

综述

寄生线虫性别特异表达基因研究进展

邹丰才, 吴绍强, 黄翠琴, 朱兴全

1 华南农业大学兽医学院寄生虫学研究室, 广州 510642

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要

常见的重要寄生线虫, 如: 蛔虫、丝虫、毛首线虫、旋毛虫等, 严重危害人类健康及畜、禽产品的产量和质量, 药物防治已取得一定成效。但由于药物残留和耐药性问题, 以及常规寄生虫疫苗保护力低下的原因, 采用新的策略来预防和控制寄生虫病已经成为目前研究者探索的目标。从寄生虫自身的生殖发育调控机制入手, 通过阻断或干扰线虫的某个或几个生殖发育阶段, 可以达到控制线虫病的目的。目前这方面的研究主要集中在鉴定并阐明和线虫性别相关的基因, 即性别特异基因的表达情况及其功能推测。

关键词 [寄生线虫](#) [性别特异表达基因](#) [生殖发育调控](#)

分类号

Abstract

Key words

DOI:

通讯作者

作者个人主页 邹丰才; 吴绍强; 黄翠琴; 朱兴全

扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF \(134KB\)](#)

▶ [\[HTML全文\]\(OKB\)](#)

▶ [参考文献\[PDF\]](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [复制索引](#)

▶ [Email Alert](#)

▶ [文章反馈](#)

▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

▶ [本刊中 包含“寄生线虫”的 相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

· [邹丰才](#)

· [吴绍强](#)

· [黄翠琴](#)

· [朱兴全](#)