



## 肿瘤坏死因子基因多态性与多发性骨髓瘤的临床相关关系

赵洪云<sup>1,2</sup>,陈运贤<sup>3\*</sup>,钟雪云<sup>4</sup>,黄颖强<sup>5</sup>

1. 510060 广州,华南肿瘤学国家重点实验室;2. 中山大学肿瘤防治中心内科;3. 中山大学第一附属医院血液内科;4. 暨南大学医学院;5. 暨南大学信息科学技术学院数学系(3 通讯作者)

### Clinical Relationship between Tumor Necrosis Factor Genetic Polymorphisms and Multiple Myeloma

ZHAO Hong-yun<sup>1,2</sup>, CHEN Yun-xian<sup>3\*</sup>, ZHONG Xue-yun<sup>4</sup>, HUANG Ying-qiang<sup>5</sup>

1. State Key Laboratory of Oncology in Southern China , Guangzhou 510060 , China;2. Department of Medical Oncology , Cancer Center , Sun Yat-Sen University ; 3. Department of Hematology , The First Affiliated Hospital of Sun Yat-sen University ; 4. Medical College of Ji'nan University ; 5. Department of Mathematics , Ji'nan University

- 摘要
- 参考文献
- 相关文章

全文: PDF (291 KB) HTML (0 KB) 输出: BibTeX | EndNote (RIS) [背景资料](#)

#### 摘要

目的 探讨肿瘤坏死因子 $\alpha$  (Tumor necrosis factor alpha, TNF $\alpha$ ) 基因-308位和淋巴毒素(Lyphotoxin- $\alpha$ , LT $\alpha$ ) 基因+252位基因多态性与多发性骨髓瘤(Multiple Myeloma, MM)发病、临床及预后的相关关系。方法 用聚合酶链反应(PCR)、限制性内切酶消化及电泳技术,对32名MM患者和72名正常对照者的TNF $\alpha$ 和LT $\alpha$ 基N的单碱基突变多态性进行检测,并收集病人组的临床资料,进行生存状况分析。结果 (1) MM病人TNF两位点基因型频率、等位基因频率、联合单倍体分型中各型的频率与对照组比较差异均无统计学意义( $P > 0.05$ ) ; (2) 比较MM病人两位点联合单倍体分型在不同性别、分期、肿瘤负荷、血红蛋白、血钙、血肌酐中的分布,没有发现显著性差异( $P > 0.05$ ) ; (3) 用KaplanMeier方法进行生存分析,没有发现高危型与低危型的总生存时间有显著性差异:在高危型组和低危型组,2年生存率和4年生存率差异无统计学意义( $P > 0.05$ ) ; Cox回归模型显示两位点联合单倍体分型不是影响预后的危险因素( $P > 0.05$ )。结论 本组研究显示TNF $\alpha$ -308位、LT $\alpha$ +252位基因多态性在MM病人发病的易感性、临床和预后中可能不起重要作用。

关键词: 多发性骨髓瘤 肿瘤坏死因子 基因多态性

Abstract: Objective This study was designed to investigate the relationship between -308bp polymorphism in tumor necrosis factor- $\alpha$  (TNF $\alpha$ ) gene and +252bp in lyphotoxin- $\alpha$ (LT $\alpha$ ) gene and the pathogenesis, clinical course and outcome of multiple myeloma (MM). Methods The single base change polymorphism in TNF $\alpha$  gene and L T $\alpha$  gene were analyzed among 32 chinese patients with MM and 72 normal controls by using PCR-restriction fragment length polymorphism ( RFLP) . The clinical data were collected and survival analysis was performed. Results (1) The difference of distribution of genotypes, alleles of TNF $\alpha$  (-308), L T $\alpha$  (+252) and TNF/L T polymorphic extended haplotypes between the MM patients and control group were not statistically significant ( $P > 0.05$ ) . (2) In patients group, no statistically significant association was found between the presence of a given TNF/L T haplotype status and clinical characters such as sex, age, clinical stages, myeloma burthen, hemoglobin, creatinine. (3) The estimated 22year and 42year overall survival rates in the groups of patients carrying high-risk and low-risk haplotypes were not statistically significant ( $P > 0.05$ ) using Kaplan-Meier method. In multivariate Cox regression models the TNF/L T haplotype status was not found to be risk factors for outcome ( $P > 0.05$ ) . Conclusion These data suggest that genetic polymorphisms in the TNF $\alpha$  (-308), L T $\alpha$  (+252) are not crucial in the pathogenesis, clinical course, outcome of MM patients.

Key words: Multiple myeloma Tumor necrosis factor Gene polymorphism

收稿日期: 2005-04-28;

通讯作者: 陈运贤

引用本文:

赵洪云,陈运贤,钟雪云等. 肿瘤坏死因子基因多态性与多发性骨髓瘤的临床相关关系[J]. 肿瘤防治研究, 2005, 32(12): 764-767.

#### 服务

- [把本文推荐给朋友](#)
- [加入我的书架](#)
- [加入引用管理器](#)
- [E-mail Alert](#)
- [RSS](#)

#### 作者相关文章

- [赵洪云](#)
- [陈运贤](#)
- [钟雪云](#)
- [黄颖强](#)

没有本文参考文献

- [1] 魏东;李焱;齐彦宇;张涛;刘焕义 . 不同剂量rmhTNF治疗晚期肿瘤恶性心包积液的疗效观察[J]. 肿瘤防治研究, 2011, 38(9): 1066-1069.
- [2] 吕鹏;胡志坚. 乙醇脱氢酶2基因多态性与食管癌发病风险的Meta分析[J]. 肿瘤防治研究, 2011, 38(5): 579-583.
- [3] 林晓燕;胡贊宏;崔嵘嵘;左小明. 乳腺癌同时合并多发性骨髓瘤1例 [J]. 肿瘤防治研究, 2011, 38(4): 485-486.
- [4] 陈浩;师亮;李玉红;郭晓玲;潘峻 . 多发性骨髓瘤患者血清血管生成素水平的测定及意义[J]. 肿瘤防治研究, 2011, 38(4): 431-433.
- [5] 王华;蔡红兵;丁晓华 . 湖北地区HPV16 E7和E5基因突变与宫颈 病变的相关性[J]. 肿瘤防治研究, 2011, 38(3): 337-340.
- [6] 李锋综述;翟勇平审校. 多发性骨髓瘤患者感染的防治 [J]. 肿瘤防治研究, 2011, 38(3): 348-351.
- [7] 张豪;席亚明;徐建旺;李明;李培;邓伟 . XRCC1基因多态性与淋巴瘤发病风险的Meta分析 [J]. 肿瘤防治研究, 2011, 38(10): 1181-1186.
- [8] 周莉;胡艳;高红芳;张红卫;周维;侯安继. 结肠癌患者外周血管紧张素转换酶基因多态性[J]. 肿瘤防治研究, 2010, 37(9): 1040-1043.
- [9] 朱明月;李孟森. 乳腺癌细胞对肿瘤坏死因子相关凋亡诱导配体耐受的分子机制[J]. 肿瘤防治研究, 2010, 37(9): 1077-1080.
- [10] 托 姮;杜瑞亭;张和平. 益生菌Lb.casei Zhang对H22荷瘤小鼠的抗肿瘤作用及机制[J]. 肿瘤防治研究, 2010, 37(4): 463-465.
- [11] 夏启松;刘静维;孙仁宇;修瑞娟. 大黄素对人肺腺癌A549细胞体外增殖凋亡及VEGF和TNF- $\alpha$ 分泌的影响[J]. 肿瘤防治研究, 2010, 37(4): 387-391.
- [12] 刘 静;孙业桓;陈 颖;陈 朋;黑金璇;耿 皎;孙 良. 亚甲基四氢叶酸还原酶基因多态性与中国人群食管癌易感性的Meta分析[J]. 肿瘤防治研究, 2010, 37(2): 213-217.
- [13] 李东林;孙丽君. TRAIL对原代卵巢癌细胞增殖、凋亡及核 因子 $\kappa$ B的影响[J]. 肿瘤防治研究, 2010, 37(11): 1296-1299.
- [14] 王亚东;杨海燕. 髓过氧化物酶基因463位点多态性与肺癌易感性的Meta分析[J]. 肿瘤防治研究, 2010, 37(1): 101-103.
- [15] 张倩影;李魁秀;李 琛;房朝晖;牛书怀;樊晓妹;宋藏珠;刘 红. E-钙黏蛋白基因多态性与子宫颈癌发病风险的关系[J]. 肿瘤防治研究, 2010, 37(08): 926-930.

鄂ICP备08002248号

版权所有 © 《肿瘤防治研究》编辑部

本系统由北京玛格泰克科技发展有限公司设计开发 技术支持: support@magtech.com.cn