



## 水稻苗期耐旱性基因位点及其互作的分析

1

摘要随着全球水资源的日益贫乏和旱灾的日趋严重,水稻耐旱性的研究越来越重要。对籼稻窄叶青17)以及由它们构建的加倍单倍体(DH)群体,参照国际水稻研究所的耐旱鉴定方法,在苗期进行断水,调查子连锁图谱进行数量性状座位(QTL)区间作图分析,共检测到2个耐旱的QTL(qDT-5和qDT-12),分别位于间和第12染色体的RG457-Y12817R之间,这两个QTL的加性效应均来自ZYQ8的等位基因。用Epistat软件Y12817R,与区间作图分析的结果一致。Epistat还检测到与GA257互作的3个位点(RG541、G318和G192),和与Y12817R互作的1个位点(CT234,位于第3染色体上)。

[存档文本](#)