

论著

湖北钉螺CO I序列差异的扩展研究

关飞 牛安欧* 韩庆霞 陈琼荣

430030 武汉, 华中科技大学同济医学院病原生物学系

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 目的 研究中国21株湖北钉螺细胞色素氧化酶I (cytochrome oxidase I, CO I) 基因序列差异和各地域株的亚种分化。方法 收集中国4省7地湖北钉螺标本, 提取基因组DNA后, PCR扩增CO I基因部分片段并进行序列测定。加入原有14株钉螺CO I序列, 用Clustal X进行序列比对后输入MEGA软件计算遗传距离, 并分析序列集变异情况。采用距离法构建系统进化树。结果 所有21株标本经过序列比对得到一致性长度为611 bp。序列集中变异位点为19.3%。编码203个氨基酸中仅有1个氨基酸的差异。21株钉螺平均遗传距离为0.0526, 其中四川、云南株与其他地域株之间差异较大为0.1296~0.1572, 其余两两之间的距离均<0.06。采用NJ和UPGMA两种方法构建系统进化树拓扑结构基本一致, 四川、云南株聚为一支, 其余株位于另外分支, 且湖北赤壁株及湖北远安、钟祥株显示出特异性。结论 中国大陆湖北钉螺CO I基因存在差异。原有分类中滇川、福建、指名、广西亚种成立。湖北赤壁株似为独立亚种。

关键词 [湖北钉螺](#); [细胞色素氧化酶I](#); [系统发育](#)

分类号

DOI: DOI: 10.3760/cma.j.issn.1673-4122.2011.01.007

通讯作者:

牛安欧 anouniu@mails.tjmu.edu.cn

作者个人主页:

关飞 牛安欧* 韩庆霞 陈琼荣

扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF](#) (2803KB)

▶ [\[HTML全文\]](#) (OKB)

▶ [参考文献\[PDF\]](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [引用本文](#)

▶ [Email Alert](#)

▶ [文章反馈](#)

▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

▶ [本刊中 包含“湖北钉螺; 细胞色素氧化酶I; 系统发育”的 相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

• [关飞 牛安欧* 韩庆霞 陈琼荣](#)