

论文

中文遗传关联研究Meta分析文章报告质量评价

李帅, 孙傲伊, 孙可欣, 方凯, 胡永华

北京大学公共卫生学院流行病与卫生统计学系, 北京 100191

摘要:

目的 评价中文遗传关联研究Meta分析文章报告质量。方法 按制定策略检索中文数据库收录的遗传关联研究Meta分析文章, 时间至2012年12月, 2名研究者独立按制定纳入排除标准进行文章筛选, 意见不一致时咨询第3位研究者, 运用MOOSE规范对文章的报告质量进行评价。结果 共纳入440篇文章, 0.7%的文章陈述了研究假设, 72.7%的文章报告了完整检索策略, 15.2%的文章报告了处理只有摘要和未发表文献的方法, 47.3%的文章报告了文献筛选方法, 32.7%的文章评价了文献质量, 8.6%的文章有流程图总结入选文献流程, 32.0%的文章公布了研究资助来源。结论 中文遗传关联研究Meta分析文章报告质量在报告研究假设、文献检索、只有摘要和未发表文献处理、文献筛选方法、文献质量评价、提供文献筛选流程图和公布资助来源等方面存在一定问题。

关键词: 遗传关联研究 Meta分析 报告质量 质量评价 MOOSE规范

Reporting quality of meta-analysis on genetic association studies published in Chinese journals

LI Shuai, SUN Ao-yi, SUN Ke-xin, et al

Department of Epidemiology and Biostatistics, School of Public Health, Peking University, Beijing 100191, China

Abstract:

Objective To evaluate reporting quality of meta-analysis on genetic association studies published in Chinese journals. Methods Meta-analysis of genetic association studies published in Chinese journals until December 2012 were searched through 4 Chinese electronic databases (China Biomedicine Database, China Knowledge Resource Integrated Database, Wanfang Data, and VIP Information). Articles selected by two researchers independently under definite inclusion and exclusion criteria were included in this study (consulting a third researcher if inconsistent opinions existed). Meta-analysis of observational studies in epidemiology (MOOSE) checklist was used to evaluate the reporting quality. Results Totally 440 articles were included in this study. Among the articles, 0.7% stated their research hypotheses; 72.7% reported their search strategies; 15.2% reported the method of handling abstracts and unpublished studies; 47.3% documented how data were classified and coded; 32.7% reported the assessment of study quality; 8.6% had graphic summarizing individual study estimates and overall estimate; and 32.0% disclosed the funding source. Conclusion Meta-analyses on genetic association studies published in Chinese journals should be improved in reporting quality, especially in statement of hypothesis, search strategy, method of handling grey literature, method of study selection, assessment of study quality, reporting flow chart, and disclosure of funding source.

Keywords: genetic association study meta-analysis reporting quality quality evaluation MOOSE checklist

收稿日期 2013-04-23 修回日期 网络版发布日期 2013-10-22

DOI: 10.11847/zgggws2014-30-04-45

基金项目:

国家自然科学基金 (30671807; 30872173)

通讯作者: 胡永华, E-mail: yhhu@bjmu.edu.cn

作者简介:

参考文献:

- [1] Ioannidis J. Genetic associations: false or true? [J]. Trends Mol Med, 2003, 9(4): 135-138.
- [2] Ioannidis JP, Gwinn M, Little J, et al. A road map for efficient and reliable human genome epidemiology [J]. Nat Genet, 2006, 38(1): 3-5.

扩展功能

本文信息

Supporting info

PDF (1071KB)

[HTML全文]

参考文献

服务与反馈

把本文推荐给朋友

加入我的书架

加入引用管理器

引用本文

Email Alert

文章反馈

浏览反馈信息

本文关键词相关文章

遗传关联研究

Meta分析

报告质量

质量评价

MOOSE规范

本文作者相关文章

李帅

孙傲伊

孙可欣

方凯

胡永华

PubMed

Article by

Article by

Article by

Article by

Article by

- [3] Moher D, Cook DJ, Eastwood S, et al. The quality of meta-analyses of meta-analyses of randomised controlled trials: the QUOROM statement. Quality of Reporting of Meta-analyses [J]. Lancet, 1999, 354(9193): 1896-1900.
- [4] Moher D, Liberati A, Tetzlaff J, et al. Preferred reporting items for systematic reviews and meta-analyses: the PRISMA statement [J]. PLoS Med 6(7): e1000097. doi: 10.1371/journal.pmed.1000097.
- [5] Stroup DF, Berlin JA, Morton SC, et al. Meta-analysis of observational studies in epidemiology [J]. JAMA, 2000, 283(15): 2008-2012.
- [6] Little J, Higgins J, Ioannidis J, et al. Strengthening the reporting of genetic association studies (STREGA)—an extension of the STROBE statement [J]. Eur J Clin Invest, 2009, 39(4): 247-266.
- [7] JAMA Instructions for Authors [EB/OL]. [2013-02-25]. <http://jama.jamanetwork.com/public/instructionsForAuthors.aspx#ManuscriptPreparationandSubmissionRequirements>.
- [8] 詹思延. 第一讲: 如何报告系统综述和 Meta 分析—国际报告规范 QUOROM 和 MOOSE 解读 [J]. 中国循证儿科杂志, 2010, 5(1): 60-63.
- [9] 余灿清, 詹思延. 如何撰写高质量的流行病学研究论文第二讲遗传关联性研究及其 Meta 分析的报告规范 [J]. 中华流行病学杂志, 2006, 27(8): 728-730.
- [10] 沈洪兵, 俞顺章. 血管紧张素转换酶基因多态性与心肌梗塞关系的 Meta 分析 [J]. 疾病控制杂志, 1997, 1(4): 267-269.
- [11] 运玉霞, 代丽萍, 吴晓冰, 等. XRCC1 基因多态性与食管癌发病风险 Meta 分析 [J]. 中国公共卫生, 2010, 26(7): 821-824.
- [12] 于慧会, 时景璞. 汉族人群 ApoA5 基因多态性与冠心病关联 Meta 分析 [J]. 中国公共卫生, 2011, 27(9): 1195-1196.
- [13] 王长义, 王大鹏, 赵晓雯, 等. 2 型糖尿病与抵抗素基因 -420 位点多态性 Meta 分析 [J]. 中国公共卫生, 2009, 25(12): 1470-1472.
- [14] Attia J, Thakkinstian A, D'Este C. Meta-analyses of molecular association studies: methodologic lessons for genetic epidemiology [J]. J Clin Epidemiol, 2003, 56(4): 297-303.
- [15] Liberati A, Altman DG, Tetzlaff J, et al. The PRISMA statement for reporting systematic reviews and meta-analyses of studies that evaluate health care interventions: explanation and elaboration [J]. PLoS Med, 2009, 6(7): e1000100. doi: 10.1371/journal.pmed.1000100.
- [16] Herbison P, Hay-Smith J, Gillespie WJ. Adjustment of meta-analyses on the basis of quality scores should be abandoned. [J]. J Clin Epidemiol, 2006, 59(12): 1249-1256.
- [17] Sanderson S, Tatt ID, Higgins JP. Tools for assessing quality and susceptibility to bias in observational studies in epidemiology: a systematic review and annotated bibliography [J]. Int J Epidemiol, 2007, 36(3): 666-676.
- [18] Chanock SJ, Manolio T, Boehnke M, et al. Replicating genotype-phenotype associations [J]. Nature, 2007, 447(7145): 655-660.
- [19] Shea BJ, Grimshaw JM, Wells GA, et al. Development of AMSTAR: a measurement tool to assess the methodological quality of systematic reviews [J]. BMC Med Res Methodol, 2007, 7(1): 10.
- [20] Shea BJ, Bouter LM, Peterson J, et al. External validation of a measurement tool to assess systematic reviews (AMSTAR) [J]. PLoS One, 2007, 2(12): e1350. doi: 10.1371/journal.pone.0001350.
- [21] Alfred T, Ben-Shlomo Y, Cooper R, et al. ACTN3 genotype, athletic status, and life course physical capability: meta-analysis of the published literature and findings from nine studies [J]. Hum Mutat, 2011. doi: 10.1002/humu.21526.
- [22] de Souza BM, Brondani LA, Boucas AP, et al. Associations between UCP1-3826A/G, UCP2-866G/A, Ala55Val and Ins/Del, and UCP3-55C/T polymorphisms and susceptibility to type 2 diabetes mellitus: case-control study and meta-analysis [J]. PLoS One, 2013, 8(1): e54259. doi: 10.1371/journal.pone.0054259.
- [23] Maxwell SS, Jackson CA, Paternoster L, et al. Genetic associations with brain microbleeds: systematic review and meta-analyses [J]. Neurology, 2011, 77(2): 158-167. doi: 10.1212/WNL.0b013e318224afa3.
- [24] Clayden RC, Zaruk A, Meyre D, et al. The association of attempted suicide with genetic variants in the SLC6A4 and TPH genes depends on the definition of suicidal behavior: a systematic review and meta-analysis [J]. Transl Psychiat, 2012, 2: e166. doi: 10.1038/tp.2012.96.
- [25] Zhang H, Mo X, Hao Y, et al. Association between polymorphisms in the adiponectin gene and cardiovascular disease: a meta analysis [J]. BMC Med Genet, 2012, 13: 40. doi: 10.1186/1471-2350-13-40.
- [26] Wang YQ, Qi XW, Wang F, et al. Association between TGFBR1 polymorphisms and cancer risk: a meta-analysis of 35 case-control studies [J]. PLoS One, 2012, 7(8): e42899. doi: 10.1371/journal.pone.0042899.
- [27] Chen H, Yu KD, Xu GZ. Association between variant Y402H in age-related macular degeneration (AMD) susceptibility gene CFH and treatment response of AMD: a meta-analysis [J]. PLoS One, 2012, 7(8): e42464. doi: 10.1371/journal.pone.0042464.
- [28] Liu F, Yuan D, Wei Y, et al. Systematic review and meta-analysis of the relationship between EPHX1 polymorphisms and colorectal cancer risk [J]. PLoS One, 2012, 7(8): e43821. doi: 10.1371/journal.pone.0043821.

本刊中的类似文章

1. 田甜, 肖静. 多态位点 rs11614913 与癌症易感性关系 Meta 分析 [J]. 中国公共卫生, 2013, 29(2): 290-293
2. 欧阳倩, 田祎, 刘增艳, 尹洁云, 孙婧雯, 朱明, 严薇荣, 聂绍发. 中国汉族人群 AGT 基因 M235T 多态性与 EH 关系 [J]. 中国公共卫生, 2013, 29(2): 293-296
3. 何保昌, 徐钦, 何斐, 蔡琳. HPV 与头颈部鳞状细胞癌预后关系 Meta 分析 [J]. 中国公共卫生, 2013, 29(3): 446-448
4. 郑艳敏, 沈月平, 刘银梅, 胡文斌, 赵瑶, 丁晋飞. 中国女性乳腺癌危险因素 Meta 分析 [J]. 中国公共卫生, 2012, 28(12): 1645-1648
5. 王婷婷, 孙桂菊. 饮茶与食管癌关系 Meta 分析 [J]. 中国公共卫生, 2012, 28(7): 953-955
6. 刘晓秋, 赵南, 李佳娜, 李莹, 马牧原, 高孟, 马晓萍, 李婧, 赵景波. 被动吸烟与脑卒中危险性关系 Meta 分析 [J]. 中国公共卫生, 2012, 28(6): 849-850
7. 丁磊, 姜宝法. 中国女性性工作者艾滋病干预效果 Meta 分析 [J]. 中国公共卫生, 2012, 28(1): 67-68

8. 郭剑, 王媛, 芦文丽, 王伟. 冠心病个体健康危险度评估模型建立[J]. 中国公共卫生, 2011,27(12): 1619-1620
9. 郭剑, 王媛, 芦文丽, 王伟. 冠心病个体健康危险度评估模型建立[J]. 中国公共卫生, 2011,27(12): 1619-1620
10. 蒋守芳, 李君, 关维俊, 佟俊旺, 高彦梅, 田喜权, 郑天然, 李克, 鲁亚静, 朱琳, 陈超. 某港口工业区大气质量监测分析[J]. 中国公共卫生, 2011,27(6): 779-780
11. 郭剑, 王媛, 芦文丽, 王伟. 冠心病个体健康危险度评估模型建立[J]. 中国公共卫生, 2011,27(12): 1619-1620
12. 于慧会, 时景璞. 汉族人群ApoA5基因多态性与冠心病关联Meta分析[J]. 中国公共卫生, 2011,27(9): 1195-1196
13. 向阳, 孙凤, 詹思延. 抗结核药物致肝损害与CYP2E1基因多态性[J]. 中国公共卫生, 2011,27(7): 910-913
14. 蒋守芳, 李君, 关维俊, 佟俊旺, 高彦梅, 田喜权, 郑天然, 李克, 鲁亚静, 朱琳, 陈超. 某港口工业区大气质量监测分析[J]. 中国公共卫生, 2011,27(6): 779-780
15. 张春霞, 柴玉荣, 王鹏, 运玉霞, 代丽萍, 王凯娟, 张建营. GSTM1基因多态性与食管癌发病风险Meta分析[J]. 中国公共卫生, 2011,27(2): 241-243
16. 运玉霞, 代丽萍, 吴晓冰, 王彦平, 王鹏, 王凯娟, 张建营. XRCC1基因多态性与食管癌发病风险Meta分析[J]. 中国公共卫生, 2010,26(7): 821-824
17. 李晓霞, 关红军, 鲁俊华, 聂绍发. 脂联素水平与脑卒中关系Meta分析[J]. 中国公共卫生, 2010,26(1): 82-84
18. 高璐, 李佳萌. 天津市医疗机构传染病漏报状况分析[J]. 中国公共卫生, 2009,25(11): 1395-1395
19. 王治国, 李小鹏, 武平原. 2001年全国新生儿疾病筛查实验室质量评价[J]. 中国公共卫生, 2002,18(11): 1324-1327
20. 李佳圆, 李卉, 雷放鸣, 吴德生, 李双飞, 李伟红. 多氯联苯与乳腺癌关系研究的Meta分析[J]. 中国公共卫生, 2005,21(7): 769-771
21. 郝新洁, 宋文质, 王金台, 程月兰, 王丽云, 王铁英. 慢性乙型肝炎病人生活质量及影响因素分析[J]. 中国公共卫生, 2005,21(7): 820-822
22. 黄平, 俞守义, 钟静. SARS患者危险因素的Meta分析[J]. 中国公共卫生, 2005,21(5): 527-528
23. 廖海江, 金水高, 姜垣. 国民体质指数与II型糖尿病关系Meta分析[J]. 中国公共卫生, 2004,20(7): 810-812
24. 彭绩, 梁渊, 卢祖洵. 骨质疏松症危险因素的Meta分析[J]. 中国公共卫生, 2004,20(5): 585-586
25. 余红平, 施侣元, 么鸿雁, 徐顺清. 食管癌危险因素的Meta分析[J]. 中国公共卫生, 2003,19(6): 763-764
26. 张扬, 陈坤, 张海蕾, 朱益民. 非吸烟女性肺癌发病危险因素的Meta分析[J]. 中国公共卫生, 2001,17(10): 869-870
27. 林春芳, 吕华东, 何坚, 宋志强, 林玉珍. 灰色关联在评价生产控制区洁净度中的应用[J]. 中国公共卫生, 2001,17(8): 751-752
28. 童连, 史慧静, 臧嘉捷. 中国儿童ADHD流行状况Meta分析[J]. 中国公共卫生, 2013,29(9): 1279-1283
29. 刘俊, 何俊峰, 李佩珍. MTHFR基因(C677T)多态性与NTDs关系Meta分析[J]. 中国公共卫生, 2013,29(9): 1324-1329
30. 李京, 胥欣, 贺圣文, 赵晓蒙, 赵心童, 石福艳. ApoE基因多态性与中国人人群MS相关性Meta分析[J]. 中国公共卫生, 2013,29(9): 1336-1340
31. 董永海, 毛向群, 刘磊, 何维, 刘芸. 中国老年期痴呆患病率Meta分析[J]. 中国公共卫生, 2014,30(4): 512-515
32. 刘正辉, 孔丹莉, 修良昌, 饶绍奇, 丁元林. 脂肪细胞因子基因多态性与T2DM关联性Meta分析[J]. 中国公共卫生, 2013,29(11): 1684-1690
33. 黄之敏, 林征, 李晓燕, 吴小青, 彭仙娥. MTHFR C677T基因多态性与食管癌易感性关系Meta分析[J]. 中国公共卫生, 2013,29(11): 1690-1694
34. 秦洁洁, 武珍珍, 张尚书, 吕恭进, 杨君霞, 宋春花. RAD51 135G>C位点多态性与乳腺癌发病风险Meta分析[J]. 中国公共卫生, 2013,29(11): 1702-1706

文章评论 (请注意: 本站实行文责自负, 请不要发表与学术无关的内容! 评论内容不代表本站观点.)

反馈人	<input style="width: 95%;" type="text"/>	邮箱地址	<input style="width: 95%;" type="text"/>
反馈标题	<input style="width: 95%;" type="text"/>	验证码	<input style="width: 20%;" type="text"/> 9090
<input type="button" value="提交"/>			