

小鼠脊髓重与颈膨大截面积QTL研究

谭湘陵¹, 周 艳¹, 蔡可夫¹, 绍义祥², 朱顺星², Lu L³, RW. Williams³, 顾晓松¹, ①

1.南通医学院江苏省神经再生重点实验室;南通 226001;2.南通医学院实验动物中心;南通 226001;3.美国田纳西大学解剖与神经生物学系;美国 38163

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 应用近交系小鼠A/J和C57BL/6J以及其F2代重组小鼠定位脊髓重与颈膨大截面积数量性状基因座(Quantitative Trait Loci, QTL)。结果表明13个QTL与脊髓重和截面积相关, 这些QTL分别位于2、4、8、14、15、17、18、19 和 X染色体上。其中6个QTL与脊髓重相关; 4个QTL与颈膨大截面积相关; 3个QTL与二者均相关。在13个QTL中, 3个QTL (P<0.01)——SC1 (位于D15Mit158附近)、SC2 (DXMit140附近) 和 SC3 (DXMit64附近) 其表型变异的解释率分别为24%、19%和15%; 加性效应分别为-3.78、3.41和2.06 mg。其他QTL 的P值在0.01~0.05之间。在上述3个QTL中, SC1是唯一与脊髓重和面积均相关的QTL。

关键词 [小鼠](#) [脊髓](#) [重量](#) [颈膨大截面积](#) [QTL](#)

分类号

1.Key Laboratory of Nerve Regeneration in Jiangsu Province; Nantong Medical College; Nantong 226001 China; 2.Experimental Animal Center in Nantong Medical College; Nantong 226001; China; 3.Department of Anatomy and Neurobiology; University of Tennessee; 38163 USA

Abstract

Key words [mice](#) [spinal cord](#) [weight](#) [area on cervical enlargement](#) [QTL](#)

DOI:

通讯作者

扩展功能

本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF\(274KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献](#)

服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [复制索引](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

- ▶ [本刊中 包含“小鼠”的 相关文章](#)
- ▶ 本文作者相关文章

- [谭湘陵](#)
- [周 艳](#)
- [蔡可夫](#)
- [绍义祥](#)
- [朱顺星](#)
- [Lu L](#)
- [RW Williams](#)
- [顾晓松](#)
-