

论著

2株间日疟原虫18S rDNA的克隆及其同源性分析

高世同* 李晓恒 耿艺介 黄达娜 谢旭 梅树江 张仁利

518055深圳, 深圳市疾病预防控制中心

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要

目的 克隆间日疟原虫河南分离株与湖北分离株红内期18S rDNA, 并进行同源性分析。方法 采用PCR方法从间日疟患者血样DNA中扩增间日疟原虫18S rDNA, 纯化后与pGEM-Teasy质粒连接, 转化大肠埃希氏菌JM109; 阳性克隆质粒经双酶切鉴定后, 进行序列测定, 采用BLAST和MEGA4生物软件分析同源性。结果 间日疟原虫18S rDNA扩增片段大小为998 bp; 阳性克隆重组质粒经双酶切鉴定, 与预期结果相符; 序列测定结果显示, 河南、湖北2分离株间日疟原虫18S rDNA序列完全相同, 与GenBank中报道的12株间日疟原虫相同序列进行比对, 其同源性均大于99%; 用邻位连接法 (neighbor-joining, NJ) 和非加权组平均法 (UPGMA) 2种方法构建系统发生树发现, 河南分离株、湖北分离株与间日疟原虫X13926.1株遗传距离小, 同属一个分支。结论 克隆了间日疟原虫河南与湖北分离株红内期18S rDNA, 该基因序列在不同地理株间遗传稳定。

关键词 [间日疟原虫; 18S rDNA; 序列同源性分析](#)

分类号

DOI: 10.3760/cma.j.issn.1673-4122.2013.06.004

通讯作者:

高世同 gst@szcdc.net

作者个人主页: 高世同* 李晓恒 耿艺介 黄达娜 谢旭 梅树江 张仁利

扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF \(560KB\)](#)

▶ [\[HTML全文\] \(0KB\)](#)

▶ [参考文献 \[PDF\]](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [引用本文](#)

▶ [Email Alert](#)

▶ [文章反馈](#)

▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

▶ [本刊中 包含“间日疟原虫; 18S rDNA; 序列同源性分析”的 相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

• [高世同* 李晓恒 耿艺介 黄达娜 谢旭 梅树江 张仁利](#)