

研究发现非吸烟者的特定肺癌遗传标签

2021年09月09日 版面：A3

作者：陈怡

《自然-遗传学》近日发表一篇论文，发现吸烟者和非吸烟者所患肺癌背后有不同的突变模式。这些发现对治疗不同类型的肺癌具有潜在意义，同时也为体内导致肿瘤形成的受损基因组可能引发的后果提供了信息。

大约10%—25%的肺癌发生在非吸烟者身上；但关于肺癌的基因组测序研究大多使用来自吸烟者的肿瘤。尽管人们通常认为二手烟促进癌症发生的机制与吸烟类似，但在基因组水平上，人们所知尚少。

位于美国马里兰州的美国国家癌症研究所研究人员Maria Teresa Landi和同事对232名过去从未吸烟的肺癌患者（平均诊断年龄64.8岁、75.4%为女性）的基因进行了测序，尝试识别出非吸烟者所患癌症特有的遗传模式。基于基因组变异，这些肿瘤可大致可分为3类，一些进展快速，另一些则进展缓慢。区分这些亚型的特征包括低突变负荷的高瘤内异质性、特定染色体改变加EGFR基因高频变异，以及全基因组折叠。患有肺癌的吸烟者患上这3种亚型的频率不同，可为精准医疗提供参考。论文作者还发现，该研究中未能发现很强的与吸烟有关的遗传标签，即便是曾暴露于二手烟的个体也没有。

虽然该研究需在更大患者阵列中重复，以明确地描述这些结果，论文作者总结说，这些发现使医务人员为非吸烟者提供个性化治疗又向前迈进了一步。

编辑：chenying 审核：陈颖

 点击下载PDF (<http://www.shkjb.com/FileUploads/pdf/210908/kj09083.pdf>)

证件信息：沪ICP备10219502号 (<https://beian.miit.gov.cn>)

 沪公网安备 31010102006630号 (<http://www.beian.gov.cn/portal/registerSystemInfo?recordcode=31010102006630>)

中国互联网举报中心 (<https://www.12377.cn/>)

Copyright © 2009-2022

上海科技报社版权所有

上海科茨多媒体发展有限公司技术支持



(//bszs.conac.cn/sitename?method=show&id=5480BDAB3ADF3E3BE053012819ACCD59)