 。

关键词 子宫内膜异位症; 谷胱甘肽 S- 转移酶 M1; 基因多态性; 易感性

中图分类号 R711.71; R394.2 文献标识码 A 文章编号 1000-2588(2003)05-0458-02

Association between glutathione S-transferase M1 gene deletion and genetic susceptibility to endometriosis

PENG Dong-xian¹, HE Yuan-li¹, QIU Li-wen², YANG Fang¹, LIN Jing-ming³

Department of Obstetrics and Gynecology¹, Central Laboratory², Department of Pharmaceutics³, Zhujiang Hospital, First Military Medical University, Guangzhou 510282, China

Abstract: Objective To evaluate the possible association of the glutathione S-transferase M1 (GSTM1) gene polymorphism with the susceptibility to endometriosis in women of Han nationality in Guangdong Province. Methods Polymerase chain reaction was used to identify the GSTM1 genotypes in 76 patients with endometriosis and 80 controls (surgical patients for gynecological problems other than endometriosis). Results The frequencies of the GSTM1 null genotypes in patients with endometriosis and controls were 65.8% and 46.3%, respectively, showing a significant difference between the endometriotic cohort and the control group ($\chi^2=6.03$, $P<0.05$). Individuals with GSTM1 null genotype were exposed to risks for endometriosis 2.24 times that of subjects without these genotypes ($R=2.24$, $95\% \text{ CI}=1.17 \sim 4.27$). Conclusion GSTM1 gene deletion might be risk factor for endometriosis in women of Han nationality who are native residents in Guangdong Province.

Key words: endometriosis; glutathione S-transferase M1; gene polymorphism; susceptibility

近年来随着对环境毒素在子宫内膜异位症发病机制中的作用的深入研究，解毒酶在内异症发病中充当的角色也越来越受到重视。国外学者研究发现内异症遗传易感性与环境毒素密切相关。谷胱甘肽 S- 转移酶 M1 (glutathione S-transferase M1, GSTM1) 基因多态性相关。本研究应用聚合酶链反应 (PCR) 技术对广东汉族内异症患者和非内异症妇女 GSTM1 基因型进行检测，探讨 GSTM1 基因多态性与广东汉族妇女内异症易感性的关系。

收稿日期 2002-11-05

基金项目 院广东省医学科研基金 (A2002399) 广州市科技计划项目 (002J1-C0021)

Supported by Medical Science Foundation of Guangdong Province (A2002399) and Program of Sci-tech Development Plans of Guangzhou Municipality (2002J1-C0021)

作者简介 彭冬先，男，湖南长沙人，1993 年毕业于第一军医大学，现为在读硕士研究生，主治医师，讲师，电话：20-85142663，E-mail：pd@fimmu.com

1 对象与方法

1.1 研究对象

内异症患者 76 例，袁为 2000 年 2 月 ~2001 年 12 月在第一军医大学珠江医院、南方医院、中山大学附属第二医院经剖腹或腹腔镜手术后病理证实为内异症的住院患者，年龄 21~45 岁。按美国生育协会修正标准 (rAFS) 分期：Ⅲ 期 19 例，Ⅳ 期 17 例，Ⅱ 期 22 例，Ⅰ 期 18 例。对照组为同期因为异位妊娠而要求绝育及输卵管吻合术等在我院行盆腔内手术而术中未发现有子宫内膜异位病灶的患者 80 例。其中异位妊娠 62 例，要求绝育 16 例，输卵管吻合术后 2 例。年龄 23~41 岁。遗传病家族史两组均为无血缘关系的广东籍汉族妇女。年龄、职业等分布均衡，并且均在原籍稳定居住 3 代以上。

1.2 研究方法

1.2.1 标本收集 从上述两组人群中每人抽取外周静脉全血 3 ml，加柠檬酸钠抗凝，80 益保存待测。

1.2.2 基因组 DNA 的制备 用改良的盐析法提取基

因组DNA通常采用核酸蛋白质测定仪(德国Eppendorf公司产品)测定DNA纯度($D_{260}/D_{280} > 1.8$)和浓度。1.2.3 PCR反应 根据文献报告设计GSTM1基因引物，其序列为上游5'-CTGCCCTACTTGATTGATGG G-3'，下游5'-CTGGATTGTAGCAGATCATGC-3'。扩增片段长度219bp。进行PCR扩增时同时以白蛋白基因为内参照，用引物序列上游5'-GCCCTCTG CTAACAAGTCCTAC-3'，下游为5'-GCCCTAAAAA GAAAATCGCCATC-3'。扩增白蛋白基因的PCR产物为350bp。GSTM1和白蛋白基因的2对引物同在1个反应管中，PCR扩增的反应条件：反应总体积50 μl，含有200 μmol/L dNTP，GSTM1基因及白蛋白基因上游引物各0.4 μmol/L，基因组DNA 0.4 μg，U Taq DNA聚合酶(Promega公司产品)。在PCR仪(西安天隆科技有限公司DTC-3C型)上扩增，参数：预变性5min，然后94℃变性30s，复性50s，延伸2℃，延伸45s，共5个循环后，72℃延伸7min。1.2.4 结果判断 取10 μl PCR产物经1.8%琼脂糖凝胶(含0.5 μg/ml溴化乙锭)电泳60min，电压50V，在紫外反射透射仪上观察结果。若扩增的PCR产物无219bp条带，显示350bp条带，则为GSTM1基因缺失纯合子(GSTM1/0)；若同时显示219bp及350bp条带，则为GSTM1基因杂合子(GSTM1+/+)或缺失杂合子(GSTM1+/0)。

1.3 统计学方法

用直接计数法计算各组基因型频率分布，两组之间基因型频率比较用 χ^2 检验，比值比(OR)及95%可信区间(95%CI)表示相对危险度。数据均用SPSS10.0软件进行统计分析。

2 结果

GSTM1基因及内参照白蛋白基因PCR产物电泳结果见图1。GSTM1各等位基因型在病例和对照组中的频率分布见表1。两组基因型频率比较具有显著性差异。 $P=6.03 < 0.014$ 。内异症病例组GSTM1基因缺失纯合子基因型频率明显高于对照组。若以GSTM1+(+/0)基因型个体的OR值为1，GSTM1基因纯合缺失个体(0/0)的OR值为2.24，95%CI为1.17~4.27。

3 讨论

GSTM1基因属于GST超基因家族，是重要的域相解毒代谢酶。STM1可代谢二噁英、并蒂等环境毒素，使其失活。STM1基因的缺失率在不同的人群和种族中不同。正常人群GSTM1空白基因型频率波动在29%~66%。GSTM1基因缺陷型不能产生有

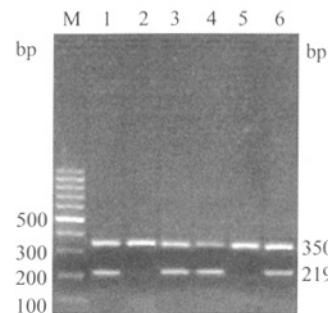


图1 GSTM1基因及内参照白蛋白基因PCR产物电泳结果

Fig.1 Electrophoresis result of the PCR product of GSTM1 and albumin gene (as internal control)
M:100bpDNA ladder marker; Lanes 1, 3, 4, 6: Genotype GSTM1+/+ or GSTM1+/0; Lanes 2, 5: Genotype GSTM1/0

表1 GSTM1基因型在内异症组和对照组中的分布

Tab.1 Distribution of GSTM1 genotypes in endometriosis patient group and the control group

| Group | n | Genotypes | |
|---------------|----|--------------------|-------------|
| | | GSTM1+(+/+ or +/0) | GSTM1-(0/0) |
| Endometriosis | 76 | 26(34.2%)* | 50(65.8%)* |
| Control | 80 | 43(53.7%) | 37(46.3%) |

*P<0.05 vs control

活性的酶蛋白使机体对环境毒素的解毒能力下降。大量研究发现GSTM1基因多态性与环境毒素暴露相关的肿瘤易感性有关。

目前认为内异症可能是遗传易患性和环境因素相互作用所致。近年来发现内异症与环境毒素特别是二噁英的暴露存在明显相关性。GSTM1作为二噁英等环境毒素重要的域相解毒代谢酶，其基因多态性与内异症易感性的关系受到重视。Baranova等研究发现高加索人群中内异症患者的GSTM1空白基因型频率显著高于对照组。GSTM1基因缺陷型个体能明显增加内异症的发病风险。GSTM1基因多态性分布具有明显的种族及地区差异。最近Hadfield等报道美国白种人GSTM1基因多态与内异症遗传易感性无明显关系。本研究的结果显示，GSTM1空白基因型频率在广东汉族妇女内异症病人和对照组之间有显著差异。内异症患者的GSTM1空白基因型频率显著高于对照组。GSTM1空白基因型的个体患内异症的风险是GSTM1非空白基因型个体的2.24倍。由此提示GSTM1基因缺陷可能是广东汉族妇女内异症的遗传易感因素之一。内异症是一种多因素致病的疾病。由于本研究例数尚少，同时研究对象缺乏环境毒素暴露的详细资料，因此有待扩大样本及选择健康对照进行研究。同时详细研究基因缺陷和环境毒素暴露

RA 的治疗原则袁有学者认可采用 MTX 治疗 AS 时袁剂量以小剂量为好(7.5~15.0mg) 咨¹本试验证明了不同剂量 MTX 与 MLX 联合治疗 AS²有效率及各项临床指标的好转率SR 除外³均不存在显著差异遥故 MLX 与 MTX 联合治疗 AS⁴MTX 以小剂量为宜遥

本试验中两组不良反应发生率 MTX 低剂量组为 50.0% 袁 MTX 高剂量组为 88.9% 袁但经检验不存在显著差异遥这是否与病例数较少有关袁有待进一步观察遥不良反应多发生于 1 月内袁尤其以 10~30d 最常见⁵ 17 例袁发生不良反应总人数的 77.3% 袁患者主要临床表现为骨髓抑制⁶白细胞减少⁷及肝功能损害袁通过减少 MTX 剂量及口服叶酸后袁症状可缓解遥 32 例患者均能坚持治疗 3 月以上袁且均未出现肾功能损害袁说明 MLX 作为一种具有选择性 COX-2 抑制特性的 NSAID 袁对 MTX 的药物代谢影响不大袁不会增加 MTX 的肾毒性作用遥国外有学者用 MTX 与 MLX 联合治疗 12 例 RA⁸发现 MLX 不影响 MTX 在人体内的血药浓度⁹血浆蛋白结合率及肾小球滤过率袁短期内不增加 MTX 的肾毒性¹⁰遥

综上所述袁 MTX 与 MLX 联合应用治疗 AS¹¹疗效良好¹²其疗效与 MTX 剂量不存在相关性袁但因不良反应发生率较高袁 MTX 以小剂量为宜¹³在短时间¹⁴袁短期内不增加 MLX 的毒性作用遥

参考文献院

袁 Khan MA. Ankylosingspondylitis: clinical feature 咨¹ In: Klippel

接 459 页袁

露的交互作用对内异症发病的影响袁从而明确 GSTM1 基因多态性与内异症的关系遥

参考文献院

袁彭冬先, 何援利, 丘立文, 等. 广东汉族妇女 CYP1A1 基因 Msp I 多态性与子宫内膜异位症的关系¹袁第一军医大学学报, 2002, 22(9):814-6.
Peng DX, He YL, Qiu LW, et al. Susceptibility to endometriosis in women of Han Nationality in Guangdong Province associated with Msp I polymorphisms of cytochrome P450 1A1 gene 咨¹ J First Mil Med Univ/Di Yi Jun Yi Da Xue Xue Bao, 2002, 22(9):814-6.
袁 Baranova H, Bothorishvili R, Canis M, et al. Glutathione S-transferase M1 gene polymorphism and susceptibility to endometriosis in a French population²袁 Mol Hum Reprod, 1997, 3(9):775-80.
袁 Baranova H, Canis M, Ivaschenko T, et al. Possible involvement of arylamine N-acetyltransferase 2, glutathione S-transferases M1 and T1 genes in the development of endometriosis³袁 Mol Hum Reprod, 1997, 3(9):775-80.

JH, Dieppe PA, eds. *Rheumatology* 咨¹ London: Mosby Press, 1998. 16-7.

袁 汤建平. 柳氮磺胺吡啶联合甲氨蝶呤治疗强直性脊柱炎的临床分析⁴袁颈腰痛杂志, 1999, 20(3):189-90.

Tang JP. Clinical efficacy analysis on the treatment of ankylosing spondylitis with sulfasalazine plus methotrexate 咨¹ Cervicodynia Lumpodysnia, 1999, 20(3):189-90.

袁 唐福林. 风湿免疫科医师手册 咨¹ 北京: 中国协和医科大学出版社, 2001. 156-9.

袁 韩星海, 戴生明, 方利平. 美洛昔康治疗类风湿性关节炎和骨关节炎的临床研究⁵袁中国新药杂志, 2001, 10(7):527-30.

Han XH, Dai SM, Fang LP. The efficacy and safety of meloxicam in treatment of rheumatoid arthritis (RA) and osteoarthritis (OA) 咨¹ Chin J New Drugs, 2001, 10(7):527-30.

袁 龙 龍. 临床药物手册 咨¹ 北京: 金盾出版社, 1992. 173-4.

袁 Kremer JM, Alarcon GS, Lightfoot RW, et al. Methotrexate for rheumatoid arthritis. Suggested guidelines for monitoring liver toxicity. American College of Rheumatology 咨¹ Arthritis Rheum, 1994, 37(3):316-28.

袁 Kraus A, Alarcon-Segovia D. Low dose MTX and NSAID induced "mild" renal insufficiency and severe neutropenia 咨¹ J Rheumatol, 1991, 18(8):1274-6.

袁 Frenia ML, Long KS. Methotrexate and nonsteroidal anti-inflammatory drug interactions¹⁰袁 Ann Pharmacother, 1992, 26(2):234-7.

袁 张 晓, 潘云峰, 汤美安. 单用甲氨蝶呤与甲氨蝶呤并柳氮磺胺吡啶治疗强直性脊柱炎的疗效观察¹¹袁中华医学杂志(Chin Med J), 1999, 110(4):278-80.

袁 Hubner G, Sander O, Degner FL, et al. Lack of pharmacokinetic interaction of meloxicam with methotrexate in patients with rheumatoid arthritis¹²袁 J Rheumatol, 1997, 24(5):845-51.

1999, 26(5):636-41.

袁 Norppa H. Cytogenetic markers of susceptibility: influence of polymorphic carcinogen-metabolizing enzymes 咨¹ Environ Health Perspect, 1997, 105(Suppl 4):829-35.

袁 Chen CL, Lin Q, Relling MV. Simultaneous characterization of glutathione S-transferase M1 and T1 polymorphisms by polymerase chain reaction in American whites and blacks¹³袁 Pharmacogenetics, 1996(2):187-97.

袁 Kennedy S. Is there a genetic basis to endometriosis 咨¹⁴ Semin Reprod Endocrinol, 1997, 15(3):309-11.

袁 Birnbaum LS, Cummings AM. Dioxins and endometriosis: a plausible hypothesis¹⁵袁 Environ Health Perspect, 2002, 110(1):15-21.

袁 Rier SE. The potential role of exposure to environmental toxicants in the pathophysiology of endometriosis¹⁶袁 Ann NY Acad Sci, 2002, 955:201-12.

袁 Hadfield RM, Manek S, Weeks DE, et al. Linkage and association studies of the relationship between endometriosis and genes encoding the detoxification enzymes GSTM1, GSTT1 and CYP1A1¹⁷袁 Mol Hum Reprod, 2001, 7(11):1073-8.