



三个基因与变形性骨关节炎发病率有关

文章来源: 科技日报 记者 刘海英

发布时间: 2010-05-07

【字号: 小 中 大】

最近欧洲一国际研究小组宣布,他们发现了与变形性骨关节炎相关的三个新基因,这些基因变异会影响到骨骼修复的速率,从而引发该种疾病。

变形性骨关节炎,又称佩吉特氏病,是一种以进行性风湿样骨关节痛、脊柱和四肢畸形、病理骨折及脑、脊髓压迫症状为主要特征的慢性骨疾病,其发病原因一直不明。变形性骨关节炎的发病率因地区、种族、年龄的不同而有很大差异,在西欧和澳大利亚、新西兰等地区更为多见。而英国受此疾病影响的人口多达100万,其比例远高于世界其他任何地方。

包括英国、西班牙、澳大利亚和新西兰等国科学家在内的一国际研究小组对1250名变形性骨关节炎患者的基因进行了研究。他们发现,相比于健康人,70%的变形性骨关节炎患者的CSF1、OPTN和TNFRSF11A基因更易出现缺陷。这表明这些基因在变形性骨关节炎的发病过程中起着至关重要的作用,也揭示了为什么这种疾病患者都有家族遗传史。而在此之前,研究人员只发现一种与该疾病有关的基因,其变异导致了大约10%的病例发生。

英国爱丁堡大学主持该项研究的风湿病学专家斯图亚特·拉斯顿教授表示,新基因的发现是变形性骨关节炎研究的一个重大进展,对确定该病的发病率具有明显的预测作用,这对于医生判断病人患上此种疾病的风险十分有帮助,使他们能在患者骨骼受到实质性损害之前采取有效的防治手段,以避免其骨骼出现不可逆转性的损伤。

该研究成果发表在最近的《自然遗传学》杂志在线版上。

[打印本页](#)[关闭本页](#)