



“恶性肿瘤免疫负调控分子网络的形成与干预”项目启动会召开

文章来源: 生物物理研究所

发布时间: 2012-06-20

【字号: 小 中 大】

6月18日上午,由秦志海研究员担任首席科学家的国家重大科学研究计划“恶性肿瘤免疫负调控分子网络的形成与干预”项目启动会在中科院生物物理研究所召开。

肿瘤微环境中存在着大量的负调控蛋白质分子,它们相互作用,相互影响,构成一个复杂的三维分子网络,其形成过程伴随着肿瘤细胞和微环境的共进化。解除免疫负调控,才能维持肿瘤细胞处于休眠状态或者逆转激活状态的肿瘤细胞重新回到休眠状态。这一项目重点关注肿瘤微环境中免疫负调控分子网络的启动、形成机制和调节规律,拟从细胞内、细胞膜表面和细胞间三个切入点出发,系统地研究信号通路分子、膜蛋白和炎症因子在肿瘤微环境中的免疫负调控机制。项目的顺利实施将为肿瘤综合治疗提供实验依据和理论基础。

科技部基础研究管理中心朱庆平处长、生物物理研究所徐涛所长出席了会议并致辞。朱庆平提出,在有限时间内聚焦有限目标,项目中积极参与、主持国际研究计划,注重团队建设,强调过程管理,达到引领学科发展的目标。该项目聘请生物物理研究所王大成院士为专家组组长。专家组成员包括:北京师范大学何大澄教授、动物研究所赵勇研究员和北京大学昌增益教授。承担项目的课题负责人、学术骨干等20余人参加了会议。

秦志海研究员代表项目组向与会专家汇报了项目总体情况。项目所属其它3个子课题的课题组长分别报告了各个课题的具体研究内容、最新研究进展和研究计划。专家组成员针对项目内容给予了很多建设性的意见。王大成院士指出要避免“拼盘”现象,课题组之间要形成互补协同效应,研究中要紧扣分子、网络,力争发现新的负调控分子。何大澄教授指出,在研究细节的同时不能忽略新观念的提出。赵勇研究员指出,VEGF、Treg和MDSC都是已有的分子和细胞,要积极寻找突破性的创新点。昌增益教授提出,在网络研究中要借助生物信息学的分析手段。

秦志海研究员表示,将认真思考专家提出的建议,促进各课题组之间的实质合作,凝练主题、重点突破,发挥各课题组的优势,争取圆满完成项目任务。

[打印本页](#)[关闭本页](#)