



4种胡蜂前溶血肽原基因的克隆与序列比较

摘要从雌性亚非马蜂、额斑黄胡蜂、墨胸胡蜂、大胡蜂毒腺中抽提总RNA，通过RT-PCR方法扩原的cDNA,再将扩增产物克隆到pGEM-T easy vector上。测序结果表明：扩增得到的片段长度均为2131区的cDNA。经序列比较，4种胡蜂毒前溶血肽原之间的氨基酸序列同源性都超过95%。亚非马蜂、胡蜂各自与意大利蜜蜂毒前溶血肽原氨基酸序列的同源性分别为95.8%、100%、97.2%、97.2%。结果结构序列具有很高的保守性，尽管胡蜂和蜜蜂属于膜翅目不同的总科，但它们的前溶血肽原基因却非

[存档文本](#)