



技术平台

▶ 技术支撑平台简介

▶ 基因组与表观基因组学  
子平台

▶ 分子细胞生物学子平台

▶ 蛋白质组学子平台

▶ 药物与结构学子平台

▶ 多功能影像子平台

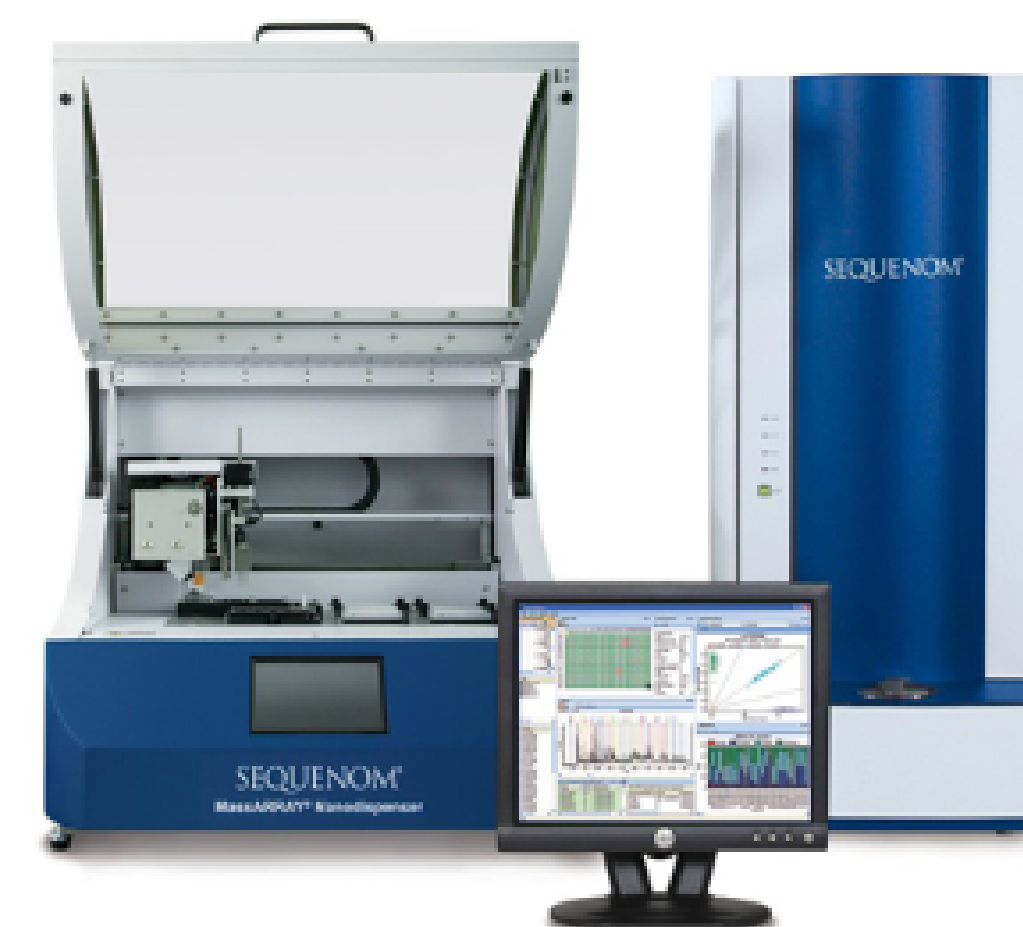
▶ 生物信息学子平台

基因组与表观基因组学子平台

首页 > 技术平台 > 基因组与表观基因组学子平台

质谱芯片系统MassARRAY操作指南

预约方法: 电话预约



- 1、打开Epytyper1.0, 选择左下角的Amplicons标签, 分别新建。
- 2、选择左下角的Reactions。
- 3、选择左下角的Amplicons, 导入a tab-delimited file。
- 4、选择左下角的Samples, 导入a tab-delimited file。
- 5、选择View, 然后点击左上角save。
- 6、选择左上角File, 点击Export to RT Workstation。
- 7、放入芯片。
- 8、打开桌面Start RT, 在SpectroACQUIRE窗口, 选择Tools, 点击Load Parameters, 在弹出的窗口中, 选择Masscleave。
- 9、Auto Run Set Up标签, chip1填入实验名\_1, 点击Barcode Report, 弹出的对话框显示相应的实验名。
- 10、选择Auto Run标签, 点击Start Auto Run。

友情链接

复旦常用站点



复旦院系链接



其他高校链接

