

综述与编译

多药耐药基因的单核苷酸多态性研究进展

林莉¹综述 刘晓晴¹, 王升启²审校

(1.军事医学科学院附属307医院, 北京 100071; 2.军事医学科学院放射与辐射医学研究所, 北京 100850)

收稿日期 2005-9-2 修回日期 网络版发布日期 2009-1-21 接受日期

摘要 多药耐药基因(mdr1)是ABC运输系统的重要一员,在药物代谢处理中有重要作用,在多基因疾病的诊断及治疗方面有广阔的应用前景。目前,已经发现mdr1有28个单核苷酸多态性(SNP)位点,其中7个SNP发生在内含子,11个SNP导致了氨基酸的变化。C3435T寂静突变影响了mdr1在十二指肠中的表达与P-糖蛋白的功能,由此可以改变一些药物的代谢。SNP与种族关系密切,年龄对SNP影响不大,C3435T及G2677T/A位点间有连锁关系。

关键词 [多药耐药基因](#); [单核苷酸多态性](#); [C3435T](#)

分类号 [R730.54](#)

Abstract

Key words

DOI:

通讯作者 林莉 lini120@yahoo.com.cn

扩展功能

本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF\(333KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献](#)

服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [复制索引](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

- ▶ [本刊中 包含“多药耐药基因; 单核苷酸多态性; C3435T”的相关文章](#)
- ▶ 本文作者相关文章
 - [林莉综述 刘晓晴](#)
 - [王升启](#)