

2020年1月23日 星期四 下月4日<立春>

请输入关键字搜索

电脑版 | 手机版 | 英文版 | 电子校报 | 视频校园

书记信箱 sjxx@sxmu.edu.cn

校长信箱 xzxx@sxmu.edu.cn

网站地图



[首页](#)
[学校概况](#)
[管理机构](#)
[教学单位](#)
[学生工作](#)
[招生信息](#)
[教育教学](#)
[科学研究](#)
[学科学位](#)
[附属单位](#)
[信息公开](#)
[基金会](#)

科学研究

当前位置: [首页](#) >> [新闻中心](#) >> [科学研究](#) >> [正文](#)

新闻中心

[山医新闻](#)

[通知公告](#)

[视频要闻](#)

[部门工作](#)

[院系动态](#)

[党团建设](#)

[校园风采](#)

[教育教学](#)

[科学研究](#)

[常用下载](#)

[山医故事](#)

[医疗服务](#)

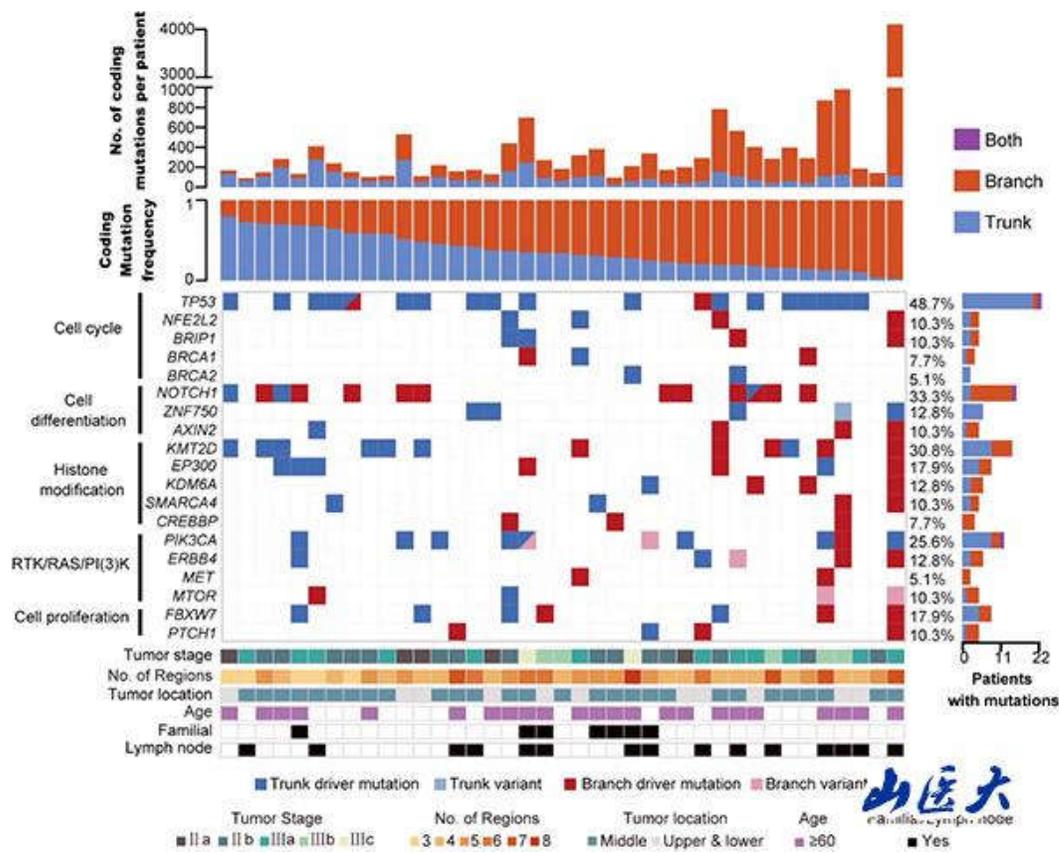
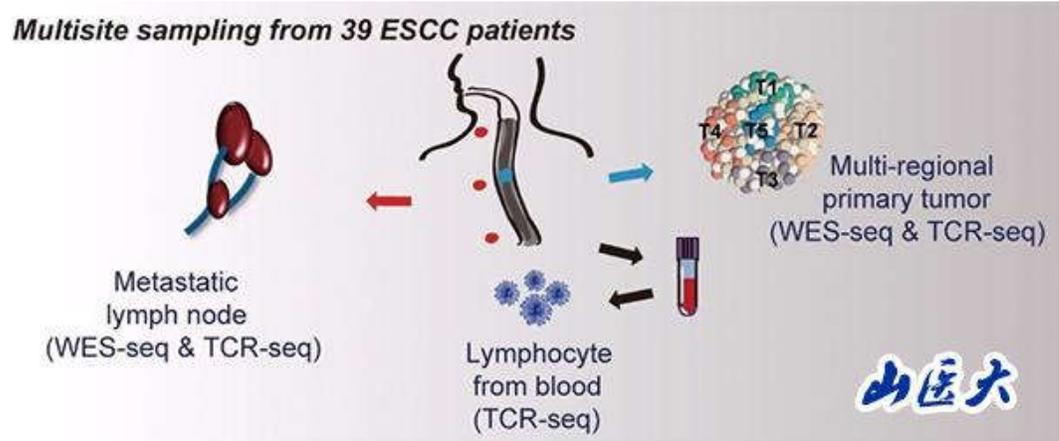
我校在食管癌致病机理研究领域取得新研究成果

发布时间:2019-12-04 稿件来源:研究生学院 点击次数: 497 字体大小:大 中 小

近日, 我校崔永萍教授领军的科研团队关于食管癌的最新研究成果在Nature系列期刊Nature Communications (IF 12.353) 发表题为“Multi-region sequencing unveils novel actionable targets and spatial heterogeneity in esophageal squamous cell carcinoma”的原创文章, 揭示了来自同一食管鳞癌患者不同区域的样本中药物靶标或生物标记物的高度异质性, 突出了多区域测序对于精确治疗的必要性。

研究人员对来自39例肿瘤样本的185个肿瘤区域和39个匹配的正常样本进行了测序分析, 平均测序深度分别达到290×和187×。共检测到11,703个非沉默单核苷酸变异和961个插入缺失变异, 每个样本中位数为189个非沉默变异和14个插入缺失, 突变数量在个体中差异很大。具有较大肿瘤体积的食管鳞癌个体的突变负荷高于具有较小肿瘤的个体。同时发现通过多区域测序鉴定的个体的突变显著高于单区域分析或来自癌症基因组图谱(TCGA)突变数据的突变。此外还发现有12.8%的ERBB4突变, 并且功能实验证明了它的致癌作用; 敲低BRCA1/2的表达, 显著增加了食管鳞癌细胞对铂类药物的敏感性; 5%的个体携带CD274的局部高水平扩增, 导致PDL1的大量表达, 这类个体可能对免疫检查点阻断更敏感。该研究揭示了食管鳞癌中的高度异质性, 确定了ERBB4、BRCA1/2和PD-L1这几个潜在的治疗靶点, 并可能为食管鳞癌治疗提供新的策略。

本研究为我校牵头的全国多中心研究项目, 项目的开展得到了北京大学香港科技大学医学中心、中国医学科学院分子肿瘤国家重点实验室、北京大学医学部肿瘤医院、山西省肿瘤医院的合作支持。同时, 也得到了国家科技部重点研发项目、国家自然科学基金重点项目、面上项目和青年项目等多个国家级项目的科研基金资助。

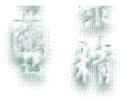


文章链接: <https://www.nature.com/articles/s41467-019-09255-1>

(文/阎冲)

上一条: 我校研究生在国际知名期刊《Small》发表高水平论文

下一条: 第一医院召开2020年国家自然科学基金申报推进会



山西医科大学
学校章程

关于晋ICP

山西医科大学
资助管理

山西医科大学

山西医科大学
专业建设

山西医科大学

山西医科大学
汾阳医院

Copyright © 2016 sxmu.edu.cn All rights reserved

山西医科大学网络中心主办 晋ICP备05000478号

总访问量: 11286960 今日访问量: 02075