



张汝阳

发布者: 生物统计学系 发布时间: 2019-02-10 浏览次数: 5522



张汝阳, 博士、副教授、硕士生导师, 江苏省高校“青蓝工程”优秀青年骨干教师、南京医科大学优秀中青年骨干教师。2008年获南京医科大学预防医学(生物统计学方向)医学学士学位。2013年获南京医科大学生物统计学博士学位(导师: 陈峰教授)。哈佛大学公共卫生学院环境及肿瘤基因组学博士后(合作导师: David C. Christiani教授)、南京大学医学院肿瘤内科学博士后(合作导师: 王锐教授)。主要从事医学大数据统计理论方法及临床应用研究, 累计发表论文90余篇。其中, 以第一作者、通讯作者身份发表学术论文27篇(IF>25分1篇、IF>15分1篇、IF>5分13篇)。先后主持国家自然科学基金、美国国家职业安全卫生研究所先导项目、江苏省自然科学基金、中国博士后科学基金等9项; 参加科技部重点研发计划、国家自然科学基金重点项目等多个国家、省部级课题。获江苏医学科技奖二等奖、教育部高等学校科学研究优秀成果奖(科学技术)自然科学二等奖。

研究方向

生物医学大数据统计理论方法及临床应用研究

联系方式

地址: 南京市江宁区龙眠大道101号南京医科大学至诚楼

电话: 025-86868436

邮箱: zhangruiyang@njmu.edu.cn

科研项目

1. 江苏省自然科学基金面上项目, BK20191354, 基于信息熵的多组学数据变量集间交互作用分析方法研究, 2019.07-2022.06, 在研, 主持。
2. 江苏省优势学科三期项目科研创新先导国际合作项目, 4-1-4, 非小细胞肺癌预后多组学整合方法研究与应用, 2019.09-2020.09, 结题, 主持。
3. 中国博士后科学基金第63批面上项目资助, 2018M633767, 基于熵的多组学数据交互作用信息挖掘方法研究, 2018.02-2020.02, 结题, 主持。
4. 江苏省高等学校自然科学研究面上项目资助, 18KJB310011, 多组学交互作用整合分析及网络枢纽基因识别方法研究, 2018.09-2020.08, 结题, 主持。
5. 国家自然科学基金青年基金, 81402763, 基于熵的公共卫生大数据信息挖掘方法研究, 2015.01-2017.12, 结题, 主持。
6. 美国国家职业安全卫生研究所先导项目, T42 OH008416, Gene-gene and gene-endotoxin interactions in lung function decline among cotton textile workers in the Shanghai Textile Worker Cohort Study, 2016.10-2017.06, 结题, 主持(导师: David C Christiani)。
7. 南京医科大学科技发展基金重点项目, 2013NJMU016, GWAS中的基因-基因、基因-环境交互作用统计分析方法研究, 2014.01-2015.12, 结题, 主持。
8. 江苏省普通高校研究生创新计划项目, CXZZ11_0733, 基于基因和通路的GWAS策略分析, 2011.06-2013.06, 结题, 主持。
9. 国家重点研发计划-战略性国际科技创新合作重点专项, 2016YFE0204900, 基于出生队列的重金属暴露与不良出生结局的国际合作研究, 2017.09-2020.08, 在研, 研究骨干。
10. 国家自然科学基金重点项目, 81530088, 基于人群的生物医学多层次数据整合方法及肿瘤风险预测研究, 2016.01-2020.12, A类结题, 研究骨干。

荣誉奖励

科研获奖

1. 2020年江苏医学科技二等奖(排名第1)
2. 2019年教育部高等学校科学研究优秀成果奖(科学技术) 自然科学二等奖(排名第4)
3. 2018年南京医科大学第六批优秀中青年教师支持计划(排名第1)
4. 2018年南京市第十二届自然科学优秀学术论文三等奖(排名第1)
5. 2014年南京医科大学优秀博士论文
6. 2012年中国卫生统计学术年会首届优秀研究生论文一等奖(排名第1)

教学获奖

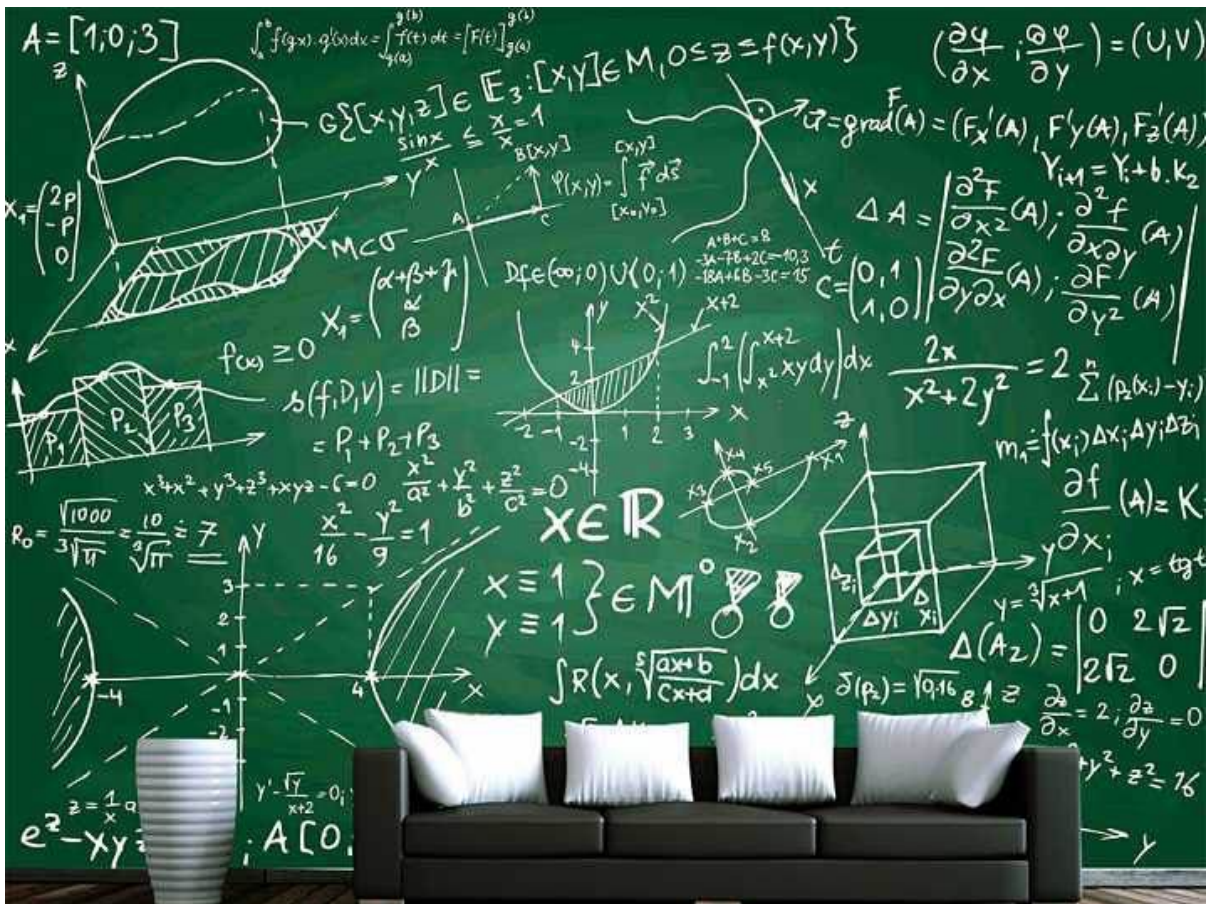
1. 2019年度江苏省普通高校本科优秀毕业论文三等奖指导老师(排名第1)
2. 2020年中国大学生计算机设计大赛(大数据组) 二等奖指导老师(排名第2)
3. 2019年高教社杯全国大学生数学建模竞赛成功参赛奖指导老师(排名第1)
4. 2019年中国高校SAS数据分析大赛全国一等奖指导老师(排名第1)
5. 2019年中国高校SAS数据分析大赛优秀组织奖(排名第1)
6. 2019年中国大学生计算机设计大赛(大数据组) 一等奖指导老师(排名第1)
7. 2019年中国大学生计算机设计大赛(数媒普通组) 一等奖指导老师(排名第2)
8. 2019年南京医科大学赵息保奖教金
9. 2019年MathorCup高校数学建模挑战赛二等奖指导老师(排名第1)
10. 2019年南京医科大学2019年全国大学生计算机设计大赛校赛一等奖(排名第2)
11. 2019年南京医科大学2019年全国大学生计算机设计大赛校赛二等奖指导老师(排名第1)
12. 2019年南京医科大学2019年全国大学生计算机设计大赛校赛二等奖指导老师(排名第1)
13. 2019年美国The Mathematical Contest in Modeling鼓励奖指导老师(排名第1)
14. 2019年南京医科大学创新杯大学生课外学术科技作品竞赛二等奖指导老师(排名第1)
15. 2018年Asia and Pacific Mathematical Contest in Modeling二等奖指导老师(排名第1)
16. 2019年江苏省高等学校大学生万人计划学术冬令营健康教育作品设计比赛一等奖指导老师(排名第1)
17. 2019年江苏省高等学校大学生万人计划学术冬令营健康教育作品设计比赛三等奖指导老师(排名第1)
18. 2018年南京医科大学临床5+3优秀本科生导师
19. 2018年中国高校SAS数据分析大赛全国二等奖指导老师(排名第1)
20. 2018年中国高校SAS数据分析大赛全国百强指导老师(排名第1)
21. 2018年首届人卫慕课在线开放课程建设比赛微课制作本科生组全国一等奖(排名第1)
22. 2018年全国高校(医学类) 微课教学比赛三等奖(排名第1)
23. 2017年江苏省高等学校微课教学比赛三等奖(排名第1)

代表性论文(#为第一作者, *为通讯作者)

1. Shen S[#], **Zhang R[#]**, Jiang Y, Li Y, Lin L, Liu Z, Zhao Y, Shen H, Hu Z, Wei Y^{*}, Chen F^{*}. Comprehensive analyses of m6A regulators and interactive coding and non-coding RNAs across 32 cancer types. *Molecular Cancer*. 2021 Apr 13;20(1):67. IF=27.401
2. Shen S[#], Wei Y[#], Li Y, Duan W, Dong X, Lin L, You D, Tardon A, Chen C, Field JK, Hung RJ, Liu G, Zhu D, Amos CI, Su L, Zhao Y, Hu Z, Shen H, **Zhang R^{*}**, Chen F^{*}, Christiani DC^{*}. A genome-wide association study links *TNS3* and *SEPT7* to survival of long-term former smoking non-small cell lung cancer patients: Evidence from multi-omics studies. *NPJ Precision Oncology*. 2021 May 17;5(1):39. IF=8.254

3. Lin L[#], **Zhang R[#]**, Huang H, Wei L, Chen X, Zhu Y, Li Y, Christiani DC, Wei Y^{*}, Chen F^{*}. Mendelian randomization with refined instrumental variables from genetic score improves accuracy and reduces bias. *Frontiers in Genetics*. 2021Mar 17;12:618829. IF=4.599
4. Wei Y^{#,*}, Huang H[#], **Zhang R[#]**, Zhu Z, Zhu Y, Lin L, Dong X, Wei L, Chen X, Liu Z, Zhao Y, Su L, Chen F^{*}, Christiani DC^{*}. Association of Serum Mannose with Acute Respiratory Distress Syndrome Risk and Survival. *JAMA Network Open*. 2021 Jan; 4(1):e2034569. IF=8.483
5. Dong X[#], He J[#], Lin L[#], Zhu Y, Chen C, Su L, Zhao Y, **Zhang R^{*}**, Wei Y^{*}, Chen F^{*}, Christiani DC. Association Between Aspirin Use and Lung Cancer Incidence Depends on High-Frequency Use, Bodyweight, and Age in U.S. Adults. *Translational Lung Cancer Research*. 2021 Jan. 10 (1): 392-401. IF=6.498
6. Ji X[#] (2015级生物统计班本科生毕业论文), Lin L[#], Shen S, Dong X, Chen C, Li Y, Zhu Y, Huang H, Chen J, Chen X, Wei L, He J, Duan W, Su L, Jiang Y, Fan J, Guan J, You D, Shafer A, Bjaanæs MM, Karlsson A, Planck M, Staaf J, Helland Å, Esteller M, Wei Y^{*}, **Zhang R^{*}**, Chen F, Christiani DC. Epigenetic-smoking interaction reveals histologically heterogeneous effects of *TRIM27* DNA methylation on overall survival among early-stage NSCLC patients. *Molecular Oncology*. 2020 Nov; 14 (11): 2759-2774. IF=6.603 杂志封面文章、2020年度期刊亮点研究、江苏省普通高校本科优秀毕业论文
7. **Zhang R^{#,*}**, Chen Chao[#], Dong X[#], Shen S, Lai L, He J, You D, Lin J, Zhu Y, Huang H, Chen J, Wei L, Chen X, Li Y, Guo Y, Duan W, Liu L, Su L, Shafer A, Fleischer T, Bjaanæs MM, Karlsson A, Planck M, Wang R, Staaf J, Helland Å, Esteller M, Wei Y^{*}, Chen F^{*}, Christiani DC. Independent validation of early-stage non-small cell lung cancer prognostic scores incorporating epigenetic and transcriptional biomarkers with gene-gene interactions and main effects. *CHEST*. 2020 Aug; 158 (2): 808-819. IF=9.410 科技日报新闻报道
8. Chen C[#], Wei Y[#], Wei L, Chen J, Chen X, Dong X, He J, Lin L, Zhu Y, Huang H, You D, Lai L, Shen S, Duan W, Su L, Shafer A, Fleischer T, Bjaanæs MM, Karlsson A, Planck M, Wang R, Staaf J, Helland Å, Esteller M, **Zhang R^{*}**, Chen F^{*}, Christiani DC. Epigenome-wide gene-age interaction analysis reveals reversed effects of *PRODH* DNA methylation on survival between young and elderly early-stage NSCLC patients. *Aging-US*. 2020 Jun 8;12(11):10642-10662. IF=5.682
9. Dong X[#], **Zhang R[#]**, He J, Lai L, Alolga RN, Shen S, Zhu Y, You D, Lin L, Chen C, Zhao Y, Duan W, Su L, Shafer A, Moran S, Fleischer T, Bjaanæs MM, Karlsson A, Planck M, Wang R, Staaf J, Helland Å, Esteller M, Wei Y^{*}, Chen F^{*}, Christiani DC. Trans-omics biomarker model improves prognostic prediction accuracy for early-stage lung adenocarcinoma. *Aging-US*. 2019 Aug 21;11(16):6312-6335. IF=4.831
10. **Zhang R[#]**, Lai L[#], Dong X, He J, You D, Chen C, Lin L, Zhu Y, Huang H, Shen S, Wei L, Chen X, Guo Y, Liu L, Su L, Shafer A, Moran S, Fleischer T, Bjaanæs MM, Karlsson A, Planck M, Staaf J, Helland Å, Esteller M, Wei Y^{*}, Chen F^{*}, Christiani DC. *SIPA1L3* methylation modifies the benefit of smoking cessation on lung adenocarcinoma survival: An epigenomic-smoking interaction analysis. *Molecular Oncology*. 2019 May;13(5):1235-1248. IF=6.574 2020年世界癌症日收录
11. Zhu Y[#], Wei Y[#], **Zhang R[#]**, Dong X, Shen S, Zhao Y, Bai J, Albanes D, Caporaso NE, Landi MT, Zhu B, Chanock SJ, Gu F, Lam S, Tsao MS, Shepherd FA, Tardon A, Fernández-Somoano A, Fernandez-Tardon G, Chen C, Barnett MJ, Doherty J, Bojesen SE, Johansson M, Brennan P, McKay JD, Carreras-Torres R, Muley T, Risch A, Wichmann HE, Bickeboeller H, Rosenberger A, Rennett G, Saliba W, Arnold SM, Field JK, Davies MPA, Marcus MW, Wu X, Ye Y, Le Marchand L, Wilkens LR, Melander O, Manjer J, Brunnström H, Hung RJ, Liu G, Brhane Y, Kachuri L, Andrew AS, Duell EJ, Kiemenev LA, van der Heijden EHF, Haugen A, Zienolddiny S, Skaug V, Grankvist K, Johansson M, Woll PJ, Cox A, Taylor F, Teare DM, Lazarus P, Schabath MB, Aldrich MC, Houlston RS, McLaughlin J, Stevens VL, Shen H, Hu Z, Dai J, Amos CI, Han Y, Zhu D, Goodman GE, Chen F^{*}, Christiani DC^{*}. Elevated platelet count appears to be causally associated with increased risk of lung cancer: A Mendelian randomization analysis. *Cancer Epidemiology Biomarkers & Prevention*. 2019 May;28(5):935-942. IF=4.344
12. **Zhang R[#]**, Lai L[#], He J[#], Chen C, You D, Duan W, Dong X, Zhu Y, Lin L, Shen S, Guo Y, Su L, Shafer A, Moran S, Fleischer T, Bjaanæs MM, Karlsson A, Planck M, Staaf J, Helland Å, Esteller M, Wei Y^{*}, Chen F^{*}, Christiani DC^{*}. *EGLN2* DNA methylation and expression interact with *HIF1A* to affect survival of early-stage NSCLC. *Epigenetics*. 2019 Feb;14(2):118-129. IF=4.251
13. Duan W[#], **Zhang R[#]**, Zhao Y, Shen S, Wei Y, Chen F^{*}, Christiani DC. Bayesian variable selection for parametric survival model with applications to cancer omics data. *Human Genomics*. 2018Nov 6;12(1):49. IF=2.544
14. Shen S[#], **Zhang R[#]**, Zhang J, Wei Y, Guo Y, Su L, Chen F, Christiani DC^{*}. Welding fume exposure is associated with inflammation: A global metabolomics profiling study. *Environmental Health*. 2018 Aug 22;17(1):68. IF=4.43
15. Wang Z[#], Wei Y[#], **Zhang R[#]**, Su L, Gogarten SM, Liu G, Brennan P, Field JK, McKay JD, Lissowska J, Swiatkowska B, Janout V, Bolca C, Kotic M, Scelo G, Zaridze D, Laurie CC, Doheny KF, Pugh EK, Marosy BA, Hetrick KN, Xiao X, Pikielny C, Hung

- RJ, Amos CI, Lin X, Christiani DC*. Multi-omics analysis reveals a HIF network and hub gene EPAS1 associated with lung adenocarcinoma. *EBioMedicine*. 2018 Jun;32:93-101. IF=6.68
16. Shen S#, **Zhang R#**, Guo Y, Loehrer E, Wei Y, Zhu Y, Yuan Q, Moran S, Fleischer T, Bjaanæs MM, Karlsson A, Planck M, Staaf J, Helland Å, Esteller M, Su L, Chen F*, Christiani DC*. A multi-omic study reveals BTG2 as a reliable prognostic marker for early-stage non-small cell lung cancer. *Molecular Oncology*. 2018 Jun;12(6):913-924. IF=5.962
17. Wei Y#, Liang J#, **Zhang R#**, Guo Y, Shen S, Su L, Lin X, Moran S, Helland Å, Bjaanæs MM, Karlsson A, Planck M, Esteller M, Fleischer T, Staaf J, Zhao Y, Chen F*, Christiani DC*. Epigenetic modifications in KDM lysine demethylases associate with survival of early-stage NSCLC. *Clinical Epigenetics*. 2018 Apr 2;10:41. IF=5.496
18. **Zhang R#**, Wang Z, Tejera P, Frank AJ, Wei Y, Su L, Zhu Z, Guo Y, Chen F, Bajwa EK, Thompson BT, Christiani DC*. Late-onset moderate to severe acute respiratory distress syndrome is associated with shorter survival and higher mortality: a two-stage association study. *Intensive Care Medicine*. 2017 Mar; 43(3):399-407. IF=15.008
19. Chu M#, Ji X#, Chen W#, **Zhang R#**, Sun C, Wang T, Luo C, Gong J, Zhu M, Fan J, Hou Z, Dai J, Jin G, Wu T, Chen F, Hu Z, Ni C, Shen H*. A genome-wide association study identifies susceptibility loci of silica-related pneumoconiosis in Han Chinese. *Human Molecular Genetics*. 2014 Dec 1; 23(23): 6385-6394. IF=6.393
20. Lu C#, Jiang J#, **Zhang R#**, Wang Y, Xu M, Qin Y, Lin Y, Guo X, Ni B, Zhao Y, Diao N, Chen F, Shen H, Sha J, Xia Y*, Hu Z, Wang X. Gene copy number alterations in the azoospermia-associated AZFc region and their effect on spermatogenic impairment. *Molecular Human Reproduction*. 2014 Sep; 20(9): 836-843. IF=3.747
21. **Zhang R#**, Chu M#, Zhao Y#, Wu C, Guo H, Shi Y, Dai J, Wei Y, Jin G, Ma H, Dong J, Yi H, Gong J, Sun C, Zhu M, Wu T, Hu Z, Lin D, Shen H, Chen F*. A genome-wide gene-environment interaction analysis for tobacco smoke and lung cancer susceptibility. *Carcinogenesis*. 2014 Jul; 35(7): 1528-1535. IF=5.334
22. Chu M#, **Zhang R#**, Zhao Y#, Wu C, Guo H, Zhou B, Lv J, Shi Y, Dai J, Jin G, Wei Y, Wang C, Gong J, Sun C, Zhu M, Qiu Y, Wu T, Hu Z, Lin D, Shen H, Chen F*. A genome-wide gene-gene interaction analysis identifies an epistatic gene pair for lung cancer susceptibility in Han Chinese. *Carcinogenesis*. 2014 Mar 9, 35(3): 572-577. IF=5.334





网络课程: Medical Statistics (本科留学生课程)

观看地址: <https://mooc1.chaoxing.com/course/207299655.html>



慕课名称: 肺癌风险基因-环境交互作用分析 (全国一等奖作品)

观看地址: <http://www.pmphmooc.com/web/opencoursdetail?courseid=15451>



微课名称: 假设检验的灵魂: 小概率原理 (全国三等奖作品)

观看地址: <http://weike.enetedu.com/play.asp?vodid=192792&e=28>

微课名称: 揭秘街头骗术: 正态分布 (江苏省三等奖作品)

观看地址: <http://weike.enetedu.com/play.asp?vodid=192792&e=22>

版权所有 版权所有 南京医科大学公共卫生学院, All Right Reserved.

地址: 南京市江宁区龙眠大道101号 邮政编码: 211166 邮政编码: 211166

电话: 025-86868409 传真: 025-86868499

[管理登录](#)

[旧版入口](#)