

IGF2基因PCR-RFLP多态性与脂肪沉积相关性状的关联分析

刘桂兰^{1, 2}, 蒋思文^{1, ①}, 熊远著¹, 郑嵘¹, 屈彦纯¹

1.华中农业大学农业部猪遗传育种重点开放实验室;武汉 430070; 2.华侨大学生物工程与技术系;泉州 362011

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 胰岛素样生长因子2在胎儿生长发育、肿瘤细胞增殖、肌肉生长等方面具有重要的调控作用,是影响猪瘦肉量的主要候选基因。采用PCR-RFLP技术,分析了IGF2基因第8内含子部分片段在猪资源家系群体中的Nci I酶切片段多态性分布。IGF2基因该片段具有两个Nci I酶切位点(切点位于第8内含子,分别记录为位点A和位点B),两位点在资源家系中均具有多态性。IGF2基因B位点酶切未突变个体均比酶切突变的个体背膘薄18.28% ($P < 0.01$),肥肉率低22.43% ($P < 0.01$),瘦肉率高8.71% ($P < 0.01$),位点A具有相同的影响趋势。在该研究群体中,IGF2基因发挥作用的方式主要为加性效应,可作为猪提高瘦肉率的候选基因。

关键词 [IGF2基因](#) [PCR-RFLP](#) [背膘厚](#) [猪](#)

分类号

Abstract

Key words

DOI:

通讯作者

扩展功能

本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF\(274KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献](#)

服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [复制索引](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

- ▶ 本刊中 包含“[IGF2基因](#)”的 [相关文章](#)
- ▶ 本文作者相关文章

- [刘桂兰](#)
- [蒋思文](#)
- [熊远著](#)
- [郑嵘](#)
- [屈彦纯](#)