



中国科学院
CHINESE ACADEMY OF SCIENCES

面向世界科技前沿，面向国家重大需求，
国家创新人才高地，率先建成国家高水平科技自立自强的重要基地

首页

组织机构

科学研究

成果转化

人才教育

学部与

首页 > 科研进展

遗传发育所在HPV病毒致癌分子机制

2019-08-02 来源：遗传与发育生物学研究所

人乳头瘤病毒（HPV）不仅导致宫颈癌，还与乳腺癌、直肠癌、肺癌、头颈癌、口腔癌等密切相关。其中，HPV16占所有感染总和的50%，其机理不明。

中国科学院遗传与发育生物学研究所马润林研究组发现HPV16致癌蛋白E7通过直接结合MAP4是E7一个新的作用靶点。进一步研究发现MPS1就是MAP4的激酶，E7-MAP4结合阻碍MPS1对MAP4的磷酸化，从而抑制MAP4的解聚。该研究揭示了HPV16E7通过干扰MPS1-MAP4级联信号途径来干扰宿主有丝分裂进程、

该论文于6月28日在Oncogene 杂志上在线发表。马润林研究组的博士生郭羽和助理研究员王强得到国家自然科学基金项目的资助。

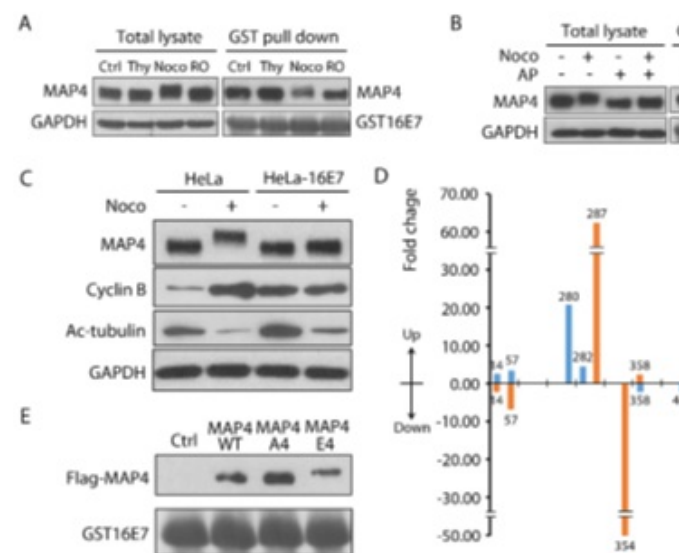


图: HPV16 E7通过与MAP4的相互作用降低N

上一篇: 海洋所在板块俯冲样式转变研究中获进展

下一篇: 地质地球所提出基于深度学习的地震震相自动拾取算法

© 1996 - 2020 中国科学院 版权所有 京ICP备05002857号 京公网安备110402500047号

联系我们 地址: 北京市三里河路52号 邮编: 100864

