


【作者】	岳庆妮, 葛娟, 王蕾, 张霞, 王绍明, 王建明
【单位】	石河子大学生命科学学院, 新疆石河子
【卷号】	36
【发表年份】	2008
【发表刊期】	33
【发表页码】	14417 - 14419, 14432
【关键字】	红花; RAPD; 遗传多样性; 聚类分析
【摘要】	[目的] 利用RAPD 技术分析新疆红花栽培品种遗传多样性。[方法] 提取29 份新疆红花栽培品种的基因组DNA 并利用所筛选的 20 条RAPD 引物进行PCR 扩增。[结果] 共扩增出156 条带, 其中144 条带具有多态性, 多态性条带占92.31%, 说明新疆的红花具有较丰富的遗传多样性; 根据引物扩增出的DNA 指纹图谱, 运用UPGMA 分析法可将29 份红花种质聚类划分为4 个主要类群, 该类群划分结果与红花的生态地域性可能不存相关性。[结论] 该方法可用于在分子水平上分析红花品种的遗传多样性。
【附件】	 <a href="#">PDF下载</a> <a href="#">PDF阅读器下载</a>

关闭