

论文

1999-2008年广东省韶关市H3亚型流行性感胃病毒的变迁

邓俊兴<sup>1</sup>, 陈艳<sup>1, 2</sup>, 宾羽琳<sup>1</sup>, 陆家海<sup>2</sup>, 张欣<sup>3</sup>, 陈东桥<sup>1</sup>, 胡国超<sup>1</sup>

1.广东省韶关市疾病预防控制中心, 广东韶关512028; 2.中山大学公共卫生学院; 3.广东省疾病预防控制中心

摘要:

目的通过A型流行性感胃(流感)病毒H3亚型血凝素HA1基因的变异, 探讨韶关市1999-2008年H3亚型流感病毒的变迁。方法复苏韶关市疾病预防控制中心保存的历年H3亚型流感毒株, 提取病毒RNA, RT-PCR扩增病毒HA1基因, 纯化产物进行核苷酸序列测定, 使用DNA Start MegAlign等生物软件包对序列进行分析。结果研究测定了4个年份的流感毒株, 与代表株A/Panama/2007/1999相比, 同源率为91.3%~93.8%, 在5个抗原决定簇共14个氨基酸发生变异, RBS上有6个位点发生变异, 各毒株均在不同的位点上增加了一个糖基化位点; 与代表株A/Fujian/4111/2002比较, 同源率为90.2%~97.7%, 18个氨基酸变异发生在5个抗原决定簇, 10个氨基酸变异发生在RBS, A/SG/199/1999, A/SG/y009/2008分别增加了一个糖基化位点; 与代表株A/Wisconsin/67/2005比较, 同源率从88.3%~98.4%, 共有14个氨基酸变异发生在5个抗原决定簇, RBS上有9个氨基酸发生变异, 各毒株均在不同的位点上增加了一个糖基化位点; 本次研究的毒株变异率逐渐下降, 变异最活跃的两个氨基酸第158和173位点分别位于B和D抗原决定簇。结论韶关市H3亚型流感病毒在1999-2008年间发生了3次抗原性变异, 每一次变异大约间隔3~4年。从2008年的氨基酸变异情况得知, H3亚型流感病毒的抗原性漂移有增强的趋势。

关键词: H3亚型流感病毒; 血凝素HA1基因; 变异

收稿日期 2008-10-23 修回日期 网络版发布日期

DOI: 10.3784/j.issn.1003-9961.2009.03.004

基金项目:

通讯作者:

作者简介:

本刊中的类似文章

文章评论

反馈人	<input type="text"/>	邮箱地址	<input type="text"/>
反馈标题	<input type="text"/>	验证码	<input type="text"/> 0773

扩展功能

本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF\(1086KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\]\(1KB\)](#)
- ▶ [参考文献\[PDF\]](#)
- ▶ [参考文献](#)

服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [引用本文](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

本文关键词相关文章

- ▶ [H3亚型流感病毒; 血凝素HA1基因; 变异](#)

本文作者相关文章

PubMed