



8q24染色体rs1447295A/C多态性与亚洲人群前列腺癌发病风险的Meta分析

杨震宇, 张旭, 盛畅

201200, 上海, 上海市浦东新区人民医院泌尿外科

Meta-analysis of Association of 8q24 rs1447295A/C Polymorphism and Risk of Prostate Cancer in Asian Men

YANG Zhen-yu, ZHANG Xu, SHENG Chang

Department of Urology, People's Hospital of Pudong New Area, Shanghai 201200, China

- 摘要
- 参考文献
- 相关文章

全文: PDF (687 KB) HTML (0 KB) 输出: BibTeX | EndNote (RIS) 背景资料

服务

- 把本文推荐给朋友
- 加入我的书架
- 加入引用管理器
- E-mail Alert
- RSS

作者相关文章

- 杨震宇
- 张旭
- 盛畅

摘要 目的运用Meta分析的方法探讨8q24染色体rs1447295A/C多态性与亚洲人群前列腺癌发病风险的关系。方法检索在2009年底前在PubMed及中国期刊全文数据库发表的中英文文献。用RevMan4.2软件进行荟萃分析, 评估异质性和发表偏倚。结果4篇文献共3组不同种族人群纳入分析, 前列腺癌组1 391例, 对照组1 274例。前列腺癌组和对照组rs1447295A/C多态性现象中AA+CA基因型频率与常见的纯合子CC基因型频率的合并比值比(OR)值为1.50,95%可信区间值为1.28~1.77, Z=4.92, P<0.00001。结论8q24染色体rs1447295A/C多态性与亚洲人群前列腺癌发病风险显著相关。

关键词: 前列腺癌 8q24 多态性 Meta分析

Abstract: Objective To investigate the association of the rs1447295 locus polymorphism in the 8q24 chromosome and the risk of prostate cancer by means of Meta-analysis. Methods An electric search was performed in PubMed and CNKI database at the end of Dec 2009. All analyses were conducted with Review Manager Version 4.2 software. Results 4 literatures with 3 different ethnic groups were studied, totally including the PCa (Prostate Cancer) group (1 391 cases) and the normal control (1 274 cases). The summary OR for studies with frequency of AA+CA genotype at rs1447295 locus in the 8q24 was 1.50 (95% CI: 1.28~1.77, Z=4.92, P<0.00001). Conclusion The meta-analysis suggests that the polymorphism at the rs1447295 locus of 8q24 might be a genetic risky factor for prostate cancer in Asian men.

Key words: Prostatic Neoplasms 8q24 Polymorphism Meta-analysis

收稿日期: 2010-04-30;

引用本文:

杨震宇,张旭,盛畅. 8q24染色体rs1447295A/C多态性与亚洲人群前列腺癌发病风险的Meta分析[J]. 肿瘤防治研究, 2011, 38(6): 706-708.

YANG Zhen-yu, ZHANG Xu, SHENG Chang. Meta-analysis of Association of 8q24 rs1447295A/C Polymorphism and Risk of Prostate Cancer in Asian Men [J]. CHINA RESEARCH ON PREVENTION AND TREATMENT, 2011, 38(6): 706-708.

没有本文参考文献

- [1] 王禄;宋朝霞;刘冰;孙海波;祝威. Brg1基因单核苷酸多态性与喉癌的相关性[J]. 肿瘤防治研究, 2012, 39(2): 130-132.
- [2] 姚志文;赵振龙;姜玉梅;米颖;古妙宁. COX-2 -1195G>A多态与结直肠癌易感性关系的Meta分析[J]. 肿瘤防治研究, 2012, 39(2): 213-217.
- [3] 马骏;聂胜男;史本玲;左文述. 豆制品与乳腺癌相关性的Meta分析[J]. 肿瘤防治研究, 2012, 39(2): 218-221.
- [4] 刘磊玉;赵彬佳惠;秦玮;陈媛媛;林锋;邹海峰;于晓光. 转染PDCD5基因促进顺铂诱导前列腺癌细胞的凋亡作用[J]. 肿瘤防治研究, 2012, 39(1): 32-35.

- [5] 袁青;陈晓鹏;黄晓峰;穆士杰;胡兴斌;尹文;张献清 . Apogossypolone诱导前列腺癌PC-3细胞在体外的自噬[J]. 肿瘤防治研究, 2011, 38(9): 1006-1011.
- [6] 孔繁飞;王中显;孙朝阳;吕焯;翁丹卉;卢运萍;陈刚;吴明富 . miR-199a-3p对前列腺癌细胞迁移及侵袭能力的影响[J]. 肿瘤防治研究, 2011, 38(8): 875-877.
- [7] 吴正国;龚家权 . 机械吻合和手工吻合在国人食管癌术后吻合口瘘发生率的Meta分析[J]. 肿瘤防治研究, 2011, 38(7): 823-826.
- [8] 王政华;牟平;刘晓梅;朱志图 . 靶向Bcl-xL基因siRNA在前列腺癌细胞增殖和凋亡中的作用[J]. 肿瘤防治研究, 2011, 38(5): 509-511.
- [9] 吕鹏;胡志坚. 乙醇脱氢酶2基因多态性与食管癌发病风险的Meta分析[J]. 肿瘤防治研究, 2011, 38(5): 579-583.
- [10] 曾金艳. 胃癌组织中COX-2的表达及其与淋巴结转移相关性的Meta分析 [J]. 肿瘤防治研究, 2011, 38(5): 584-587.
- [11] 郭炜;刘盼;董玉然;郭艳丽;杨植彬;邝钢;董稚明. TSP1基因G1678A和A2210G基因多态性与贲门腺癌发病风险的关联 [J]. 肿瘤防治研究, 2011, 38(3): 329-332.
- [12] 王华;蔡红兵;丁晓华 . 湖北地区HPV16 E7和E5基因突变与宫颈 病变的相关性[J]. 肿瘤防治研究, 2011, 38(3): 337-340.
- [13] 马伟;张百江;滑峰;王利宁;孟龙 . 谷胱甘肽S转移酶P1 Ile105Val多态性与肺癌易感性关系的Meta分析 [J]. 肿瘤防治研究, 2011, 38(11): 1311-1315.
- [14] 郑刚;王舒艺;熊斌. HER2-neu表达与胃癌预后关系的Meta分析[J]. 肿瘤防治研究, 2011, 38(10): 1173-1177.
- [15] 张豪;席亚明;徐建旺;李明;李培;邓伟 . XRCC1基因多态性与淋巴瘤发病风险的Meta分析 [J]. 肿瘤防治研究, 2011, 38(10): 1181-1186.

鄂ICP备08002248号

版权所有 © 《肿瘤防治研究》编辑部

本系统由北京玛格泰克科技发展有限公司设计开发 技术支持: support@magtech.com.cn