

研究报告

用PCR技术对原发性肝癌4号染色体标记的分析

朱明华

第四军医大学病理学教研室, 西安710032

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 应用聚合酶链反应扩增后变性聚丙烯酰胺凝胶电泳, 分析了45例原发性肝癌第4号染色体长臂10个微小卫星多态性基因标记, 以探讨等位基因变化与原发性肝癌发生的关系. 结果显示, 等位基因的杂合型丢失存在于45例中的12例肿瘤组织, 10个基因标志中7个出现杂合型丢失, 但丢失的频率较低, 占杂合型的31-12.9%. 结果表明, 第4号染色体的等位基因改变与原发性肝癌的发生有关, 但特征性不明显, 提示原发性肝癌的发生可能是一个多基因变化、多步骤的过程.

关键词 [原发性肝癌](#) [第4号染色体](#) [聚合酶链反应](#) [微小卫星多态性](#)

分类号

扩展功能

本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF\(0KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献](#)

服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [复制索引](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

- ▶ [本刊中 包含“原发性肝癌”的相关文章](#)
- ▶ [本文作者相关文章](#)
- [朱明华](#)

Abstract

Key words

DOI:

通讯作者