



科学家发现乙肝癌变关键风险基因

文章来源：中国科学报 黄辛

发布时间：2012-12-21

【字号：小 中 大】

由复旦大学遗传工程国家重点实验室教授余龙领衔的科研团队，在最新研究中确定了人的STAT4和HLA-DQ基因是乙肝患者罹患肝癌的关键易感基因。12月17日，《自然—遗传学》杂志在线发表了该研究成果。

据了解，并不是所有的乙肝病人都会发展成肝癌患者。那么，为什么有些乙肝病人发生了癌变，而另一些病人不会发生呢？

余龙课题组联系了国内外30个课题组，和66位学者开展协作攻关，收集了国内7个地区、总计11799例乙型肝炎患者的血细胞DNA样本，其中包括5480例有乙肝病变的肝癌病例和6319例有乙肝病史但无肝癌的对照者。研究人员运用全基因组关联分析技术，比对分析了这两组人群的全基因组序列中近73万个单核苷酸多态位点的等位基因频率，最终在STAT4基因和HLA-DQ基因簇上发现了与乙肝癌变风险显著关联的易感基因位点，这在国际学术界尚属首次报道。

据悉，STAT4基因位于人的2号染色体，可能在抗病毒、抗肿瘤和免疫应答中发挥重要“预警”作用。该基因可调控人体内炎症的发展和肿瘤的生长。HLA-DQ基因簇位于人的6号染色体。该基因簇编码的蛋白质的主要功能是参与免疫调节，如调节免疫细胞分化、约束免疫细胞间的相互作用以及对免疫应答的遗传调控等，从而使免疫系统能保持强大功能，维持人体健康。

论文第一作者、复旦大学遗传所蒋德科博士表示，利用该研究成果，可以开发肝癌的基因预警试剂来筛查肝癌易感人群，从而提前对易感人群进行相应的综合干预，降低肝癌发病风险。

打印本页

关闭本页