

论文

不同感染途径丙型肝炎患者HCV基因分型

王佳佳¹, 唐筛娣¹, 丁伟良², 许可³, 喻荣彬¹, 王洁¹, 张云^{1,4}

- 1. 南京医科大学流行病与卫生统计学系, 江苏 南京 210029;
- 2. 江苏省宜兴市人民医院检验科;
- 3. 江苏省疾病预防控制中心急性传染病防制科;
- 4. 南京军区军事医学研究所

摘要:

目的 探讨江苏省丙型肝炎病毒(HCV)基因型的分布及其与感染途径、肝功能等因素的关系。方法 按照Simmonds分型方法对505例不同感染途径的丙型肝炎患者进行HCV基因型分型检测并分析年龄、性别、肝功能以及感染途径与HCV基因型的关系。结果 505例HCV RNA阳性标本中,1a型8例(1.6%),1b型348例(68.9%),2型24例(4.8%),3型40例(7.9%),1b/2混合型67例(13.3%),1b/3混合型13例(2.6%),2/3混合型4例(0.8%),1a/1b混合型1例(0.2%);不同性别、年龄人群HCV基因型分布差异均无统计学意义(均 $P>0.05$);不同HCV基因型人群丙氨酸转氨酶(ALT)、天门冬氨酸转氨酶(AST)水平差异均无统计学意义(均 $P>0.05$);不同感染途径人群HCV基因型分布差异有统计学意义($\chi^2=73.348,P<0.001$)。结论 江苏省丙型肝炎患者HCV基因型以1b型为主,1a型HCV在中国大陆地区流行程度有扩大趋势,HCV基因型与其感染途径有关。

关键词: 丙型肝炎病毒(HCV) 基因型 聚合酶链反应

Hepatitis C virus genotyping in patients infected with HCV by different routes in Jiangsu province

WANG Jia-jia, TANG Shai-di, DING Wei-liang, et al

Department of Epidemiology and Biostatistics, Nanjing Medical University, Nanjing, Jiangsu Province 210029, China

Abstract:

Objective To investigate the distribution of hepatitis C virus(HCV) genotype among HCV infected patients in Jiangsu province and its relationship to infectious route and conditions of hepatic function. Methods The HCV genotypes of the patients were determined with PCR products of 5' untranslated region(UTR) digested with restriction endonucleases,and the relationships of genotype to age,gender,liver function and infectious route were analyzed. Results Among 505 HCV RNA-positive serum samples,there were 8(1.6%) of genotype 1a,348(68.9%) of 1b,24(4.8%) of type 2,40(7.9%) of type 3,67(13.3%) of 1b/type 2,13(2.6%) of 1b/type 3,4(0.8%) of type 2/type 3,and 1(0.2%) of 1a/1b,respectively.The HCV genotype distribution was not different among the subjects of different gender and age ($P_{age}=0.445,P_{sex}=0.083$) but was significantly different among the patients infected with HCV by different routes($P<0.001$).The alanine aminotransferase(ALT) and asparate aminotransferase (AST) levels did not show statistically significant differences among the patients infected with different genotype HCV($P_{ALT}=0.781,P_{AST}=0.217$). Conclusion Type 1b is the predominant HCV genotype in Jiangsu province and HCV 1a genotype shows an increased prevalent trend in mainland of China.HCV genotypes of the HCV infected patients are related to their infectious routes.

Keywords: hepatitis C virus genotype polymerase chain reaction

收稿日期 2013-02-16 修回日期 网络版发布日期

DOI: 10.11847/zgggws2013-29-06-09

基金项目:

国家自然科学基金(81072343;81273146;81102165);江苏省自然科学基金(BK2011840)

通讯作者: 王洁,张云

作者简介:

扩展功能
本文信息
▶ Supporting info
▶ PDF(1011KB)
▶ [HTML全文]
▶ 参考文献
服务与反馈
▶ 把本文推荐给朋友
▶ 加入我的书架
▶ 加入引用管理器
▶ 引用本文
▶ Email Alert
▶ 文章反馈
▶ 浏览反馈信息
本文关键词相关文章
▶ 丙型肝炎病毒(HCV)
▶ 基因型
▶ 聚合酶链反应
本文作者相关文章
▶ 王佳佳
▶ 唐筛娣
▶ 丁伟良
▶ 许可
▶ 喻荣彬
▶ 王洁
▶ 张云
PubMed
▶ Article by WANG Jia-jia
▶ Article by TANG Shai-di
▶ Article by DING Wei-liang
▶ Article by et al
▶ Article by
▶ Article by
▶ Article by

参考文献:

[1] 许可,汤奋扬,王昊鹏,等.血液透析及丙肝病毒感染者F蛋白抗体分析[J].中国公共卫生,2012,28(3):333-335.

[2] 鞠威,成军.丙型肝炎病毒基因型与基因亚型的研究进展[J].中华传染病杂志,2012,30(5):314-316.

[3] 徐辉,居军,杨伟国,等.某地区丙型肝炎患者HCV基因分型研究[J].国际检验医学杂志,2012,33(6):683-684.

[4] 郭振华,陈青锋,肖萍,等.HCV基因分型与干扰素疗效相关性探讨[J].临床检验杂志,2008,26(4):306-307.

[5] 樊盼英,孙定勇,王哲,等.丙型肝炎流行病学研究进展[J].中华流行病学杂志,2012,33(8):867-869.

[6] 中华医学会传染病与寄生虫病学分会,中华医学会肝病学分会.病毒性肝炎防治方案[J].中华传染病杂志,2001,19(1):56-62.

[7] 中华医学会肝病学分会,中华医学会传染病与寄生虫病学分会.丙型肝炎防治指南[J].中华肝脏病杂志,2004,12(4):194-198.

[8] 王静,王露楠.丙型肝炎基因型定量检测及分型检测方法的讲究进展[J].世界华人消化杂志,2007,15(27):2897-2902.

[9] 黄昌红,周吉坤,刘立,等.河北某非法采血村人群感染HCV基因亚型调查[J].中华实验和临床病毒学杂志,2009,23(1):8-10.

[10] 霍艳英,徐德忠,赵小宁,等.西安和郑州地区丙型肝炎患者的HCV基因分型[J].第四军医大学学报,2002,23(8):749-751.

本刊中的类似文章

1. 刘芸, 张洁, 王博, 田疆, 毛玲玲, 孙英伟, 王子江, 孙婷婷, 吴炜, 于丹梅, 姚文清, 赵卓.辽宁省新布尼亚病毒流行特点及生物特性分析[J]. 中国公共卫生, 2013,29(5): 721-723
2. 卜秋宁, 王玲, 刘鹏, 王晓娟, 韩建, 陈香梅, 鲁凤民, 庄辉.不同抗-HCV酶联免疫试剂性能指标评价[J]. 中国公共卫生, 2013,29(3): 381-384
3. 朱壮彦, 赵富玺, 富晓敏, 穆雅琴, 畅学艳.CYP1A1和CYP1B1基因多态性与RPL易感性[J]. 中国公共卫生, 2012,28(12): 1607-1609
4. 曾爱华, 金小宝, 朱家勇.广州水体中人类杯状病毒污染状况检测分析[J]. 中国公共卫生, 2012,28(12): 1641-1643
5. 李健, 孟蕾, 余爱玲, 胡晓斌, 刘东鹏, 白亚娜.甘肃省吸毒人群丙肝感染现况及相关行为分析[J]. 中国公共卫生, 2012,28(8): 1089-1090
6. 张东方, 袁飞, 王娉, 杨海荣, 胡玥, 赵勇胜, 陈颖, 葛毅强.沙门菌PCR-dHPLC基因分型方法建立[J]. 中国公共卫生, 2012,28(11): 1515-1518
7. 夏昕, 湛志飞, 刘运芝, 覃迪, 高立冬, 戴德芳, 张红.湖南省B群脑膜炎奈瑟菌药物敏感性分型[J]. 中国公共卫生, 2011,27(12): 1568-1569
8. 张东方, 袁飞, 王娉, 杨海荣, 胡玥, 赵勇胜, 陈颖, 葛毅强.沙门菌PCR-dHPLC基因分型方法建立[J]. 中国公共卫生, 2012,28(11): 1515-1518
9. 张东方, 袁飞, 王娉, 杨海荣, 胡玥, 赵勇胜, 陈颖, 葛毅强.沙门菌PCR-dHPLC基因分型方法建立[J]. 中国公共卫生, 2012,28(11): 1515-1518
10. 李柏生, 谭海玲, 邓小玲, 柯碧霞, 陈经雕, 刘美真, 何冬梅, 柯昌文.广东省外环境O1/O139群霍乱弧菌毒力基因分型[J]. 中国公共卫生, 2012,28(8): 1067-1069
11. 杨东靖, 李力, 吕莉琨, 苏旭, 李佳萌, 董晓春.天津市手足口病分子流行病学分析[J]. 中国公共卫生, 2012,28(7): 961-964
12. 黄璜, 李军, 张卫东.合并感染HIV对1b型HCV E2/NS1包膜区基因影响[J]. 中国公共卫生, 2012,28(6): 778-780
13. 赵晓南, 李鸿钧, 吴晋元, 张光明, 易山, 杨星, 郜岩, 贾琴妹, 木国法, 孙茂盛.秋冬季婴幼儿轮状病毒感染分子流行病学调查[J]. 中国公共卫生, 2012,28(6): 823-825
14. 马瑞, 许国章, 李翔, 方挺, 胡逢蛟, 焦素黎.宁波市水痘-带状疱疹病毒流行株基因分型[J]. 中国公共卫生, 2012,28(5): 659-660
15. 杨越波, 刘冬, 曾海涛.广州地区女性HPV感染及分型影响因素分析[J]. 中国公共卫生, 2012,28(3): 365-367
16. 刘秀玮, 袁媛, 王长双, 李君, 郝园林, 鲁凤民, 张卫东.HCV感染患者肝脏纤维化255例队列研究[J]. 中国公共卫生, 2012,28(1): 12-14
17. 王艳, 马艳, 韩悦, 郭军巧.辽宁省水痘-带状疱疹病毒基因型分析[J]. 中国公共卫生, 2012,28(1): 76-78

文章评论 (请注意:本站实行文责自负, 请不要发表与学术无关的内容!评论内容不代表本站观点.)

反 馈 人		邮箱地址	
反 馈 标 题		验证码	4182

