



www.most.gov.cn

科学家揭示原发性和转移性实体瘤的泛癌全基因组差异

日期：2023年07月20日 09:27 来源：科技部生物中心 【字号：大 中 小】

肿瘤转移性扩散涉及肿瘤细胞从原发性肿瘤中分离、迁移、二次组织定植和生长的多步骤过程。分析原发性肿瘤和转移性肿瘤之间的基因组差异，并量化它们对治疗耐药性的影响有助于研究和利用治疗干预措施，建立更有效、更个性化的治疗方法。

由于获取原发性和转移性肿瘤的泛癌队列难度大，关于两个肿瘤阶段之间的大规模比较研究仍然有限。同时，部分研究对所选数据处理策略的敏感度高，使得基因组特征的分析变得复杂化。

近日，发表在《Nature》上的一篇最新研究中，来自荷兰乌特列兹大学医学中心的研究团队在探索原发性肿瘤和转移性肿瘤之间的基因组差异方面取得了突破性进展。研究人员构建了统一的全基因组测序目录，包括未配对的原发性队列和转移性队列的共7108对来自71种癌症的肿瘤样本基因组和正常样本基因组，并重点研究了其中来自14个组织的23种癌症类型的5365个肿瘤样本（1914个原发肿瘤样本和3451个转移性肿瘤样本）。研究表明，转移性肿瘤通常具有较低的瘤内异质性和高度的基因组不稳定性。此外，研究发现了针对癌症的治疗会进一步损伤肿瘤基因组，并提供了用于研究癌症治疗抗性机制的有价值的可用数据。

该研究揭示了转移性肿瘤的独特特征及其与原发性肿瘤之间的基因组差异，为进一步研究癌症和治疗耐药性提供了重要的分子基础。

注：此研究成果摘自《Nature》杂志，文章内容不代表本网站观点和立场，仅供参考。

扫一扫在手机打开当前页



打印本页

关闭窗口

政府网站
找错

版权所有：中华人民共和国科学技术部

办公地址：北京市海淀区复兴路乙15号 | 联系我们

邮政地址：北京市海淀区复兴路乙15号 | 邮政编码：100862

ICP备案号：京ICP备05022684 | 网站标识码：bm06000001 | 建议使用IE9.0以上浏览器或兼容浏览器

