

当前位置: [科技部门户](#) > [新闻中心](#) > [科技动态](#) > [国内外科技动态](#)

【字体: [大](#) [中](#) [小](#)】

山东大学学者发现一种能激活促胃癌细胞周期进展的长链非编码RNA

日期: 2018年10月12日 来源: 科技部

近日,来自山东大学基础医学院的高鹏教授研究团队发现EGR1介导的长链非编码RNA转录能激活促进胃癌细胞周期进程,而且EGR1激活的HNF1A-AS1能调控多种促生长因子和抗生长因子从而促进胃癌的发生发展,可作为治疗的靶点。题为“EGR1-mediated transcription of lncRNA-HNF1A-AS1 promotes cell cycle progression in gastric cancer”的文章发表在Cancer Research杂志上。

胃癌是世界上导致癌症相关死亡的三大原因之一,我国是胃癌发病高发区。对胃癌发生发展机制进行深入研究,以确定潜在的治疗靶点,寻求有效的治疗方法从而提高患者生存率具有重要的意义。

高鹏教授研究团队发现肝细胞核因子1同源蛋白A反义RNA 1 (HNF1A-AS1)在胃癌组织中表达显著上调,早期生长反应蛋白1 (EGR1)结合HNF1A-AS1启动子区域,激活其转录并且促进了胃癌细胞增殖。同时,研究人员在机制研究中发现,HNF1A-AS1作为内源性竞争性RNA通过吸附 miR-661上调了miR-661的直接靶点细胞周期34 (CDC34)的表达。

另外,EGR1和HNF1A-AS1通过促进CDC34介导的p21泛素化降解抑制了p21的表达,从而增强了细胞周期蛋白的表达,EGR1激活的HNF1A-AS1调控多种促生长因子和抗生长因子促进胃癌的发生发展,可作为治疗的靶点。

[打印本页](#) >>

[关闭窗口](#) >>



版权所有: 中华人民共和国科学技术部

地址: 北京市复兴路乙15号 | 邮编: 100862 | 地理位置图 | ICP备案序号: 京ICP备05022684