

## 非小细胞肺癌p63基因的表达与3q27-q29变化的关系研究

Yongwei YU, Mitchell E. Garber, Karsten Schlüens, Manuela Pacyna-Gengelbach, Iver Petersen

### 摘要

目的 研究p63基因在非小细胞肺癌中的蛋白表达水平及与3号染色体长臂3q27-3q29区域改变的关系.方法 采用组织芯片技术构建122例原发性非小细胞肺癌石蜡包埋标本组织芯片,并应用免疫组织化学方法检测p63基因蛋白表达情况,应用比较基因组杂交(CGH)技术分析70例原发性肺鳞癌和肺腺癌标本染色体的改变.同时分析p63基因的蛋白表达与3号染色体长臂末端改变的关系.结果 122例非小细胞肺癌p63免疫组化染色结果显示:59例鳞癌中51例(86.44%)p63免疫组化染色为阳性;3例大细胞肺癌中2例(66.66%)为阳性;60例腺癌仅有1例(1.67%)为阳性.p63蛋白的阳性表达率与患者的年龄、性别、肿瘤的分级、肿瘤的转移以及预后生存率无关( $P>0.05$ ).70例非小细胞肺癌CGH分析结果发现有32例3q27-q29区域出现DNA扩增,30例鳞癌中24例出现3q27-q29区域DNA拷贝数目的增加,40例腺癌仅8例发现3q27-q29区域DNA获得.p63免疫组化阳性率与3q27-q29区域的改变比较分析结果显示:24例鳞癌p63阳性者中,23例(95.83%)3q27-q29区域有显著的获得,1例p63基因蛋白表达呈阳性的腺癌患者的3q27-q29区域有DNA拷贝数目的增加.结论 研究结果提示p63免疫组化阳性反应与3号染色体长臂27~29区域的DNA扩增呈显著的正相关,p63基因的扩增与肺鳞癌发生和发展关系密切.

DOI: 10.3779/j.issn.1009-3419.2004.05.10

全文: PDF



## ARTICLE TOOLS

- [索引源数据](#)
- [如何引证项目](#)
- [查找参考文献](#)
- [审查政策](#)
- [Email this article \(Login required\)](#)

## RELATED ITEMS

[Related studies Databases Web search](#)

[Show all](#)

## ABOUT THE AUTHORS

- Yongwei YU
- Mitchell E. Garber
- Karsten Schlüens
- Manuela Pacyna-Gengelbach
- Iver Petersen

