

● 电子杂志
● 高影响力论文
● 友情链接
访问总次数

今日访问

当前在线

李梢, 张学工, 季梁, 李衍达. 复杂性疾病生物信息学研究的策略与方法.
世界华人消化杂志 2003年 10月;11(10):1465-1469

复杂性疾病生物信息学研究的策略与方法

李梢, 张学工, 季梁, 李衍达.

100084, 北京市海淀区清华园1号, 清华大学生物信息学研究所、生物信息学教育部重点实验室. shaoli@mail.tsinghua.edu.cn

本文简述近年来复杂性疾病生物信息学研究的策略与方法, 并介绍清华大学生物信息学教育部重点实验室的有关工作. 由于遗传、环境的相互作用及基因型-表型复杂的内部结构, 常用的家系研究、基于遗传图谱的连锁分析、基于物理图谱的定位克隆以及关联分析等单基因病策略与方法, 在复杂性疾病的分子机制研究上存在局限. 在后基因组时代, 生物信息学的发展, 为从分子水平和系统观念研究复杂性疾病, 以及研究模式从“序列→结构→功能”向“相互作用→网络→功能”的转变提供了契机. 从多因素分析、基因的相互作用着手研究复杂性疾病成为热点. 我们以信息、系统的观点, 从功能基因组系统学出发研究复杂性疾病的机制, 并在复杂性疾病的基因组合及相互作用信息提取、复杂性疾病基因转录水平和表达水平的芯片分析、多层次生物信息整合、分子调控网络建模、中医药生物信息学等方面进行了有益的尝试.

世界胃肠病学杂志社, 北京百世登生物医学科技有限公司, 100023, 北京市2345信箱, 郎辛庄北路58号院怡寿园1066号

电话: 010-85381892

传真: 010-85381893

E-mail: wjg@wjgnet.com

http: //www.wjgnet.com

2004-2007年版权归世界胃肠病学杂志社和北京百世登生物医学科技有限公司