

## 《自然遗传》第五次发表我校皮肤病研究所科技成果

字体大小：[大] [中] [小]    浏览次数：83 次    发布时间：2010-10-18

10月18日，国际著名学术期刊《自然遗传》（Nat Genet）在线发表中外科学家合作研究发现6个新的银屑病易感基因的研究成果。这项研究由我校皮肤病研究所领衔，联合美国密歇根大学、华盛顿大学，德国吉尔大学和复旦大学华山医院等国内外30多家单位共同参与完成。这项研究得到国家自然科学基金重点项目、国家“973”计划项目、“863”计划项目和美国NIH项目支持。

2009年初我校皮肤病研究所张学军教授研究团队通过全基因组关联分析（Genome Wide Association Study, GWAS）方法，在国际上首次发现银屑病易感基因LCE。之后，他们通过深入分析数据，联合欧美银屑病遗传研究团队，采用多中心、多种族、大样本，在30000余份银屑病和对照中继续开展易感基因深层发掘，进一步发现ERAP1、PTTG1、CSMD1、GJB2、SERPINB8和ZNF816A等6个银屑病新的易感基因；发现ZNF816A、ERAP1、GJB2等3个基因在中国人群、美国人群和德国人群银屑病易感性的异同；发现ERAP1和ZNF816A与早发型银屑病密切相关；提出银屑病发病的遗传异质性。该研究实现了亚洲人群、欧美人群的国际性合作，突破了疾病易感基因研究人群单一的局限，研究结果具代表性和科学性。目前国际上已经发现并被广泛公认的银屑病易感基因近20种。本次发现6个新易感基因，对于构建银屑病易感基因谱，深入了解银屑病的发病机制将起到积极推动作用，也为疾病预警、遗传咨询、临床诊疗、新药开发等提供了科学依据。

GWAS是目前国际上公认的搜寻和鉴定复杂疾病易感基因的研究方法。近5年来，中外科学家通过GWAS研究，在近200种包括肿瘤、精神疾病、代谢疾病、免疫疾病、传染病等复杂疾病中发现近3000个疾病易感基因，推动了人类对复杂疾病遗传学发病机制的认识。我校皮肤病研究所利用银屑病GWAS数据库发现6个新的易感基因将为我国开展其它疾病GWAS深入研究提供经验借鉴。

据了解，我校皮肤病研究所，近年来充分发挥皮肤病与性病学国家重点学科、皮肤病学国家重点实验室培育基地的优势，瞄准国际前沿，在遗传性皮肤病易感基因研究上屡有斩获。2007年，该所在国内开展复杂疾病GWAS研究。建立了国际先进水平的复杂疾病易感基因完整研究平台；先后在国际上利用GWAS首次发现汉族人银屑病、白癜风、麻风、系统性红斑狼疮等皮肤复杂疾病易感基因，深入揭示了这些复杂疾病的分子发病机制，使我国银屑病、白癜风、麻风和系统性红斑狼疮等皮肤复杂疾病易感基因研究处于世界领先水平行列。主持完成的银屑病、白癜风、系统性红斑狼疮等3项、合作完成的食管癌1项共4项成果陆续发表在《自然遗传》（Nat Genet）上，麻风研究成果被国际著名学术期刊《新英格兰医学杂志》（New Engl J of Med）发表。（尹先勇）