

口腔医学

抑制消减杂交技术分析牙龈卟啉单胞菌基因差异初探

林莉, 潘亚萍<sup>Δ</sup>, 李琛, 赵戡

中国医科大学口腔医学院, 辽宁 沈阳 110002

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

**摘要** 目的 对比牙龈卟啉单胞菌 (*Porphyromonas gingivalis*, *P.gingivalis*) 低毒力株标准参考菌ATCC 33277与高毒力株W83之间的差异核苷酸序列, 查找高毒力株W83缺失基因。方法 抑制消减杂交技术对比牙龈卟啉单胞菌低毒力株标准参考菌ATCC 33277与高毒力株W83的基因差异。以低毒力株ATCC 33277为tester, 高毒力株W83株为driver, 将提取的基因组DNA用内切酶Rsa I 酶切, 连接特殊设计的adaptor进行两次消减杂交和PCR扩增, 成功得到了消减产物。并与TA克隆载体连接, 转化到JM109中, 建立差异消减文库, 经PCR筛选鉴定阳性克隆, 进而对部分片段进行测序和同源分析。结果经SSH筛选鉴定得到62个片段大小为125~632bp的阳性克隆基因片段。结论 这些差异基因为研究牙周病的发生和发展提供重要线索。

**关键词** [牙龈卟啉单胞菌](#); [抑制性消减杂交](#); [牙周病](#); [基因差异](#)

分类号 [R781.42](#)

DOI:

通讯作者:

作者个人主页: [林莉](#); [潘亚萍<sup>Δ</sup>](#); [李琛](#); [赵戡](#)

## 扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF](#) (544KB)

▶ [\[HTML全文\]](#) (0KB)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [引用本文](#)

▶ [Email Alert](#)

▶ [文章反馈](#)

▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

▶ [本刊中 包含“牙龈卟啉单胞菌; 抑制性消减杂交; 牙周病; 基因差异” 的相关文章](#)

▶ [本文作者相关文章](#)

· [林莉](#)

· [潘亚萍](#)

· [李琛](#)

· [赵戡](#)