


 中文标题  

基于matK基因的几种重要重楼属植物遗传关系分析

投稿时间：2009-04-14 责任编辑：[点此下载全文](#)

引用本文：马剑·李迪强·张于光·薛达元·基于matK基因的几种重要重楼属植物遗传关系分析[J].中国中药杂志,2010,35(1):18.

DOI：10.4268/cjcm20100103

摘要点击次数: 559

全文下载次数: 261

广告合作



作者中文名	作者英文名	单位中文名	单位英文名	E-Mail
马剑	MA Jian	中央民族大学 生命与环境科学院·北京 100081	College of Life and Environmental Sciences, Minzu University of China, Beijing 100081	
李迪强	LI Diqiang	中国林业科学研究院 森林生态环与保护研究所 国家林业局 森林生态环境重点实验室·北京 100091	Institute of Forest Ecology, Environment and Protection, and Key Laboratory of Forest Ecology and Environment of State Forestry Administration, Chinese Academy of Forestry, Beijing 100091, China	
张于光	ZHANG Yuguang	中国林业科学研究院 森林生态环与保护研究所 国家林业局 森林生态环境重点实验室·北京 100091	Institute of Forest Ecology, Environment and Protection, and Key Laboratory of Forest Ecology and Environment of State Forestry Administration, Chinese Academy of Forestry, Beijing 100091, China	
薛达元	XUE Dayuan	中央民族大学 生命与环境科学院·北京 100081	College of Life and Environmental Sciences, Minzu University of China, Beijing 100081	xuedayuan@hotmail.com

基金项目:国家“十一五”科技支撑计划项目(2006BAD03A1202);国家科技基础条件平台建设项目(2005DKA21404)

**中文摘要:**目的:利用叶绿体matK基因序列探讨重楼属植物的10个样品系统发育及分子鉴定,为重楼的保护和合理利用提供基本供理依据。方法:从分布于湖南省、云南省和吉林省的10个重要的重楼类群样品中提取总DNA,经扩增纯化后,利用PCR产物直接测序。结果:测定了10个重要的重楼类群样品的matK基因序列,序列长度为1039 bp,比较了该基因的差异,构建了基于matK基因序列的遗传进化树。结论:这10个重楼属植物样品可以划分为4个组群,matK基因序列的结果不支持长药隔重楼、滇重楼、短梗重楼、七叶一枝花成为独立的变种,建议作为多叶重楼的变型独立。

中文关键词:[重楼属](#) [matK基因](#) [遗传关系](#)

### Phylogenetic analyses of some important *Paris* species based on sequences of matK gene

**Abstract:**The matK genes of 10 samples in *Paris* from Hunan, Yunnan and Jilin provinces were sequenced and compared. The phylogenetic tree was constructed based on the matK gene sequences and the ten pairs samples were divided into four groups. The results did not support the reality of four taxa named *P. polypylala* var. *pseudohibetica*, *P. polypylala* var. *yunnanensis*, *P. polypylala* var. *appendiculata* and *P. polypylala* var. *chiinenis*. They are supposed to be treated as different forms of *P. polypylala* var. *polypylala*.

keywords:[Paris](#) [matK gene](#) [genetic evolution](#)[查看全文](#) [查看/发表评论](#) [下载PDF阅读器](#)