



复旦新闻文化网 > 新闻 > 综合新闻 >

我校附属肿瘤医院邵志敏教授领衔的乳腺癌遗传易感性课题最新研究成果在国际著名学术期刊PLoS Genetics发表

来源：肿瘤医院发布时间：2011-09-13 中文字体

推荐 ★ 收藏 打印 关闭

本周新闻排行

相关链接

国际著名学术期刊PLoS Genetics近期在线发表了复旦大学附属肿瘤医院、复旦大学乳腺癌研究所的最新研究成果“Germline Genetic Variants Disturbing the Let-7/LIN28 Double-Negative Feedback Loop Alter Breast Cancer Susceptibility”。该项研究深入探讨了乳腺癌干细胞相关微小RNA (microRNA) ——let-7, 与肿瘤恶性转化相关基因LIN28形成的LIN28/let-7双向负反馈调控环的基因变异在乳腺癌发生中的作用。研究首次揭示了LIN28的3' 非翻译区多态位点参与LIN28/let-7反馈环的生物学调控, 调节LIN28和let-7的基因表达; 尤为重要的是, 多态效应通过双向负反馈环得到级联扩增。该项成果为临床寻找乳腺癌高危女性提供了参考, 也为let-7这一乳腺癌“干性”调控microRNA在生理条件下如何影响LIN28/let-7环的基因差异表达提供了遗传学基础。

该研究由邵志敏教授领衔的乳腺癌易感性研究课题组完成。课题组立足于中国人群乳腺癌和正常对照的DNA及组织样本, 系统分析了中国人群的基因突变和基因变异, 取得了如BRCA1/2突变在中国家族性、早发性乳腺癌中的流行病情况, p53基因的变异热点和功能学改变, 以及散发性乳腺癌中雌酮代谢酶基因多态性对乳腺癌发生的作用等一系列研究成果。本次针对LIN28/let-7环遗传变异的研究, 是对散发性乳腺癌遗传易感性研究的有力补充, 提示microRNA相关多态在乳腺癌发生发展中的地位。当前, 乳腺癌高危人群筛查、肿瘤风险预测成为乳腺癌预防中的重要任务, 本成果为寻找乳腺癌特异性预测位点提供了临床前基础。项目获得国家自然科学基金面上项目的资助。

PLoS Genetics是公共科学图书馆 (the Public Library of Science, 简称PLOS) 旗下代表国际顶级水平的科学期刊, 发表遗传学领域的重大进展, 是与《自然·遗传学》Nature Genetics, 《美国人类遗传学会会刊》(The American Journal of Human Genetics) 等相媲美的知名学术刊物, 2010年和2009年的影响因子分别为9.543和9.532。

相关文章

已有0位网友发表了看法

查看评论

验证码: 发表评论

