



面向世界科技前沿，面向国家重大需求，面向国民经济主战场，率先实现科学
国家创新人才高地，率先建成国家高水平科技智库，率先建设国际一流科研机

[首页](#) [组织机构](#) [科学研究](#) [成果转化](#) [人才教育](#) [学部与院士](#) [科学普及](#) [党建与科学](#)

[首页](#) > [传媒扫描](#)

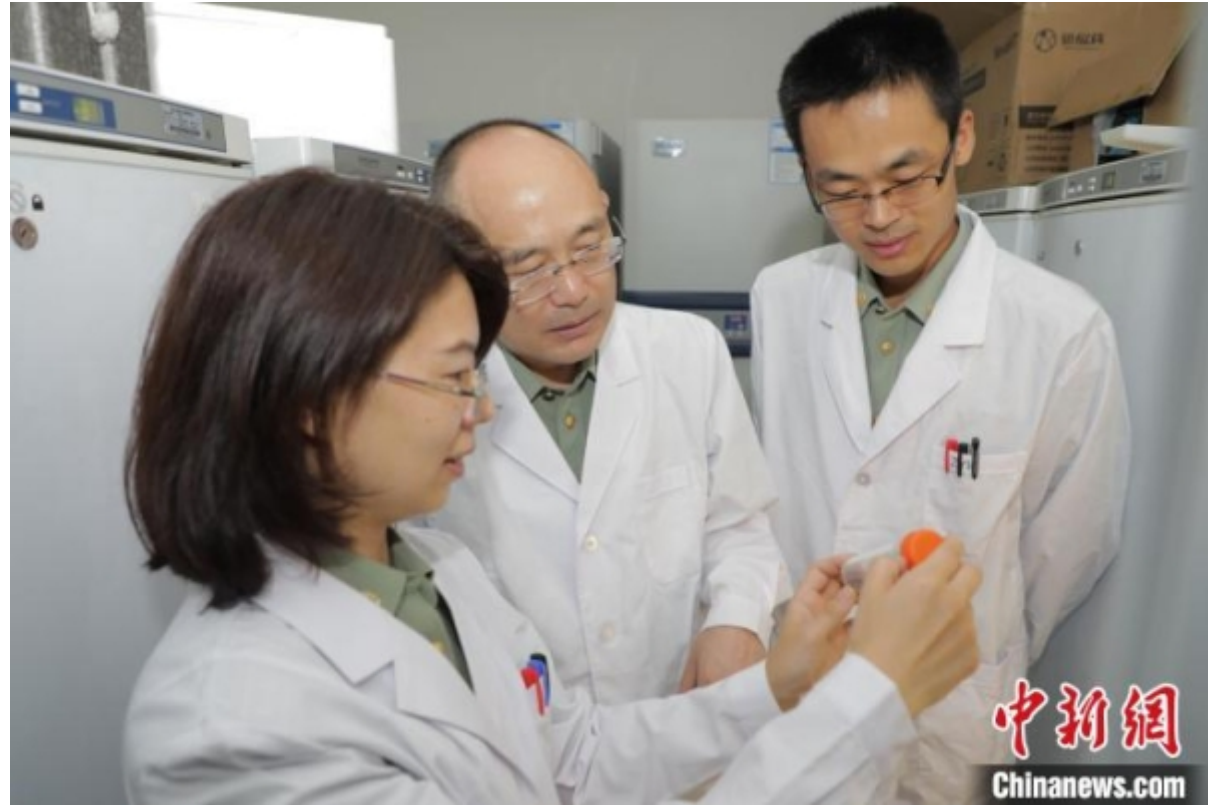
【中国新闻网】我国科学家在蜚及蜚媒传染病防控研究中取得重大突破

2020-08-26 来源：中国新闻网 李纯 张振威

【字体：大 中 小】



军事科学院军事医学研究院曹务春团队与中国科学院北京生命科学研究院赵方庆团队展开讨论。张振威 摄



军事科学院军事医学研究院曹务春研究员（中）与团队科研人员正在观察试验活蜱。张振威 摄

军事科学院军事医学研究院曹务春团队与中国科学院北京生命科学研究院赵方庆团队合作，在蜱及蜱媒传染病防控研究中取得重大突破，首次解析了大蜱种的基因组多样性、群体遗传结构，以及病原体分布特点。8月18日，国际著名学术期刊《细胞》在线发表了相关研究论文。

据曹务春研究员介绍，蜱是一种传播人兽共患病的重要媒介，可携带病毒、细菌、真菌、寄生虫等种类的病原体，传播森林脑炎、发热伴血小板减少综合征、莱姆病、立克次体病、无形体病、巴贝西虫病等40余种疾病。伴随着生态文明加速发展，人们与自然环境互动日益频繁，被蜱虫叮咬和传播疾病的风险也在增加。但由于缺少对蜱的认识，患蜱媒传染病经常被误认为得了“怪病”，给人们身体健康和生产生活带来困扰。

我国共有2科9属130余种蜱虫，以往由于缺乏基因组数据支撑，蜱的遗传多样性及其分布规律研究一直难以深入开展。此次在《细胞》覆盖我国27个省市6大蜱虫种类的678组样本进行深度测序，首次阐明了我国6大广布蜱种的基因组多样性与群体遗传结构，以及病原体分布蜱及蜱媒传染病提供了极为宝贵的资源与重要理论依据。

该研究还结合微生物组学分析和流行病学调查数据，研究了我国已报道蜱媒传染病分布地域与蜱携带病原体丰度之间的关系，发现高丰度和低丰度（如螺旋体）的病原体，都可以经蜱传播在当地引发蜱媒传染病（如立克次体病与莱姆病），因此需要建立更敏感的检测方法监测用于蜱媒病的防控。

曹务春研究员表示，该研究解决了蜱及蜱媒传染病防控的重大科学问题，尤其是首次为识别蜱携带的大量微生物与新发病原体提供了重据，为重点物种、热点地域的蜱媒传染病风险识别与预警提供了重要基础。

文章第一作者为分别来自军事科学院军事医学研究院、中国科学院北京生命科学研究院的贾娜、王金锋、石文强、杜立锋和孙毅。

曹务春研究员带领团队长期致力于新蜱媒传染病发现与溯源研究，先后鉴定了10余种新蜱媒传染病病原及其流行特征，相关研究成果在《柳叶刀·传染病》《新发传染病》等权威期刊发表，由其领衔的“数种新发自然疫源性疾病的发现与溯源研究”获2019年度国家自然科

责任编辑：董凯悦

打印



上一篇：【中国科学报】“家有宝宝”激励猕猴“见义勇为”

下一篇：【人民日报】感受神奇自然



扫

© 1996 - 2021 中国科学院 版权所有 京ICP备05002857号-1 京公网安备110402500047号 网站标识码bm48000002

地址：北京市三里河路52号 邮编：100864

电话：86 10 68597114（总机） 86 10 68597289（值班室）

编辑部邮箱：casweb@cashq.ac.cn

