

论著

梭曼单链抗体酶EP₆作用机理的计算机模拟

胡远东, 郑志兵, 王字玲, 焦克芳, 荣康泰, 李松

(北京毒物药物研究所, 北京 100850)

收稿日期 2000-4-21 修回日期 网络版发布日期 2009-2-23 接受日期 2000-11-6

摘要 在梭曼抗体酶EP₆V可变区(EP₆V)三维结构的基础上利用自动柔性分子对接方法获得了P_RC_R-梭曼与EP₆V复合物的结构, 结构分析和相互作用能计算结果表明, 氢键和静电作用在EP₆V和P_RC_R-梭曼结合中起关键作用, 抗体酶重链Asn 52和轻链Tyr 95在水解过程中起了关键作用, 在生理条件下水分子在水解过程中也将起重要作用.

关键词 梭曼 抗体酶 蛋白质结构, 三级 水解作用 计算机模拟

分类号 [R966](#)

Computer modeling on the abzyme catalyzing soman hydrolysis

HU Yuan-Dong, ZHENG Zhi-Bing, WANG Zi-Ling, JIAO Ke-Fang, RONG Kang-Tai, LI Song

(Beijing Institute of Pharmacology and Toxicology, Beijing 100850, China)

Abstract

The P_RC_R-soman was docked into the active sites of variable region of abzyme EP₆(EP₆V) using the automated flexible docking procedure(Affinity), the complex structure of soman EP₆V and the interaction energy between soman and EP₆V show H-bond and electrostatic interaction are important. The residues of the heavy chain Asn 52 and light chain Tyr 95 play a key role in the process of the soman hydrolysis, and water molecule is also important in this process under the physiologic conditions.

Key words [soman](#) [antibodies](#) [catalytic](#) [protein structure](#) [tertiary](#) [hydrolysis](#) [computer modeling](#)

DOI:

通讯作者

扩展功能

本文信息

- [Supporting info](#)
- [PDF\(168KB\)](#)
- [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)

参考文献

服务与反馈

- [把本文推荐给朋友](#)
- [加入我的书架](#)
- [加入引用管理器](#)
- [复制索引](#)

[Email Alert](#)

[文章反馈](#)

[浏览反馈信息](#)

相关信息

► [本刊中包含“梭曼”的相关文章](#)

► 本文作者相关文章

- [胡远东](#)
- [郑志兵](#)
- [王字玲](#)
- [焦克芳](#)
- [荣康泰](#)
- [李松](#)