

全基因组芯片筛查非小细胞肺癌组织多药耐药相关基因

Meiyan LIU, Chunhong LI, An YAN, Li CAI

摘要

背景与目的 筛查与非小细胞肺癌多药耐药相关的基因, 为非小细胞肺癌的个体化治疗提供理论依据。方法 将手术切除的肺癌组织细胞进行原代培养。首先, 采用MTT法检测诺维本、吉西他滨、多西他赛、紫杉醇及顺铂对非小细胞肺癌组织细胞的抑制率和敏感性。再利用全基因组芯片筛选人高度敏感组和耐药组间的差异表达基因。结果 共筛选出差异表达基因212个, 与耐药组相比, 高度敏感组中上调基因168个, 下调基因44个。结论 利用全基因组芯片筛查出212个可能与非小细胞肺癌多药耐药相关的基因, 用于指导临床个体化治疗。

全文: [PDF](#) [HTML](#)



ARTICLE TOOLS

- [索引源数据](#)
- [如何引证项目](#)
- [查找参考文献](#)
- [审查政策](#)
- [Email this article](#)
(Login required)

RELATED ITEMS

[Related studies](#)

[Databases](#)

[Web search](#)

[Show all](#)

ABOUT THE AUTHORS

Meiyan LIU

Chunhong LI

An YAN

Li CAI