

作者: 陈静 王广兆 来源: 中国新闻网 发布时间: 2023/5/6 21:03:01

选择字号: [大](#) [中](#) [小](#)

专家绘出结直肠癌基因变异图谱，有望优化治疗方案

中新网上海5月6日电 (陈静 王广兆)记者6日获悉，中国医学专家通过基于中国人群的大规模结直肠癌特异性多基因检测队列研究，率先揭示了中国人结直肠癌基因组变异特征，绘制出结直肠癌基因组变异图谱，并鉴定出其中可精准预测结直肠癌靶向治疗和免疫治疗疗效的基因组标志物。

基因图谱显示，在结直肠癌体系变异方面，国人突变频率前三位分别为TP53(72%)、APC(63%)和KRAS(42%)，癌症信号通路突变图谱与高加索人群相比差异较大，呈现出中国结直肠癌患者群体的独有特征。

复旦大学附属肿瘤医院6日披露，该院大肠外科徐焯教授联合精准肿瘤中心胡欣教授取得的研究成果在最新一期国际知名学术期刊《胃肠病学》发表。中国专家的研究为结直肠癌的基础临床转化拓宽了思路。

“目前，高化疗耐受和高复发转移率是阻碍结直肠癌患者获得长期生存的‘瓶颈’。由于结直肠癌复杂的分子发病机制，致使其具有高度的肿瘤异质性。因此，寻找结直肠癌个体化肿瘤靶标，探索结直肠癌的精准治疗，对于打破结直肠癌治疗‘瓶颈’具有重要临床转化价值。”徐焯教授当日告诉记者，目前，以分子免疫治疗、靶向治疗等治疗方式为代表的精准策略已经在结直肠癌研究领域广泛开展。但当前相关治疗标准和指南绝大多数参考人群为西方群体，基于中国人群的结直肠癌基因组变异特征图谱仍然处于“空白”状态。

据了解，这项基于中国人群结直肠肿瘤的前瞻性队列研究，纳入了869例结直肠癌患者。专家们通过基因测序，绘制体系和胚系变异图谱，描述了中国人结直肠癌临床病理和基因组变异特征。胡欣教授说，根据研究结果，BRAF和RBM10单基因驱动突变，可能是导致结直肠癌复发转移的诱因之一。

在采访中，记者了解到，研究团队发现，联合基因组标志物可优化免疫治疗疗效预测。“这一发现提示我们可以据此优化预测免疫治疗疗效的基因组标志物，更精准识别获益人群，为广大结直肠癌患者的精准诊疗提供新希望。”徐焯教授表示。(完)

(原题：专家绘出国人结直肠癌基因变异图谱 有望优化靶向和免疫治疗方案)

特别声明：本文转载仅仅是出于传播信息的需要，并不意味着代表本网站观点或证实其内容的真实性；如其他媒体、网站或个人从本网站转载使用，须保留本网站注明的“来源”，并自负版权等法律责任；作者如果不希望被转载或者联系转载稿费等事宜，请与我们联系。



打印 发E-mail给:

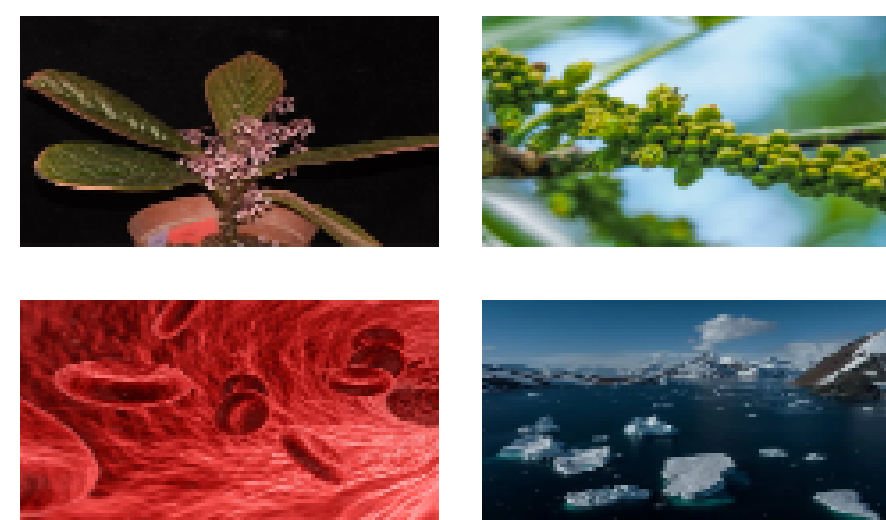


相关新闻

相关论文

- 1 科学家找到新结直肠癌筛查技术 望实现无创筛查
- 2 中国医学专家发现青年人群肠癌发病潜在干预靶点
- 3 中国专家率先发现：黄连素有助预防结直肠癌复发
- 4 科学家揭示长寿基因SIRT3i调控结直肠癌机制
- 5 科学家揭示结直肠癌T细胞动态变化
- 6 结直肠癌诊治还须“早”发力
- 7 靶向药物联合化疗成为直结肠癌患者一线治疗方案
- 8 基于人工智能的结直肠癌研究获进展

图片新闻



>>更多

一周新闻排行

- 1 科技部等12部门发文！到2025年基本形成
- 2 杨宇民任南通大学党委副书记、校长
- 3 国家超级计算天津中心发布“天河天元”大模型
- 4 高血压防治：让中国原创研究引领世界
- 5 基础研究人才评价应更强调“原创性”
- 6 5年内，全球升温可能超过1.5摄氏度
- 7 直播回放 | 柏林工业大学教授讲述绿色数据通信
- 8 教授“进自己学校都麻烦”，高校开放有何难？
- 9 野生绒毛皂荚全球现存数量增至10株
- 10 两次改稿，中国博后发现一个《科学》发文要诀

编辑部推荐博文

- 科学网4月十佳博文榜单公布！
- 一切都是最好的安排
- 【日有所思】门前流水尚能西——大尺度与小尺度
- 天时地利人和：从放牛娃到大学教授的华丽转身
- 杂评吴宪及其牛文
- 回忆高考

更多>>