

农业生物技术科学

蒿属药用植物叶绿体上的psbA-trnH序列分析

刘涛<sup>1</sup>, 纪运恒<sup>2</sup>

云南农业大学

收稿日期 2009-1-12 修回日期 2009-4-21 网络版发布日期 2009-6-20 接受日期 2009-6-9

**摘要** 【摘要】目的: 采用叶绿体上psbA-trnH序列中的信息, 运用物种特异的DNA序列信息位点区分黄花蒿和常见同属植物的混淆种茵陈蒿、青蒿, 为药用植物的鉴定提供科学依据。方法: 提取被测植物的DNA, 使用PCR方法扩增psbA-trnH序列片段, 测定并比较所得序列, 软件分析得到上述三种植物各自特有的DNA序列特征位点。结果: 黄花蒿和茵陈蒿、青蒿植物之间psbA-trnH序列虽具有较高的相似性, 但也有显著的特征性的不同, 可以依靠它们各自特有的信息位点区分开来。结论: psbA-trnH序列中的信息位点可以用来区分黄花蒿、茵陈蒿和青蒿植物。该方法首次为蒿属药用植物的分子鉴定提供了可靠、简便的参考依据。

**关键词** [蒿属](#) [psbA-trnH序列](#) [聚合酶链式反应](#)

分类号

**DOI:**

对应的英文版文章: [2009-0087](#)

通讯作者:

刘涛 [lt-lxx@sohu.com](mailto:lt-lxx@sohu.com)

作者个人主页:

刘涛<sup>1</sup>; 纪运恒<sup>2</sup>

#### 扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDE](#) (514KB)

▶ [\[HTML全文\]](#) (0KB)

▶ [参考文献\[PDF\]](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [引用本文](#)

▶ [Email Alert](#)

相关信息

▶ [本刊中包含“蒿属”的相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

• [刘涛](#)

• [纪运恒](#)