

● 电子杂志  
● 高影响力论文  
● 友情链接  
访问总次数

今日访问

当前在线

董菁, 杨倩, 成军. 乙型肝炎病毒基因组前-X区的分子流行病学研究.  
世界华人消化杂志 2004年 4月;12(4):794-800

乙型肝炎病毒基因组前-X区的分子流行病学研究

董菁, 杨倩, 成军.

100039, 北京市西四环中路100号, 中国人民解放军第302医院传染病研究所基因治疗研究中心、全军病毒性肝炎防治研究重点实验室. [cj@genetherapy.com.cn](mailto:cj@genetherapy.com.cn)

目的: 探讨乙型肝炎病毒(HBV)基因组是否存在前-X编码基因, 并探讨前-X基因与HBV基因型之间的关系. 方法: 自慢性乙型肝炎患者血清中提取乙型肝炎病毒基因组, 首先应用多引物-多聚酶链反应(PCR)进行HBV基因型分型. 之后将前-X区扩增, TA克隆到pGEM Teasy载体后进行单克隆测序, 利用Vector 8.0软件进行序列分析. 结果: 17例患者中, A型者1例, B型3例, B/C混合型者3例, C型10例. 克隆测序的45个克隆中, 27个(60%)克隆编码前-X多肽, 其中18个(66.7%)克隆来自C基因型. 有3种形式突变导致前-X区编码不能. 前-X区多肽具有个体化突变现象. 结论: 前-X区编码在B、C基因型中均为普遍存在的现象, 其编码具有C型倾向性.

世界胃肠病学杂志社, 北京百世登生物医学科技有限公司, 100023, 北京市2345信箱, 郎辛庄北路58号院怡寿园1066号

电话: 010-85381892

传真: 010-85381893

E-mail: [wjg@wjgnet.com](mailto:wjg@wjgnet.com)

<http://www.wjgnet.com>

2004-2007年版权归世界胃肠病学杂志社和北京百世登生物医学科技有限公司