



中国科学院
CHINESE ACADEMY OF SCIENCES

面向世界科技前沿，面向国家重大需求，
国家创新人才高地，率先建成国家高水平科技自立自强的重要基地

[首页](#)[组织机构](#)[科学研究](#)[成果转化](#)[人才教育](#)[学部与](#)[首页 > 每日科学](#)

我国科学家揭示肝癌分子特征全景

2019-10-10 来源：中国科学报 黄辛

中国科学院院士、复旦大学（中山医院）肝癌研究所教授樊嘉等借助大规模的蛋白质基因组学数据，探索肝癌发生发展机制及指导肝癌的个体化精准诊疗带来了新希望。该成果近日在线发表于《自然·遗传学》。

樊嘉等通过与中科院上海药物研究所研究员周虎及中科院生物化学与细胞生物学研究所研究员周虎等合作，检测和分析了基因突变谱、拷贝数变异、表达谱、蛋白质组及磷酸化蛋白质组，通过关联分析揭示了我国肝癌突变谱与西方肝癌突变谱的不同，提示了基于中国人肝癌数据开展临床转化研究的必要性。

据樊嘉介绍，我国相当一部分乙肝患者曾接受中医药治疗，中药的不当使用与肝癌的发生密切相关。研究还发现，马兜铃酸诱导的基因突变“指纹”，同时，蛋白质组数据也检测到了由马兜铃酸基因突变“指纹”驱动的肿瘤新抗原、微环境免疫耐受显著相关，提示免疫治疗对该类肝癌患者的潜在临床价值。20%蛋白质对基因拷贝数变异产生了显著的对冲效应。

该研究还系统提示了代谢异常在肝癌发生发展中的重要作用，发现代谢相关蛋白质的变化与肝癌特殊的临床特征密切相关。

上一篇：[新现超强毒力李斯特菌分子致病机制获揭示](#)

下一篇：类轴子粒子在固态晶体中“被捕获”

© 1996 - 2019 中国科学院 版权所有 京ICP备05002857号 京公网安备110402500047号

联系我们 地址：北京市三里河路52号 邮编：100864

