

[本期目录](#) | [下期目录](#) | [过刊浏览](#) | [高级检索](#)

[\[打印本页\]](#) [\[关闭\]](#)

论文

一起新生儿病毒性腹泻病原学分析

高红, 董红军, 胡逢蛟, 方挺, 毛国华

浙江省宁波市疾病预防控制中心, 浙江 宁波 315010

摘要:

目的 查明引起新生儿病毒性腹泻疫情的病原并对其进行分子生物学特征分析。方法 采用金标法检测轮状病毒抗原, 采用乳胶凝集法

检测腺病毒; 通过聚丙烯酰胺凝胶电泳 (PAGE) 检测粪便样品中的轮状病毒核酸; 利用逆转录-聚合酶链反应 (RT-PCR) 检测肠道病毒和扩增轮

状病毒VP7基因并测序; 利用DNASTar和Blast软件对测序结果进行分析。结果 11份样品中, 金标法检测到轮状病毒阳性样品9份, 阳性率为81

.82%; 腺病毒和肠道病毒检测均为阴性; PAGE法检测到10份轮状病毒阳性样品, 电泳带型为4?鄞2?鄞3?鄞2的样品有8份, 阳性率为72.73%,

另2份阳性样品的电泳条带特殊; 8份带型为4?鄞2?鄞3?鄞2的阳性样品均能通过RT-PCR扩增出VP7基因, 选择其中3份样品进行测序, 测序结果

经过比对发现这3个毒株的核苷酸的同源性为99.90%, 氨基酸的同源性为100%, 与G1型标准株Wa的核苷酸同源性分别为91.30%~91.50%, 氨

基酸同源性为94.80%; 与泰国流行株Thai?鄞2104亲缘关系最近, 与中国以前的流行株处于不同的进化分支上。结论 引起此次新生儿病毒性

腹泻疫情的病原是A组轮状病毒, PAGE带型主要为4-2-3-2, 其血清型为G1型。

关键词: [新生儿腹泻](#) [轮状病毒](#) [腺病毒](#) [肠道病毒](#) [VP7基因](#)

收稿日期 2007-09-20 修回日期 网络版发布日期 2008-09-04

DOI: 10.3784/j.issn.1003-9961.2008.5.304

基金项目:

通讯作者: gaohong@nbcdc.org.cn

作者简介:

本刊中的类似文章

文章评论

扩展功能

本文信息

- Supporting info
- PDF(827KB)
- [HTML全文](1KB)
- 参考文献[PDF]
- 参考文献

服务与反馈

- 把本文推荐给朋友
- 加入我的书架
- 加入引用管理器
- 引用本文
- Email Alert
- 文章反馈
- 浏览反馈信息

本文关键词相关文章

- 新生儿腹泻
- 轮状病毒
- 腺病毒
- 肠道病毒
- VP7基因

本文作者相关文章

PubMed

反馈人	<input type="text"/>	邮箱地址	<input type="text"/>
反馈标题	<input type="text"/>	验证码	<input type="text" value="9129"/>

