



## 魏永越

发布者: 生物统计学系 发布时间: 2017-07-18 浏览次数: 3423



魏永越，南京医科大学临床医学本科（2001-2006），生物统计学博士（2006-2011），导师：陈峰教授，哈佛大学公共卫生学院博士后（2012.07-2015.08），导师：David C. Christiani。中国卫生信息学会统计理论与方法专业委员会常务委员(2017-)，中国医药统计教育协会卫生统计教育专业委员会委员(2017-)，中华预防医学会生物统计分会青年委员（2015-）、委员（2021）。主持国家自然科学基金面上项目、青年基金，江苏省自然科学基金青年基金，美国Harvard-NIEHS pilot study，和科技部重点研发计划-战略性国际科技合作重点专项（子课题负责人）等课题资助，发表SCI文章百余篇。近5年发表第一/通讯作者研究论文35篇，包括国际著名期刊JAMA、AJRCCM、Molecular Cancer、Cancer Research、CHEST、Engineering、Clinical Epigenetics、EBioMedicine、Bioinformatics，等。h指数23。作为第二完成人获2019年度高等学校科学研究优秀成果奖（自然科学）二等奖。中华预防医学会新型冠状病毒疫情防控专家组成员，发表动力学模型和新冠研究论文15篇。国家注册软件设计师（2005），持续11年开发eRand临床试验随机化系统、dCap临床研究数据管理和挖掘系统，已服务300余项临床研究。负责过多项临床研究的设计和分析。

### 研究方向:

因果推断统计理论方法与疾病风险和预后

临床研究数据管理规范、数据挖掘与智能辅助诊断

### 联系方式:

地址: 南京市江宁区龙眠大道101号南京医科大学至诚楼G418

电话: 025-86868436

邮箱: ywei@njmu.edu.cn

### 主持的科研项目:

1. 国家自然科学基金面上项目：基于校正遗传得分工具变量的因果推断方法与ARDS病因学探索（81973142，2020.01-2023.12），55万，在研，主持。
2. 江苏省优势学科三期建设项目—杰出人才培育项目（拔尖）（2019.08-2021.08），20万，在研，主持。
3. 南京医科大学—东南大学医工结合重点课题：CT影像联合免疫学检测用于肺结节早诊和预测的前瞻队列研究（2019.08-2020.07），20万，已结题，主持。
4. 国家重点研发计划-基于出生队列的重金属暴露与不良出生结局的国际合作研究（2016YFE0204900，2017年09月~2022年02月），721万，在研，研究骨干，子课题负责人（元素组学检测与不良出生结局的关联研究）。
5. 国家自然科学基金青年基金：基于生物学调控网络的肺癌多平台组学数据的整合分析方法研究（NSFC 81402764），2015年01月—2017年12月，23万，已结题，主持。
6. 江苏省自然科学基金青年基金：基于基因调控网络的肺癌多平台组学研究整合分析方法学（BK20140907），2014年07月—2017年6月，20万，已结题，主持。
7. 江苏省优势学科二期建设项目青年创新骨干人才培育项目（2015.09-2016.09），已结题，5万。
8. 美国国家环境健康科学研究所前期课题(NIEHS pilot project): Metal Exposure, Metabolomics, and Birth Outcome, 10/01/2013–03/01/2015, \$2万，已结题，主持。

#### 参加的科研项目：

1. 新型冠状病毒感染流行趋势研究：基于大数据的跨地域开放系统随机动力学模型，150万，在研，参与。
2. 盖茨-梅琳达基金会项目：Study on the epidemic trend of COVID-19 infection: a cross-regional random dynamic model based on big-data, 169200美元，在研，参与。
3. 国家自然科学基金重点项目（NSFC81530088）：基于人群的生物医学多层次数据整合方法及肿瘤风险预测研究，318.8万，在研，参与。
4. 国家自然科学基金面上基金：长非编码RNA LINC0034作为胃癌生物标志物及促进胃癌进展的分子机制研究，63万，在研，参与。
5. 国家自然科学基金：网格细胞空间导航神经环路的衰老和退变特征及其预测AD转化机制，60万，在研，参与。
6. 国家自然科学基金面上基金：长非编码RNA LINC0034作为胃癌生物标志物及促进胃癌进展的分子机制研究，63万，在研，参与。
7. 新发呼吸道传染病预防控制的动力学模型研究，55万，在研，参与。
8. 国家自然科学基金面上基金：基于Bayes理论的II/III期无缝临床试验设计及其统计方法研究，60万，参与，已结题。
9. 国家自然科学基金专项基金：辅助生殖技术子代远期安全性的研究，10万，参与，已结题。
10. 国家自然科学基金面上基金：全基因组关联研究中的降维策略和统计分析方法研究，32万，参与，已结题。
11. 国家自然科学基金青年基金：基于基因表达数据的风险得分函数在肿瘤诊断和预后评价中的应用研究，19万，参与，已结题。

#### 获奖：

1. 2019年度高等学校科学研究优秀成果奖（自然科学奖）：生物医学大数据挖掘方法与应用研究，二等奖；获奖人：陈峰，魏永越，赵杨，张汝阳，吴倩，曾平。本人排名第二。
2. 2018年“汇丰杯”中国高校 SAS 数据分析大赛优秀组织奖（指导老师）
3. 2018年“汇丰杯”中国高校 SAS 数据分析大赛全国前三十强指导老师（第21名）
4. 2017年“汇丰杯”中国高校 SAS 数据分析大赛优秀组织奖（指导老师）
5. 2016年“汇丰杯”中国高校 SAS 数据分析大赛优秀组织奖(组织三队参赛，分获全国第6, 22, 44名)
6. 2016年“汇丰杯”中国高校 SAS 数据分析大赛三十强指导老师（第22名）
7. 2015 Harvard Chinese Life Science Research Award. Chinese Scholars And Scientists Association at Harvard Medical School
8. 2015年全国大学生统计建模大赛大数据统计建模类——本科生组二等奖指导老师（证书编号：2015IAB014-1）
9. 2015年“汇丰杯”中国高校 SAS 数据分析大赛团体五十强指导老师
10. 2015年南京医科大学“优秀中青年教师支持计划”

#### 代表作(第一作者，\*通讯作者)

1. Wei Y<sup>(#)</sup>, Chen F<sup>(\*)</sup>. Lowering the P Value Threshold. JAMA. 2018 Sep 4;320(9):934-935.
2. Wei Y<sup>(#)</sup>, Tejera P, Wang Z, Zhang R, Chen F, Su L, Lin X, Bajwa EK, Thompson TB, Christiani DC<sup>(\*)</sup>. A missense genetic variant in LRRRC16A/CARMIL1 improves ARDS survival by attenuating platelet count decline. AJRCCM. 2017 May 15;195(10):1353-1361.
3. Shen S<sup>(#)</sup>, Zhang R<sup>(#)</sup>, Jiang Y, Li Y, Lin L, Liu Z, Zhao Y, Shen H, Hu Z, Wei Y<sup>(#)</sup>, Chen F<sup>(\*)</sup>. Comprehensive analyses of m6A regulators and interactive coding and non-coding RNAs across 32 cancer types. Mol Cancer. 2021 Apr 13;20(1):67.
4. Zhang Y<sup>(#)</sup>, Wei Y<sup>(#)</sup>, Jiang B, Chen L, Bai H, Zhu X, Li X, Zhang H, Yang Q, Ma J, Xu Y, Ben J, Christiani DC, Chen Q<sup>(\*)</sup>. Scavenger Receptor A1 Prevents Non-Small Cell Lung Cancer Metastasis by Suppressing Macrophage Serum Amyloid A1 Production. Cancer Res.

2017 Apr 1;77(7):1586-1598.

5. **Wei Y<sup>(#)</sup>**, Wang Z, Su L, Chen F, Tejera P, Bajwa EK, Wurfel MM, Lin X, Christiani DC<sup>(\*)</sup>. Platelet Count Mediates the Contribution of a Genetic Variant in LRRRC16A to ARDS Risk. *Chest*. 2015 Mar;147(3):607-17.
6. **Wei Y<sup>(#)</sup>**, Wei L<sup>(#)</sup>, Jiang Y, Shen S, Zhao Y, Hao Y, Du Z, Tang J, Zhang Z, Jiang Q, Liming Li L, Chen F<sup>(\*)</sup>, Shen H<sup>(\*)</sup>. Implementation of Clinical Diagnostic Criteria and Universal Symptom Survey Contributed to Lower Magnitude and Faster Resolution of the COVID-19 Epidemic in Wuhan. *Engineering (Beijing)*. 2020 Oct;6(10):1141-1146.
7. Dong X<sup>(#)</sup>, Lin L<sup>(#)</sup>, Zhang R, Zhao Y, Christiani DC, **Wei Y<sup>(#)</sup>**, Chen F<sup>(\*)</sup>. TOBMI: Trans-omics block missing data imputation using a k-Nearest Neighbor weighted approach. *Bioinformatics*. 2019 Apr 15;35(8):1278-1283.
8. Zhang R<sup>(#)</sup>, Chen C<sup>(#)</sup>, Dong X<sup>(#)</sup>, Shen S, Lai L, He J, You D, Lin L, Zhu Y, Huang H, Chen J, Wei L, Chen X, Li Y, Guo Y, Duan W, Liu L, Su L, Shafer A, Fleischer T, Bjaanaes MM, Karlsson A, Planck M, Wang R, Staaf J, Helland A, Esteller M, **Wei Y<sup>(#)</sup>**, Chen F<sup>(\*)</sup>, Christiani DC. Independent validation of early-stage NSCLC prognostic scores incorporating epigenetic and transcriptional biomarkers with gene-gene interactions and main effects. *Chest*. 2020 Feb 28;S0012-3692(20)30342-1.
9. **魏永越<sup>(#)</sup>**, 卢珍珍<sup>(#)</sup>, 杜志成, 张志杰, 赵杨, 沈思鹏, 王波, 郝元涛, 陈峰<sup>(\*)</sup>. 基于改进的SEIR<sup>+CAQ</sup>传染病动力学模型进行新型冠状病毒肺炎疫情趋势分析. *中华流行病学杂志*. 2020,41(4):470-475.
10. **魏永越<sup>(#)</sup>**, 赵杨, 陈峰<sup>(\*)</sup>, 沈洪兵. 传染病动力学模型的理论基础及在疫情防控中的应用价值. *中华预防医学杂志* 2020(06):E032.