

医学研究确定COVID-19危重症的遗传关联

2020年12月16日 版面: A4

作者: 陈怡

《自然》近日发表的一项研究报道了与COVID-19患者出现危及生命的疾病有关的遗传变异。这项研究不仅阐释了COVID-19严重症状的背后机制，还指出了药物发现的靶标，并提示部分现有药物或能帮助重症患者康复。


英国爱丁堡大学的Kenneth Baillie和同事对英国208个重症监护室（覆盖了英国95%以上的重症监护室）的2244名COVID-19危重症患者进行了全基因组关联研究。论文作者将这些患者的遗传组成与对照组的基因组进行对比，确定了在COVID-19患者中更常见的8个遗传序列，其中5个在另外的队列中得到了重复。这些序列与参与炎症过程及身体对病毒入侵反应的基因有关。后续的计算机分析提供了进一步证据，证明这些序列参与了COVID-19引发的危重症，并发现了其他候选基因，比如TYK2和CCR2，这些基因会编码促炎症蛋白。

研究结果显示，COVID-19引起的危重症至少涉及2个生物学机制：一个是固有的抗病毒防御机制，已知这种机制在患病早期非常重要；另一个是宿主驱动的炎症过程，这也是COVID-19后期危及生命的关键特征。考虑到这点，作者认为，能加强干扰素信号传导、靶向有害炎症通路，以及/或能抑制肺部单核细胞激活和浸润的药物，或有助于治疗COVID-19的危重症。目前，已有靶向一些相关通路的药物。比如，TYK2已经是类风湿关节炎药物巴瑞克替尼（baricitinib）的靶标，一种能阻断CCR2的单克隆抗体也在针对类风湿关节炎的早期临床试验中得到了测试。论文作者总结称，亟须开展大规模临床试验来评估这些药物治疗COVID-19的效果。

编辑: chunchun 审核: 刘纯

 点击下载PDF (<http://www.shkjb.com/FileUploads/pdf/201216/kj12164.pdf>)

证件信息: 沪ICP备10219502号 (<https://beian.miit.gov.cn>)

 沪公网安备 31010102006630号 (<http://www.beian.gov.cn/portal/registerSystemInfo?recordcode=31010102006630>)

中国互联网举报中心 (<https://www.12377.cn/>)

Copyright © 2009-2022

上海科技报社版权所有

上海科荧多媒体发展有限公司技术支持



(//bszs.conac.cn/sitename?method=show&id=5480BDAB3ADF3E3BE053012819ACCD59)