

论著

人群华支睾吸虫感染灰色预测模型的构建

臧炜¹ 卢光辉² 诸廷俊¹ 陈颖丹^{1*}

1200025 上海, 中国疾病预防控制中心寄生虫病预防控制所, 卫生部寄生虫病原与媒介生物学重点实验室, 世界卫生组织疟疾、血吸虫病和丝虫病合作中心; 2154300 佳木斯, 桦川县疾病预防控制中心

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 目的 构建灰色GM (1, 1) 模型用于人群华支睾吸虫感染情况预测。方法 利用“华支睾吸虫病病例/症状监测系统”收集的黑龙江省桦川县2013年7月—2014年6月人群华支睾吸虫感染监测数据构建时间序列, 根据数列矩阵运算原理, 采用EXCEL软件中的MINVERSE等函数对该资料进行拟合, 确定人群华支睾吸虫感染GM (1, 1) 预测模型并判断精度。结果 2013年7月—2014年6月共收集了271例华支睾吸虫感染者信息, GM (1, 1) 模型的时间响应函数为 $X_{t+1}' = 16.0245e - 0.0787t$, 后验差比值 $C = 0.5884$, 精度达到了基本合格水平。结论 初步构建了华支睾吸虫感染预测的灰色GM (1, 1) 模型, 为今后预测人群华支睾吸虫感染情况提供了基础。

关键词 [华支睾吸虫病; 感染; 灰色模型](#)

分类号

DOI: 10.3760/cma.j.issn.1673-4122.2015.03.011

通讯作者:

陈颖丹 cyingdan@126.com

作者个人主页: 臧炜¹ 卢光辉² 诸廷俊¹ 陈颖丹^{1*}

扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF\(505KB\)](#)

▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)

▶ [参考文献\[PDF\]](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [引用本文](#)

▶ [Email Alert](#)

▶ [文章反馈](#)

▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

▶ [本刊中包含“华支睾吸虫病; 感染; 灰色模型”的相关文章](#)

▶ [本文作者相关文章](#)

· [臧炜¹ 卢光辉² 诸廷俊¹ 陈颖丹^{1*}](#)