



最新公告:

您现在的位置: 中南大学临床药理研究所 > 学术动态 > 所内药物基因组学与遗传药理学进展 > 正文

[推荐] CNS: KCNT1基因多态性与遗传性全身性癫痫易感及其药物抵抗相关性研究

顶 ★★★

CNS: KCNT1基因多态性与遗传性全身性癫痫易感及其药物抵抗相关性研究

作者: 龚卫静 文章来源: 本站原创 点击数: 141 更新时间: 2014-2-3 17:21:49 [收藏此页](#)

2014年年初, 我所刘昭前教授及其研究团队在《CNS Neuroscience & Therapeutics》(IF=4.458)上发表一篇关于KCNT1基因多态性与遗传性全身性癫痫易感及其药物抵抗相关的文章(Gene-Wide Tagging Study of the Association Between *KCNT1* Polymorphisms and the Susceptibility and Efficacy of Genetic Generalized Epilepsy in Chinese Population)。

KCNT1是人类钾离子通道T亚家族成员1, 有研究表明该基因是引起一些罕见遗传性全身性癫痫的候选基因, 但在人群中尚缺乏相关报道。刘昭前教授团队对中国284名健康对照和483名遗传性全身性癫痫患者(包含279名抗癫痫药物治疗敏感和204名抗癫痫药物抵抗的患者)的研究发现, KCNT1基因上的17个tagSNPs均不与遗传性全身性癫痫的易感和抗癫痫药物抵抗相关。单倍型分析发现, 单倍型5和单倍型1的频率在遗传性全身性癫痫患者中的频率高于健康对照(2% vs. 4%, OR = 0.47 [0.27-0.94], $P = 0.03$), 且在药物抵抗患者中的分布也显著高于药物敏感患者(6% vs. 3%, OR = 2.56 [1.23-5.35], $P = 0.01$)。然而, Bonferroni方法多重比较校正之后, 上述两个单倍型在遗传性全身性癫痫和健康对照人群中与癫痫易感和抗癫痫药物抵抗均不相关。

因此, KCNT1基因上的17个常见变异与中国人遗传性全身性癫痫易感和抗癫痫药物疗效均不相关。

-文章录入: 李曦 责任编辑: 李曦

- 上一篇文章: KCNT1多态性与遗传性全身性癫痫(GGEs)易感性以及患者对抗癫痫药的敏感性无关
- 下一篇文章: Biomedical Chromatography:一种能同时检测五种CYP450酶探针底物的代谢产物的LC-MS/MS方法

【字体: 小 大】 【发表评论】 【加入收藏】 【告诉好友】 【打印此文】 【关闭窗口】

网友评论: (只显示最新10条。评论内容只代表网友观点, 与本站立场无关!)

