

● 电子杂志  
● 高影响力论文  
● 友情链接  
访问总次数

今日访问

当前在线

周飞, 任建林, 卢雅丕, 陈美娅, 许鸿志, 潘金水, 蔡稼燕, 董菁. 乙型肝炎病毒全S蛋白与纤维蛋白原alpha链的相互作用. 世界华人消化杂志 2008年 8月;16(23):2581-2586

## 乙型肝炎病毒全S蛋白与纤维蛋白原alpha链的相互作用

周飞, 任建林, 卢雅丕, 陈美娅, 许鸿志, 潘金水, 蔡稼燕, 董菁.

361004, 福建省厦门市, 厦门大学附属中山医院消化内科. dj@xmzsh.com

目的: 筛选人肝细胞cDNA文库中与乙型肝炎病毒(HBV)全S蛋白相互作用蛋白的基因, 并反向验证HBV全S蛋白候选结合蛋白之间相互作用. 方法: 将全S基因定向克隆到酵母表达载体pDEST 32, 构建正向筛选的诱饵质粒并Western blot法验证其在酵母中的表达. 将诱饵质粒与人肝细胞cDNA文库质粒共同转化MaV203酵母细胞, 在人肝细胞cDNA文库筛选候选结合蛋白, 提取阳性菌落质粒测序, 并分析其生物学性质. 将筛选出的纤维蛋白原alpha链中下游序列及不同全S变异株基因, 分别定向克隆到pDEST32及pDEST22载体中, 利用Western blot法验证表达. 将诱饵质粒与猎物质粒共同转化MaV203酵母细胞, 以反向酵母双杂交方法验证初筛结果的可靠性及正确性. 结果: 正向的酵母双杂交实验, 经初筛和再转染实验纤维蛋白原alpha链可与HBV全S蛋白发生相互作用. 再以纤维蛋白原alpha链为靶基因设计诱饵质粒, 以四种变异的HBV全S蛋白为靶基因设计猎物质粒, 反向酵母双杂交法证实纤维蛋白原alpha链中下游可与不同全S变异体(总差异率2%)发生相互作用, 纤维蛋白原alpha链与全S蛋白的结合域可能为病毒蛋白的前268aa. 结论: 纤维蛋白原alpha链中下游可与HBV全S蛋白产生特异性结合, 其结合域可能与病毒蛋白的前268aa产生相互作用.

世界胃肠病学杂志社, 北京百世登生物医学科技有限公司, 100023, 北京市2345信箱, 郎辛庄北路58号院怡寿园1066号

电话: 010-85381892

传真: 010-85381893

E-mail: wjg@wjgnet.com

http://www.wjgnet.com

2004-2007年版权归世界胃肠病学杂志社和北京百世登生物医学科技有限公司