



请输入关键字

学院概况 机构设置 师资队伍 教育教学 科学研究 学科建设 国际交流 党群工作 学生工作 社会服务 基础校友

## 刘星吟

发布者: 张愉悦 发布时间: 2016-03-18 浏览次数: 14387



刘星吟 教授/理学/博士, 博士生导师

科学研究方向 肠道微生物与人类疾病

### 联系方式

通讯: 江苏省南京市江宁区龙眠大道101号学海楼, 邮编211166

电话: 025-86869397

电邮: xingyinliu@njmu.edu.cn

### 简介

2006年获得中山大学理学博士学位, 2006年至2015年10月, 先后在美国Rochester大学从事肠道病原微生物与宿主相互作用的信号转导机制的研究。2010-2015 在美国爱因斯坦医学院从事自闭症关联基因的表现遗传学研究。2015年10月作为高层次引进人才受聘于南京医科大学基础医学院。2016年9月被评为南京医科大学特聘教授, 2016年被评为江苏特聘医学专家, 2017年被评为江苏特聘教授, 目前担任南京医科大学肠道微生态创新团队的组长, 主要致力于肠道微生物与人类疾病关联的临床和基础研究。

### 教育背景及工作经历

2001-2006年: 中山大学生命科学院遗传学专业, 硕博连读获理学博士学位

2006-2010年：先后在美国罗切斯特大学生物系和医学院从事博士后研究

研究方向：四膜虫RNAi机制；肠道微生物与宿主信号互作的机制

2010-2015年：美国爱因斯坦医学院遗传系从事表观遗传学研究。历任博士后研究员和研究员

### 奖项及荣誉

2005年：广东省南粤优秀博士研究生

2016年：江苏省特聘医学专家

2017年：江苏省特聘教授

### 学术兼职

江苏省微生物学会理事

中国医药教育协会微生态专业委员会常务委员

中国优生科学协会医学遗传学专业委员会副主任委员

### 主要承担科研课题

2017-2020年：国家自然科学基金面上项目81671983 KDM5蛋白对肠道菌群稳态的调控机制和功能研究

2019-2022年：国家自然科学基金面上项目81871628 环状RNA分子在沙门氏菌介导肠道炎症反应的功能和机制研究

2015.7-2020年：南京医科大学高层次引进人才启动项目

2018-2020年：南京医科大学创新团队 肠道微生态失衡相关疾病的临床和基础研究

2017-2020年：江苏省特聘教授人才项目

2017-2020年：江苏省特聘医学专家 人才项目：肠道菌群与自闭症关联的临床和基础研究

### 近五年代表性论文、专利

1. Zhou Dan\*, Xuhua Mao\*, Qisha Liu\*, Yaoyao Zhuang, Mengchen Guo, Zhi Liu, Kun Chen, Junyu Chen, Rui Xu, Junming Tang, Lianhong Qin, Bing Gu, Kangjian Liu, Chuan Su, Faming Zhang, Yankai Xia, Zhibin Hu, Xingyin Liu<sup>#</sup>. Altered gut microbial profile is associated with abnormal metabolism activity of Autism Spectrum Disorder, Gut Microbes, 2020, 21:1-22 (通讯作者).
2. Mengchen Guo<sup>#</sup>, Huixia Wang<sup>#</sup>, Sixie Xu, Zhenjiang Zech Xu, Yaoyao Zhuang, Chuan Su, Yankai Xia, Jingang An, Jingyun Chen, Qisha Liu, Jianwei Wang, Zhou Dan, Kun Chen, Xiaoting Luan, Zhi Liu, Kangjian Liu, Yumin Xia\* and Xingyin Liu\*. Alteration in Gut microbiota is associated with Dysregulation of Cytokines and

Glucocorticoid Therapy in Systemic Lupus Erythematosus, Gut Microbes, 2020, in press(通讯作者).

3. Liu Z<sup>#</sup>, Wei Z-Y<sup>#</sup>, Chen J, Chen K, Mao X, Liu Q, Sun Y, Zhang Z, Zhang Y, Dan Z, Tang J, Qin L, Chen J-H\*, Liu X\* Acute Sleep-Wake Cycle Shift Results in Community Alteration of Human Gut Microbiome. mSphere 2020(5). (通讯作者).
4. Kun Chen<sup>#</sup>, Xiaoting Luan<sup>#</sup>, Qisha Liu<sup>#</sup>, Jianwei Wang<sup>#</sup>, Xinxia Chang<sup>#</sup>, Antoine M. Snijders<sup>#</sup>, Jian-Hua Mao, Julie Secombe, Zhou Dan, Jian-Huan Chen, Zibin Wang, Xiao Dong, Chen Qiu, Xiaoi Chang, Dong Zhang, Susan E. Celnike, Xingyin Liu<sup>#\*</sup>. Drosophila KDM5 regulates social behavior through immune control and gut microbiota maintenance. Cell & Host Microbe, 2019, 25:1-16. (通讯作者兼第一作者)
5. Qisha Liu<sup>#</sup>, Fan Li<sup>#</sup>, Jian Xu, Yaoyao Zhuang, Jianwei Wang, Xuhua Mao, Yewei Zhang\*, Xingyin Liu\*. Alteration in gut microbiota associated with hepatitis B and non-hepatitisvirus related hepatocellular carcinoma, Gut Pathogens, 2019, 11: 1. (通讯作者)
6. Jianwei Wang<sup>#</sup>, Yong-Guo Zhang<sup>#</sup>, Rong Lu, Zhou Dan, Xinhui Fu, Xinxia Chang, Ikuko Kato, Xingyin Liu\*, Jun Sun\*. Novel regulatory roles of Wnt1 in infectious-associated colon cancer, Neoplasia, 2018, 20: 499-509. (共同通讯作者)
7. Xingyin Liu\*, Jun Sun. Enteric bacterial regulation of the Wnt/ $\beta$ -catenin signaling, Springer Nature, 2018. Mechanisms Underlying Host-Microbiome Interactions in Pathophysiology of Human Diseases. PP: 79-88. (通讯作者兼第一作者)
8. Xingyin Liu and Julie Secombe(2015), The histone demethylase KDM5 activates gene expression by recognizing chromatin context through its PHD reader motif. Cell Reports, 13(10): 2219-31.
9. Xingyin Liu Christina Greer Julie Secombe (2014), KDM5 interacts with Foxo to modulate/affect cellular levels of oxidative stress, PLOS Genetics, 10.1371/journal.pgen.1004676.

